

Supplemental material 1

Table S1. Terminal taxa for molecular phylogeny and respective GenBank accession numbers.

Espécie	CYTB	ND4	RAG2
<i>Diplomystes nahuelbutaensis</i>	MN640590	KJ174985	DQ492317
<i>Nematogenys inermis</i>	—	AY307250	KY858182
<i>Callichthys callichthys</i>	KP960058	HM114437	DQ492324
<i>Trichogenes longipinnis</i>	MK123704	MN389484	MF431117
<i>Microcambeva ribeirae</i>	—	MN389502	MN385832
<i>'Trichomycterus' areolatus</i>	FJ772214	AP012026	KY858188
<i>Ituglanis boitata</i>	MK123706	MN389485	MK123758
<i>Scleronema minutum</i>	MK123707	MN389486	MK123759
<i>Cambeva cf. cubataonis</i>	MK123713	MN389487	MN385820
<i>Trichomycterus nigricans</i>	MK123723	MN389488	MK123765
<i>Trichomycterus mimonha</i>	MW196758	OM324343	MW196783
<i>Trichomycterus fuliginosus</i>	MW196759	OM324344	MW196784
<i>Trichomycterus brunoi</i>	MW196760	OM324345	MW196785
<i>Trichomycterus mirissumba</i>	MW196761	OM324346	MW196786
<i>Trichomycterus pirabitira</i>	KY858051	OM324341	OMXXXX
<i>Trichomycterus araxa</i>	OM250023	OM250024	OM250025
<i>Trichomycterus macrotrichopterus</i>	MW196762	OM324338	MW196787
<i>Trichomycterus brasiliensis</i>	MK123717	OM324347	MK123763
<i>Trichomycterus cf candidus</i>	MK123718	—	MW196788
<i>Trichomycterus potschi</i>	MW196763	OM324348	MW196789
<i>Trichomycterus claudiae</i>	MW196764	OM324342	MW196790
<i>Trichomycterus novalimensis</i>	MW196765	OM324339	MW196791
<i>Trichomycterus rubiginosus</i>	MK123728	OM324340	MK123767
<i>Trichomycterus albinotatus</i>	MK123716	OM324337	MN812990

Table S2. Best-fitting models.

Partition	pairs	Evolutionary model for ML analysis (17 taxa)	Evolutionary model for BI analysis 2 (17 taxa)	Evolutionary model for BI analysis 2 (24 taxa)
CYTB 1 st	45	K2P+I	K2P+I	GTR+G
CYTB 2 nd	44	TN+F+I	HKY+I	HKY+I+G
CYTB 3 rd	44	TN+F	GTR+G	TN93+G
ND4 1 st	31	K2P+I	K2P+I	GTR+G
ND4 2 nd	31	F81+F+I	HKY+I	HKY+I+G
ND4 3 rd	31	TN+F+G4	GTR+G	TN93+G
RAG2 1 st	73	K2P+G4	K2P	K80
RAG2 2 nd	73	K3P+I	K2P+I	SYM+G
RAG2 3 rd	73	K2P	K2P+I	K80