

This supplementary item contains three data items:

1. Distance matrix of the ITS alignment (uncorrected "p" distance). Only full-length ITS sequences were kept. The alignment was trimmed to start at the first base of the ITS1 and end at the last base of the ITS2.
2. Distance matrix of the ITS alignment (GTR distance). Only full-length ITS sequences were kept. The alignment was trimmed to start at the first base of the ITS1 and end at the last base of the ITS2.
3. The multiple sequence alignment itself.

1. Distance matrix of the ITS alignment (uncorrected "p" distance).

paup> DSet distance=P;

Uncorrected ("p") distance matrix
711 characters are included

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
1 T punctatumMJ7472	-									
2 T punctatumMJ10058	0.00000	-								
3 T pulchellumFritz2010-1	0.11825	0.11825	-							
4 T pulchellumAH12967	0.11294	0.11294	0.00475	-						
5 T striatumFritz2010-2	0.11476	0.11476	0.03513	0.03676	-					
6 T striatumAH15543	0.11642	0.11642	0.04151	0.04314	0.01118	-				
7 T fimbriatumMJ8773	0.08233	0.08233	0.11888	0.11390	0.11435	0.11767	-			
8 T fimbriatumMånsson991010	0.08998	0.08998	0.13150	0.12662	0.11977	0.12305	0.05023	-		
9 T fimbriatumMJ7332	0.09006	0.09006	0.13313	0.12825	0.12142	0.12469	0.05183	0.00156	-	
10 T fimbriatumMJ060330Bl	0.09006	0.09006	0.13313	0.12825	0.12142	0.12469	0.05183	0.00156	0.00000	-
11 T fimbriatumMJ7025	0.09006	0.09006	0.13313	0.12825	0.12142	0.12469	0.05183	0.00156	0.00000	0.00000
12 T fimbriatumMJ7926	0.09006	0.09006	0.13313	0.12825	0.12142	0.12469	0.05183	0.00156	0.00000	0.00000
13 T fimbriatumFiny8	0.09006	0.09006	0.13313	0.12825	0.12142	0.12469	0.05183	0.00156	0.00000	0.00000
14 T fimbriatumMJ7372	0.09006	0.09006	0.13313	0.12825	0.12142	0.12469	0.05183	0.00156	0.00000	0.00000
15 T fimbriatumNJ7351	0.09006	0.09006	0.13313	0.12825	0.12142	0.12469	0.05183	0.00156	0.00000	0.00000
16 T fimbriatumKnudsen00190	0.08985	0.08985	0.13286	0.12799	0.12118	0.12447	0.05170	0.00313	0.00156	0.00156
17 T fimbriatumKnudsen0171	0.08977	0.08977	0.13292	0.12805	0.12287	0.12288	0.05164	0.02187	0.02030	0.02030
18 T sp.4Finy12	0.08439	0.08439	0.13057	0.12577	0.12701	0.12860	0.09969	0.13053	0.12894	0.12894
19 T winterhoffiATLAS SOJ15	0.08817	0.08817	0.12662	0.12500	0.11818	0.12478	0.05168	0.04382	0.04226	0.04226
20 T winterhoffiZFM74 2	0.08817	0.08817	0.12662	0.12500	0.11818	0.12478	0.05168	0.04382	0.04226	0.04226
21 T winterhoffiMJ7761	0.08817	0.08817	0.12662	0.12500	0.11818	0.12478	0.05168	0.04382	0.04226	0.04226

22	T	winterhoffimMJ2379	0.08817	0.08817	0.12662	0.12500	0.11818	0.12478	0.05168	0.04382	0.04226	0.04226
23	T	sp.3MJ4935	0.08676	0.08676	0.12545	0.12055	0.11361	0.12020	0.04552	0.04239	0.04082	0.04082
24	T	sp.1MJ7762	0.08870	0.08870	0.17317	0.16839	0.16051	0.15881	0.12259	0.13736	0.13894	0.13894
25	T	sp.2MJ8710	0.07321	0.07321	0.14502	0.14018	0.14312	0.14143	0.09908	0.10489	0.10647	0.10647
26	T	sp.2MJ8701	0.07150	0.07150	0.14340	0.13855	0.14149	0.13980	0.10069	0.10646	0.10804	0.10804
27	T	cyclophorum Lowen99	0.08040	0.08040	0.16096	0.15613	0.15117	0.14627	0.11910	0.12956	0.13116	0.13116
28	T	cyclophorumAH16885	0.07869	0.07869	0.15936	0.15452	0.14955	0.14465	0.11747	0.12792	0.12953	0.12953
29	T	cyclophorumAH19564	0.08216	0.08216	0.16098	0.15614	0.15119	0.14629	0.12077	0.13114	0.13275	0.13275
30	T	cyclophorumMJ8862	0.08042	0.08042	0.16095	0.15612	0.15116	0.14626	0.11911	0.12951	0.13111	0.13111
31	T	obesumMJ8695	0.09000	0.09000	0.15394	0.14914	0.14403	0.14243	0.11933	0.12825	0.12984	0.12984
32	T	obesumMJ8707	0.09000	0.09000	0.15394	0.14914	0.14403	0.14243	0.11933	0.12825	0.12984	0.12984
33	T	obesumAH20901	0.09000	0.09000	0.15394	0.14914	0.14403	0.14243	0.11933	0.12825	0.12984	0.12984
34	T	lloydiiAH31155	0.10544	0.10544	0.14471	0.14311	0.14592	0.14595	0.11774	0.13573	0.13415	0.13415
35	T	lloydii Lahti201210	0.10544	0.10544	0.14471	0.14311	0.14592	0.14595	0.11774	0.13573	0.13415	0.13415
36	T	fulvellumKabat970428	0.12585	0.12585	0.16537	0.16054	0.15774	0.15779	0.11386	0.13379	0.13220	0.13220
37	T	grandisporumMJ6633	0.09539	0.09539	0.14346	0.14192	0.14177	0.14338	0.11442	0.11610	0.11455	0.11455
38	T	grandisporumMJ8907	0.09563	0.09563	0.14710	0.14554	0.14544	0.14381	0.11463	0.11630	0.11475	0.11475
39	T	grandisporumMJ8793	0.09549	0.09549	0.14350	0.14195	0.14182	0.14345	0.11116	0.11138	0.10983	0.10983
40	T	grandisporumFinyl0	0.09566	0.09566	0.14567	0.14412	0.14398	0.14398	0.11319	0.11485	0.11329	0.11329
41	T	grandisporumBruzek131208	0.09563	0.09563	0.14710	0.14554	0.14544	0.14381	0.11463	0.11630	0.11475	0.11475
42	T	sp.16Knudsen99-337	0.13249	0.13249	0.15690	0.16174	0.15679	0.15025	0.12156	0.14519	0.14515	0.14515
43	T	pseudopulchellumAH11603	0.11995	0.11995	0.15824	0.15348	0.16694	0.16695	0.12531	0.12743	0.12585	0.12585
44	T	pseudopulchellumAH11605	0.11995	0.11995	0.15824	0.15348	0.16694	0.16695	0.12531	0.12743	0.12585	0.12585
45	T	pannicumMJ990617a	0.12182	0.12182	0.15042	0.14568	0.15586	0.16068	0.12731	0.13078	0.12919	0.12919
46	T	pannicumMJ8715	0.12380	0.12380	0.15216	0.14743	0.15761	0.16245	0.12747	0.13249	0.13090	0.13090
47	T	pannicumMJ7764	0.12182	0.12182	0.15042	0.14568	0.15586	0.16068	0.12731	0.13078	0.12919	0.12919
48	T	pannicumMJ7803	0.12354	0.12354	0.15202	0.14729	0.15749	0.16230	0.12574	0.13238	0.13080	0.13080
49	T	submembranaceumAH15132	0.12361	0.12361	0.18407	0.17922	0.18090	0.18577	0.15100	0.14965	0.14809	0.14809
50	T	sp.15MJ9295	0.13461	0.13461	0.16064	0.15737	0.16072	0.16229	0.13545	0.13102	0.13261	0.13261
51	T	sp.15MJ9296	0.13461	0.13461	0.16064	0.15736	0.16074	0.16231	0.13548	0.13102	0.13260	0.13260
52	T	sp.15MJ660617b	0.12994	0.12994	0.15919	0.15588	0.15924	0.16085	0.12828	0.12528	0.12687	0.12687
53	T	sp.10MJ3813	0.08344	0.08344	0.13696	0.13214	0.13368	0.13533	0.10061	0.10897	0.10737	0.10737
54	T	sp.10MJ6198	0.09264	0.09264	0.13244	0.12764	0.13082	0.13567	0.10934	0.11602	0.11440	0.11440
55	T	sp.11MJ881114	0.09078	0.09078	0.13864	0.13385	0.14368	0.14203	0.11879	0.12558	0.12398	0.12398
56	T	sp.12AH15040	0.08561	0.08561	0.13711	0.13232	0.13888	0.13722	0.11255	0.12078	0.11917	0.11917
57	T	sp.13Long11161	0.09090	0.09090	0.13961	0.13479	0.14237	0.14401	0.11516	0.12780	0.12620	0.12620
58	T	sp.9MJ3787	0.09416	0.09416	0.13527	0.13045	0.13236	0.13075	0.10176	0.11240	0.11404	0.11404
59	T	sp.9MJ4966	0.09406	0.09406	0.13348	0.12868	0.13058	0.12898	0.10006	0.11070	0.11233	0.11233
60	T	sp.9MJ4976	0.09412	0.09412	0.13671	0.13190	0.13381	0.13222	0.10330	0.11387	0.11550	0.11550
61	T	sp.7Finyl	0.09165	0.09165	0.13323	0.12831	0.13429	0.13259	0.10434	0.11410	0.11570	0.11570

62	T	sp.8MJ3830	0.09819	0.09819	0.11144	0.10981	0.11147	0.11330	0.09726	0.10007	0.10000	0.10000
63	T	sp.8MJ6081	0.10347	0.10347	0.11133	0.11326	0.11139	0.11323	0.10080	0.10364	0.10360	0.10360
64	T	sp.8MJ7795	0.09819	0.09819	0.11144	0.10981	0.11147	0.11330	0.09726	0.10007	0.10000	0.10000
65	T	kotlabaeBoertmann79074	0.10013	0.10013	0.12400	0.12238	0.11879	0.12057	0.10918	0.10676	0.10674	0.10674
66	T	kotlabaeMJ5597	0.09316	0.09316	0.11725	0.11562	0.11369	0.11548	0.10406	0.10163	0.10161	0.10161
67	T	kotlabaeMJ9585	0.09319	0.09319	0.11903	0.11740	0.11375	0.11556	0.10408	0.10165	0.10163	0.10163
68	T	kotlabaeMJ7187	0.09312	0.09312	0.11892	0.11730	0.11367	0.11546	0.10398	0.10156	0.10153	0.10153
69	T	kotlabaePavel1140118	0.09489	0.09489	0.12069	0.11907	0.11543	0.11722	0.10582	0.10339	0.10337	0.10337
70	T	aff. cretaceumKnudsen01.79	0.11569	0.11569	0.15249	0.14767	0.14935	0.14932	0.12171	0.13599	0.13440	0.13440
71	T	aff. cretaceumMJ3821	0.11055	0.11055	0.14301	0.13819	0.14141	0.14139	0.12032	0.13299	0.13140	0.13140
72	T	aff. cretaceumMJ6194	0.11548	0.11548	0.15421	0.14940	0.15103	0.15099	0.12339	0.13607	0.13449	0.13449
73	T	aff. cretaceumAH3995	0.11713	0.11713	0.15262	0.15101	0.14940	0.14936	0.12496	0.13768	0.13610	0.13610
74	T	aff. cretaceumMJ9304	0.11372	0.11372	0.15261	0.14780	0.14941	0.14937	0.12498	0.13765	0.13608	0.13608
75	T	sp.5MJ10060	0.09448	0.09448	0.17391	0.16906	0.16437	0.16435	0.12708	0.13043	0.12885	0.12885
76	T	sp.5Bruzek131207	0.09448	0.09448	0.17391	0.16906	0.16437	0.16435	0.12708	0.13043	0.12885	0.12885
77	T	simulansBruzek131201	0.11999	0.11999	0.14087	0.13592	0.13470	0.13979	0.11939	0.12789	0.12789	0.12789
78	T	simulansBruzek140214	0.11999	0.11999	0.14087	0.13592	0.13470	0.13979	0.11939	0.12789	0.12789	0.12789
79	T	simulansMJ040221	0.11643	0.11643	0.13751	0.13255	0.13456	0.13966	0.11932	0.12785	0.12787	0.12787
80	T	simulansAH15633	0.11827	0.11827	0.13746	0.13250	0.13298	0.13807	0.11767	0.12450	0.12450	0.12450
81	T	simulansMJ9064	0.12000	0.12000	0.13916	0.13420	0.13467	0.13975	0.11937	0.12616	0.12617	0.12617
82	T	simulansKnudsen01.70m	0.11819	0.11819	0.13754	0.13259	0.13459	0.13970	0.11935	0.12792	0.12793	0.12793
83	T	simulansMJ7865	0.11821	0.11821	0.13601	0.13104	0.13291	0.13802	0.11764	0.12467	0.12467	0.12467
84	T	simulansMrzek1313	0.11827	0.11827	0.13746	0.13250	0.13298	0.13807	0.11767	0.12450	0.12450	0.12450
85	T	simulansMJ3871	0.11477	0.11477	0.13928	0.13432	0.13635	0.14146	0.12111	0.12966	0.12968	0.12968
86	T	simulansMJ3844	0.11467	0.11467	0.14095	0.13599	0.13801	0.14311	0.12280	0.13133	0.13136	0.13136
87	T	simulansMJ4902	0.11642	0.11642	0.13922	0.13426	0.13629	0.14139	0.12105	0.12959	0.12961	0.12961
88	T	simulansMJ5497	0.11467	0.11467	0.14095	0.13599	0.13801	0.14311	0.12280	0.13133	0.13136	0.13136
89	T	aff.excentricumLong9369	0.13213	0.13213	0.16658	0.16160	0.16496	0.17003	0.14977	0.15199	0.15201	0.15201
90	T	brumaleMJ8372	0.11140	0.11140	0.13454	0.12951	0.12675	0.13178	0.11950	0.12270	0.12271	0.12271
91	T	brumaleMJ4597	0.11157	0.11157	0.13476	0.12973	0.12694	0.13199	0.11968	0.12287	0.12289	0.12289
92	T	brumaleMJ7532	0.11140	0.11140	0.13454	0.12951	0.12675	0.13178	0.11950	0.12270	0.12271	0.12271
93	T	brumaleFiny9	0.10983	0.10983	0.13301	0.12797	0.12521	0.13023	0.11798	0.12116	0.12118	0.12118
94	T	brumaleBruzek1131229	0.11140	0.11140	0.13454	0.12951	0.12675	0.13178	0.11950	0.12270	0.12271	0.12271
95	T	brumaleBruzek140112	0.11316	0.11316	0.13624	0.13121	0.12844	0.13346	0.12121	0.12438	0.12441	0.12441
96	T	brumaleO58849	0.11140	0.11140	0.13454	0.12951	0.12675	0.13178	0.11950	0.12270	0.12271	0.12271
97	T	brumaleMJ5785	0.10968	0.10968	0.13624	0.13121	0.12844	0.13346	0.12121	0.12438	0.12441	0.12441
98	T	brumaleMJ6427	0.10968	0.10968	0.13286	0.12783	0.12506	0.13007	0.11786	0.12104	0.12106	0.12106
99	T	sp.17AH13674	0.09948	0.09948	0.15370	0.14870	0.14746	0.15239	0.12464	0.12117	0.12123	0.12123
100	T	sp.18MJ9046	0.10102	0.10102	0.12465	0.11950	0.12823	0.12993	0.11040	0.12147	0.12150	0.12150
101	T	sp.20MJ5015	0.11714	0.11714	0.13786	0.13256	0.13967	0.14497	0.12087	0.13056	0.13055	0.13055

102	T	eckbladii TRH9565	0.10630	0.10630	0.12787	0.12619	0.12445	0.12981	0.12186	0.12471	0.12469	0.12469
103	T	eckbladiiO58850	0.10630	0.10630	0.12787	0.12619	0.12445	0.12981	0.12186	0.12471	0.12469	0.12469
104	T	giovanellaeMJ9059	0.10075	0.10075	0.12607	0.12087	0.12779	0.12969	0.10770	0.11225	0.11219	0.11219
105	T	caespitosum acaule	0.09900	0.09900	0.12434	0.11914	0.12605	0.12795	0.10596	0.11051	0.11045	0.11045
106	T	giovanellaeMJ8706	0.10074	0.10074	0.12260	0.11740	0.12431	0.12620	0.10594	0.11053	0.11047	0.11047
107	T	giovalellaeAH11641	0.09908	0.09908	0.12277	0.11756	0.12448	0.12637	0.10595	0.11053	0.11046	0.11046
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.10979	0.10979	0.13466	0.12950	0.13650	0.13824	0.11039	0.11442	0.11452	0.11452
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.10979	0.10979	0.13466	0.12950	0.13650	0.13824	0.11039	0.11442	0.11452	0.11452
110	T	beccarianumFiny2	0.10981	0.10981	0.13471	0.12956	0.13656	0.13828	0.11041	0.11446	0.11457	0.11457
111	T	sp.19Molia140115-2	0.10671	0.10671	0.13144	0.12635	0.13151	0.13486	0.13382	0.13911	0.13919	0.13919
112	T	niveumMJ7692	0.10984	0.10984	0.12815	0.12646	0.12828	0.13007	0.10639	0.11058	0.11055	0.11055
113	T	niveumMJ7699	0.10984	0.10984	0.12815	0.12646	0.12828	0.13007	0.10639	0.11058	0.11055	0.11055
114	T	calcareumBrelisO133	0.09592	0.09592	0.15187	0.15026	0.14856	0.15029	0.11492	0.12159	0.11998	0.11998
115	T	calcareumMJ7141	0.09592	0.09592	0.15187	0.15026	0.14856	0.15029	0.11492	0.12159	0.11998	0.11998
116	T	calcareumMJ2010	0.09592	0.09592	0.15187	0.15026	0.14856	0.15029	0.11492	0.12159	0.11998	0.11998
117	T	calcareumMJ8065	0.09592	0.09592	0.15187	0.15026	0.14856	0.15029	0.11492	0.12159	0.11998	0.11998
118	T	calcareumMJ6375	0.09592	0.09592	0.15187	0.15026	0.14856	0.15029	0.11492	0.12159	0.11998	0.11998
119	T	calcareumMJ6965	0.09592	0.09592	0.15187	0.15026	0.14856	0.15029	0.11492	0.12159	0.11998	0.11998
120	T	calcareumMJ6438	0.09950	0.09950	0.15510	0.15349	0.15183	0.15356	0.11817	0.12473	0.12313	0.12313
121	T	calcareumFiny4	0.09592	0.09592	0.15187	0.15026	0.14856	0.15029	0.11492	0.12159	0.11998	0.11998
122	T	subsquamosumMJ6002	0.11157	0.11157	0.15799	0.15318	0.15483	0.15816	0.11989	0.13146	0.12987	0.12987
123	T	subsquamosumMJ9336	0.11501	0.11501	0.15643	0.15485	0.15327	0.15660	0.12160	0.13307	0.13148	0.13148
124	T	subsquamosumMJ4945	0.11503	0.11503	0.15645	0.15487	0.15325	0.15658	0.12322	0.13309	0.13150	0.13150
125	T	subsquamosumAH19024	0.11503	0.11503	0.15645	0.15487	0.15325	0.15658	0.12322	0.13309	0.13150	0.13150
126	T	subsquamosumMJ6563	0.11503	0.11503	0.15645	0.15487	0.15325	0.15658	0.12322	0.13309	0.13150	0.13150
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.11683	0.11683	0.15813	0.15653	0.15495	0.15827	0.12648	0.13627	0.13469	0.13469
128	T	squamosumEL260-06	0.10992	0.10992	0.15160	0.14677	0.15162	0.15654	0.12126	0.13432	0.13273	0.13273
129	T	squamosumMrazek1300	0.10992	0.10992	0.15160	0.14677	0.15162	0.15654	0.12126	0.13432	0.13273	0.13273
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.09543	0.09543	0.14784	0.14463	0.14620	0.15105	0.11496	0.12006	0.11847	0.11847
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.09543	0.09543	0.14784	0.14463	0.14620	0.15105	0.11496	0.12006	0.11847	0.11847
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.09292	0.09292	0.15189	0.14703	0.14707	0.15198	0.11502	0.12634	0.12472	0.12472
133	T	melanocyclusMJ6036	0.09292	0.09292	0.15189	0.14703	0.14707	0.15198	0.11502	0.12634	0.12472	0.12472
134	T	melanocyclusMJ9596	0.09471	0.09471	0.15352	0.14866	0.14873	0.15363	0.11663	0.12796	0.12634	0.12634
135	T	melanocyclusM011215	0.09472	0.09472	0.15192	0.14704	0.14711	0.15204	0.11663	0.12793	0.12631	0.12631
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.09465	0.09465	0.15190	0.14704	0.14706	0.15197	0.11666	0.12791	0.12629	0.12629
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.09472	0.09472	0.15192	0.14704	0.14711	0.15204	0.11663	0.12793	0.12631	0.12631
138	T	melanocyclusMJ8815	0.09292	0.09292	0.15189	0.14703	0.14707	0.15198	0.11502	0.12634	0.12472	0.12472
139	T	melanocyclusMJ090418	0.09292	0.09292	0.15189	0.14703	0.14707	0.15198	0.11502	0.12634	0.12472	0.12472
140	T	domingueziaeHQ667593	0.09928	0.09928	0.14525	0.14371	0.13871	0.14196	0.11508	0.11868	0.12027	0.12027
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.09928	0.09928	0.14525	0.14371	0.13871	0.14196	0.11508	0.11868	0.12027	0.12027

142 T rufumLectotype1908USA 0.09614 0.09614 0.13441 0.13284 0.12773 0.13453 0.11401 0.12347 0.12506 0.12506

Uncorrected ("p") distance matrix (continued)

	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20
11 T fimbriatumMJ7025	-									
12 T fimbriatumMJ7926	0.00000	-								
13 T fimbriatumFiny8	0.00000	0.00000	-							
14 T fimbriatumMJ7372	0.00000	0.00000	0.00000	-						
15 T fimbriatumNJ7351	0.00000	0.00000	0.00000	0.00000	-					
16 T fimbriatumKnudsen00190	0.00156	0.00156	0.00156	0.00156	0.00156	-				
17 T fimbriatumKnudsen0171	0.02030	0.02030	0.02030	0.02030	0.02030	0.01872	-			
18 T sp.4Finy12	0.12894	0.12894	0.12894	0.12894	0.12894	0.12870	0.12555	-		
19 T winterhoffiATLAS SOJ15	0.04226	0.04226	0.04226	0.04226	0.04226	0.04217	0.04528	0.13043	-	
20 T winterhoffiZFM74 2	0.04226	0.04226	0.04226	0.04226	0.04226	0.04217	0.04528	0.13043	0.00000	-
21 T winterhoffiMJ7761	0.04226	0.04226	0.04226	0.04226	0.04226	0.04217	0.04528	0.13043	0.00000	0.00000
22 T winterhoffiMJ2379	0.04226	0.04226	0.04226	0.04226	0.04226	0.04217	0.04528	0.13043	0.00000	0.00000
23 T sp.3MJ4935	0.04082	0.04082	0.04082	0.04082	0.04082	0.04075	0.04228	0.12457	0.03764	0.03764
24 T sp.1MJ7762	0.13894	0.13894	0.13894	0.13894	0.13894	0.13869	0.13089	0.15102	0.13407	0.13407
25 T sp.2MJ8710	0.10647	0.10647	0.10647	0.10647	0.10647	0.10623	0.09671	0.13142	0.10812	0.10812
26 T sp.2MJ8701	0.10804	0.10804	0.10804	0.10804	0.10804	0.10780	0.09828	0.12979	0.10651	0.10651
27 T cyclophorum Lowen99	0.13116	0.13116	0.13116	0.13116	0.13116	0.13094	0.12135	0.13340	0.12337	0.12337
28 T cyclophorumAH16885	0.12953	0.12953	0.12953	0.12953	0.12953	0.12930	0.11971	0.13177	0.12174	0.12174
29 T cyclophorumAH19564	0.13275	0.13275	0.13275	0.13275	0.13275	0.13252	0.12293	0.13182	0.12495	0.12495
30 T cyclophorumMJ8862	0.13111	0.13111	0.13111	0.13111	0.13111	0.13089	0.12130	0.13336	0.12334	0.12334
31 T obesumMJ8695	0.12984	0.12984	0.12984	0.12984	0.12984	0.12955	0.12483	0.12552	0.12339	0.12339
32 T obesumMJ8707	0.12984	0.12984	0.12984	0.12984	0.12984	0.12955	0.12483	0.12552	0.12339	0.12339
33 T obesumAH20901	0.12984	0.12984	0.12984	0.12984	0.12984	0.12955	0.12483	0.12552	0.12339	0.12339
34 T lloydiiAH31155	0.13415	0.13415	0.13415	0.13415	0.13415	0.13391	0.13709	0.15310	0.13083	0.13083
35 T lloydii Lahti201210	0.13415	0.13415	0.13415	0.13415	0.13415	0.13391	0.13709	0.15310	0.13083	0.13083
36 T fulvellumKabat970428	0.13220	0.13220	0.13220	0.13220	0.13220	0.13194	0.13358	0.14655	0.12230	0.12230
37 T grandisporumMJ6633	0.11455	0.11455	0.11455	0.11455	0.11455	0.11434	0.11593	0.14138	0.11597	0.11597
38 T grandisporumMJ8907	0.11475	0.11475	0.11475	0.11475	0.11475	0.11452	0.11297	0.14322	0.11621	0.11621
39 T grandisporumMJ8793	0.10983	0.10983	0.10983	0.10983	0.10983	0.10962	0.11121	0.13827	0.11281	0.11281
40 T grandisporumFiny10	0.11329	0.11329	0.11329	0.11329	0.11329	0.11309	0.11307	0.14176	0.11476	0.11476
41 T grandisporumBruzek131208	0.11475	0.11475	0.11475	0.11475	0.11475	0.11452	0.11297	0.14322	0.11621	0.11621
42 T sp.16Knudsen99-337	0.14515	0.14515	0.14515	0.14515	0.14515	0.14487	0.14479	0.17472	0.13544	0.13544
43 T pseudopulchellumAH11603	0.12585	0.12585	0.12585	0.12585	0.12585	0.12724	0.13675	0.15447	0.13067	0.13067
44 T pseudopulchellumAH11605	0.12585	0.12585	0.12585	0.12585	0.12585	0.12724	0.13675	0.15447	0.13067	0.13067
45 T panninicumMJ990617a	0.12919	0.12919	0.12919	0.12919	0.12919	0.13058	0.14183	0.14888	0.13244	0.13244

46	T	pannonicumMJ8715	0.13090	0.13090	0.13090	0.13090	0.13090	0.13230	0.14356	0.14903	0.13256	0.13256
47	T	pannonicumMJ7764	0.12919	0.12919	0.12919	0.12919	0.12919	0.13058	0.14183	0.14888	0.13244	0.13244
48	T	pannonicumMJ7803	0.13080	0.13080	0.13080	0.13080	0.13080	0.13217	0.14342	0.14728	0.13084	0.13084
49	T	submembranaceumAH15132	0.14809	0.14809	0.14809	0.14809	0.14809	0.15103	0.15106	0.18584	0.15441	0.15441
50	T	sp.15MJ9295	0.13261	0.13261	0.13261	0.13261	0.13261	0.13561	0.13564	0.15488	0.14386	0.14386
51	T	sp.15MJ9296	0.13260	0.13260	0.13260	0.13260	0.13260	0.13561	0.13564	0.15486	0.14386	0.14386
52	T	sp.15MJ660617b	0.12687	0.12687	0.12687	0.12687	0.12687	0.12991	0.12997	0.15165	0.13663	0.13663
53	T	sp.10MJ3813	0.10737	0.10737	0.10737	0.10737	0.10737	0.10721	0.10884	0.11794	0.11537	0.11537
54	T	sp.10MJ6198	0.11440	0.11440	0.11440	0.11440	0.11440	0.11425	0.11753	0.12466	0.11757	0.11757
55	T	sp.11MJ881114	0.12398	0.12398	0.12398	0.12398	0.12398	0.12378	0.12386	0.12785	0.12382	0.12382
56	T	sp.12AH15040	0.11917	0.11917	0.11917	0.11917	0.11917	0.11899	0.11907	0.12306	0.11905	0.11905
57	T	sp.13Long11161	0.12620	0.12620	0.12620	0.12620	0.12620	0.12593	0.12426	0.11433	0.12273	0.12273
58	T	sp.9MJ3787	0.11404	0.11404	0.11404	0.11404	0.11404	0.11384	0.11872	0.13574	0.11059	0.11059
59	T	sp.9MJ4966	0.11233	0.11233	0.11233	0.11233	0.11233	0.11214	0.11701	0.13396	0.10887	0.10887
60	T	sp.9MJ4976	0.11550	0.11550	0.11550	0.11550	0.11550	0.11530	0.12018	0.13723	0.11204	0.11204
61	T	sp.7Finyl	0.11570	0.11570	0.11570	0.11570	0.11570	0.11549	0.11712	0.12005	0.11722	0.11722
62	T	sp.8MJ3830	0.10000	0.10000	0.10000	0.10000	0.10000	0.09982	0.10539	0.11848	0.10477	0.10477
63	T	sp.8MJ6081	0.10360	0.10360	0.10360	0.10360	0.10360	0.10339	0.10894	0.12195	0.10491	0.10491
64	T	sp.8MJ7795	0.10000	0.10000	0.10000	0.10000	0.10000	0.09982	0.10539	0.11848	0.10477	0.10477
65	T	kotlabaeBoertmann79074	0.10674	0.10674	0.10674	0.10674	0.10674	0.10654	0.11220	0.11515	0.10479	0.10479
66	T	kotlabaeMJ5597	0.10161	0.10161	0.10161	0.10161	0.10161	0.10141	0.10703	0.11176	0.09957	0.09957
67	T	kotlabaeMJ9585	0.10163	0.10163	0.10163	0.10163	0.10163	0.10143	0.10707	0.11185	0.09961	0.09961
68	T	kotlabaeMJ7187	0.10153	0.10153	0.10153	0.10153	0.10153	0.10133	0.10695	0.11173	0.09950	0.09950
69	T	kotlabaePavel140118	0.10337	0.10337	0.10337	0.10337	0.10337	0.10317	0.10877	0.11353	0.10131	0.10131
70	T	aff. cretaceumKnudsen01.79	0.13440	0.13440	0.13440	0.13440	0.13440	0.13576	0.14221	0.14474	0.13432	0.13432
71	T	aff. cretaceumMJ3821	0.13140	0.13140	0.13140	0.13140	0.13140	0.13277	0.13923	0.14172	0.13132	0.13132
72	T	aff. cretaceumMJ6194	0.13449	0.13449	0.13449	0.13449	0.13449	0.13585	0.14229	0.14459	0.13287	0.13287
73	T	aff. cretaceumAH3995	0.13610	0.13610	0.13610	0.13610	0.13610	0.13744	0.14388	0.14618	0.13131	0.13131
74	T	aff. cretaceumMJ9304	0.13608	0.13608	0.13608	0.13608	0.13608	0.13743	0.14386	0.14298	0.13445	0.13445
75	T	sp.5MJ10060	0.12885	0.12885	0.12885	0.12885	0.12885	0.12861	0.13334	0.15789	0.12729	0.12729
76	T	sp.5Bruzek131207	0.12885	0.12885	0.12885	0.12885	0.12885	0.12861	0.13334	0.15789	0.12729	0.12729
77	T	simulansBruzek131201	0.12789	0.12789	0.12789	0.12789	0.12789	0.12765	0.12287	0.11854	0.12135	0.12135
78	T	simulansBruzek140214	0.12789	0.12789	0.12789	0.12789	0.12789	0.12765	0.12287	0.11854	0.12135	0.12135
79	T	simulansMJ040221	0.12787	0.12787	0.12787	0.12787	0.12787	0.12763	0.12283	0.12188	0.12301	0.12301
80	T	simulansAH15633	0.12450	0.12450	0.12450	0.12450	0.12450	0.12428	0.11950	0.11849	0.11962	0.11962
81	T	simulansMJ9064	0.12617	0.12617	0.12617	0.12617	0.12617	0.12595	0.12116	0.12022	0.12130	0.12130
82	T	simulansKnudsen01.70m	0.12793	0.12793	0.12793	0.12793	0.12793	0.12770	0.12290	0.12192	0.12304	0.12304
83	T	simulansMJ7865	0.12467	0.12467	0.12467	0.12467	0.12467	0.12445	0.11966	0.11864	0.11977	0.11977
84	T	simulansMrzek1313	0.12450	0.12450	0.12450	0.12450	0.12450	0.12428	0.11950	0.11849	0.11962	0.11962
85	T	simulansMJ3871	0.12968	0.12968	0.12968	0.12968	0.12968	0.12944	0.12463	0.12368	0.12479	0.12479

86	T	simulansMJ3844	0.13136	0.13136	0.13136	0.13136	0.13136	0.13111	0.12628	0.12534	0.12644	0.12644
87	T	simulansMJ4902	0.12961	0.12961	0.12961	0.12961	0.12961	0.12937	0.12455	0.12360	0.12472	0.12472
88	T	simulansMJ5497	0.13136	0.13136	0.13136	0.13136	0.13136	0.13111	0.12628	0.12534	0.12644	0.12644
89	T	aff.excentricumLong9369	0.15201	0.15201	0.15201	0.15201	0.15201	0.15178	0.14861	0.14936	0.14861	0.14861
90	T	brumaleMJ8372	0.12271	0.12271	0.12271	0.12271	0.12271	0.12250	0.11939	0.12047	0.11947	0.11947
91	T	brumaleMJ4597	0.12289	0.12289	0.12289	0.12289	0.12289	0.12268	0.11956	0.12061	0.11963	0.11963
92	T	brumaleMJ7532	0.12271	0.12271	0.12271	0.12271	0.12271	0.12250	0.11939	0.12047	0.11947	0.11947
93	T	brumaleFiny9	0.12118	0.12118	0.12118	0.12118	0.12118	0.12096	0.11783	0.11895	0.11796	0.11796
94	T	brumaleBruzek1131229	0.12271	0.12271	0.12271	0.12271	0.12271	0.12250	0.11939	0.12047	0.11947	0.11947
95	T	brumaleBruzek140112	0.12441	0.12441	0.12441	0.12441	0.12441	0.12419	0.12106	0.12218	0.12118	0.12118
96	T	brumaleO58849	0.12271	0.12271	0.12271	0.12271	0.12271	0.12250	0.11939	0.12047	0.11947	0.11947
97	T	brumaleMJ5785	0.12441	0.12441	0.12441	0.12441	0.12441	0.12419	0.12106	0.12218	0.12118	0.12118
98	T	brumaleMJ6427	0.12106	0.12106	0.12106	0.12106	0.12106	0.12085	0.11773	0.11883	0.11783	0.11783
99	T	sp.17AH13674	0.12123	0.12123	0.12123	0.12123	0.12123	0.12270	0.11954	0.13000	0.11982	0.11982
100	T	sp.18MJ9046	0.12150	0.12150	0.12150	0.12150	0.12150	0.12128	0.11634	0.09825	0.10951	0.10951
101	T	sp.20MJ5015	0.13055	0.13055	0.13055	0.13055	0.13055	0.13027	0.12332	0.11572	0.12155	0.12155
102	T	eckbladii TRH9565	0.12469	0.12469	0.12469	0.12469	0.12469	0.12446	0.12104	0.11491	0.11764	0.11764
103	T	eckbladiiO58850	0.12469	0.12469	0.12469	0.12469	0.12469	0.12446	0.12104	0.11491	0.11764	0.11764
104	T	giovanellaeMJ9059	0.11219	0.11219	0.11219	0.11219	0.11219	0.11199	0.10688	0.10260	0.10665	0.10665
105	T	caespitosum acaule	0.11045	0.11045	0.11045	0.11045	0.11045	0.11025	0.10514	0.10091	0.10490	0.10490
106	T	giovanellaeMJ8706	0.11047	0.11047	0.11047	0.11047	0.11047	0.11027	0.10517	0.10088	0.10482	0.10482
107	T	giovalellaeAH11641	0.11046	0.11046	0.11046	0.11046	0.11046	0.11026	0.10516	0.10089	0.10485	0.10485
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.11452	0.11452	0.11452	0.11452	0.11452	0.11429	0.10926	0.10185	0.10429	0.10429
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.11452	0.11452	0.11452	0.11452	0.11452	0.11429	0.10926	0.10185	0.10429	0.10429
110	T	beccarianumFiny2	0.11457	0.11457	0.11457	0.11457	0.11457	0.11433	0.10928	0.10197	0.10089	0.10089
111	T	sp.19Molia140115-2	0.13919	0.13919	0.13919	0.13919	0.13919	0.13890	0.13567	0.12461	0.12076	0.12076
112	T	niveumMJ7692	0.11055	0.11055	0.11055	0.11055	0.11055	0.11034	0.11056	0.10640	0.11578	0.11578
113	T	niveumMJ7699	0.11055	0.11055	0.11055	0.11055	0.11055	0.11034	0.11056	0.10640	0.11578	0.11578
114	T	calcareumBrelISO133	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11973	0.11977	0.13195	0.11682	0.11682
115	T	calcareumMJ7141	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11973	0.11977	0.13195	0.11682	0.11682
116	T	calcareumMJ2010	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11973	0.11977	0.13195	0.11682	0.11682
117	T	calcareumMJ8065	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11973	0.11977	0.13195	0.11682	0.11682
118	T	calcareumMJ6375	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11973	0.11977	0.13195	0.11682	0.11682
119	T	calcareumMJ6965	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11973	0.11977	0.13195	0.11682	0.11682
120	T	calcareumMJ6438	0.12313	0.12313	0.12313	0.12313	0.12313	0.12287	0.12291	0.13514	0.11996	0.11996
121	T	calcareumFiny4	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11998	0.11973	0.11977	0.13195	0.11682	0.11682
122	T	subsquamosumMJ6002	0.12987	0.12987	0.12987	0.12987	0.12987	0.12959	0.12486	0.13827	0.13119	0.13119
123	T	subsquamosumMJ9336	0.13148	0.13148	0.13148	0.13148	0.13148	0.13120	0.12648	0.13994	0.12965	0.12965
124	T	subsquamosumMJ4945	0.13150	0.13150	0.13150	0.13150	0.13150	0.13121	0.12805	0.14152	0.13122	0.13122
125	T	subsquamosumAH19024	0.13150	0.13150	0.13150	0.13150	0.13150	0.13121	0.12805	0.14152	0.13122	0.13122

126	T	subsquamosumMJ6563	0.13150	0.13150	0.13150	0.13150	0.13150	0.13121	0.12805	0.14152	0.13122	0.13122
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.13469	0.13469	0.13469	0.13469	0.13469	0.13440	0.13124	0.14316	0.13442	0.13442
128	T	squamosumEL260-06	0.13273	0.13273	0.13273	0.13273	0.13273	0.13246	0.12774	0.13161	0.12944	0.12944
129	T	squamosumMrazek1300	0.13273	0.13273	0.13273	0.13273	0.13273	0.13246	0.12774	0.13161	0.12944	0.12944
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.11847	0.11847	0.11847	0.11847	0.11847	0.11819	0.11192	0.13631	0.11689	0.11689
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.11847	0.11847	0.11847	0.11847	0.11847	0.11819	0.11192	0.13631	0.11689	0.11689
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.12472	0.12472	0.12472	0.12472	0.12472	0.12448	0.12138	0.13187	0.12004	0.12004
133	T	melanocyclusMJ6036	0.12472	0.12472	0.12472	0.12472	0.12472	0.12448	0.12138	0.13187	0.12004	0.12004
134	T	melanocyclusMJ9596	0.12634	0.12634	0.12634	0.12634	0.12634	0.12610	0.12300	0.13347	0.12164	0.12164
135	T	melanocyclusM011215	0.12631	0.12631	0.12631	0.12631	0.12631	0.12606	0.12296	0.13188	0.12162	0.12162
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.12629	0.12629	0.12629	0.12629	0.12629	0.12604	0.12294	0.13344	0.12160	0.12160
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.12631	0.12631	0.12631	0.12631	0.12631	0.12606	0.12296	0.13188	0.12162	0.12162
138	T	melanocyclusMJ8815	0.12472	0.12472	0.12472	0.12472	0.12472	0.12448	0.12138	0.13187	0.12004	0.12004
139	T	melanocyclusMJ090418	0.12472	0.12472	0.12472	0.12472	0.12472	0.12448	0.12138	0.13187	0.12004	0.12004
140	T	domingueziaeHQ667593	0.12027	0.12027	0.12027	0.12027	0.12027	0.12005	0.11853	0.14132	0.11717	0.11717
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.12027	0.12027	0.12027	0.12027	0.12027	0.12005	0.11853	0.14132	0.11717	0.11717
142	T	rufumLectotype1908USA	0.12506	0.12506	0.12506	0.12506	0.12506	0.12478	0.12322	0.13239	0.12327	0.12327

Uncorrected ("p") distance matrix (continued)

		21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	
21	T	winterhoffiMJ7761	-									
22	T	winterhoffiMJ2379	0.00000	-								
23	T	sp.3MJ4935	0.03764	0.03764	-							
24	T	sp.1MJ7762	0.13407	0.13407	0.12833	-						
25	T	sp.2MJ8710	0.10812	0.10812	0.10185	0.07024	-					
26	T	sp.2MJ8701	0.10651	0.10651	0.10023	0.07183	0.00156	-				
27	T	cyclophorum Lowen99	0.12337	0.12337	0.12047	0.10723	0.10439	0.10279	-			
28	T	cyclophorumAH16885	0.12174	0.12174	0.11883	0.10565	0.10281	0.10121	0.00157	-		
29	T	cyclophorumAH19564	0.12495	0.12495	0.12207	0.10882	0.10598	0.10439	0.00157	0.00315	-	
30	T	cyclophorumMJ8862	0.12334	0.12334	0.12043	0.10721	0.10438	0.10278	0.00315	0.00157	0.00472	-
31	T	obesumMJ8695	0.12339	0.12339	0.12540	0.11839	0.11766	0.11608	0.10729	0.10569	0.10729	0.10725
32	T	obesumMJ8707	0.12339	0.12339	0.12540	0.11839	0.11766	0.11608	0.10729	0.10569	0.10729	0.10725
33	T	obesumAH20901	0.12339	0.12339	0.12540	0.11839	0.11766	0.11608	0.10729	0.10569	0.10729	0.10725
34	T	lloydiiAH31155	0.13083	0.13083	0.12653	0.15274	0.12224	0.12383	0.14626	0.14786	0.14785	0.14947
35	T	lloydii Lahti201210	0.13083	0.13083	0.12653	0.15274	0.12224	0.12383	0.14626	0.14786	0.14785	0.14947
36	T	fulvillumKabat970428	0.12230	0.12230	0.12449	0.15101	0.12642	0.12478	0.14926	0.14763	0.15084	0.14923
37	T	grandisporumMJ6633	0.11597	0.11597	0.11331	0.15067	0.12228	0.12070	0.13277	0.13434	0.13119	0.13276
38	T	grandisporumMJ8907	0.11621	0.11621	0.11194	0.14781	0.11937	0.11780	0.13298	0.13457	0.13141	0.13613
39	T	grandisporumMJ8793	0.11281	0.11281	0.10856	0.14758	0.12070	0.11912	0.13275	0.13432	0.13118	0.13589

40	T	grandisporumFiny10	0.11476	0.11476	0.11050	0.14792	0.11950	0.11792	0.13311	0.13470	0.13154	0.13626
41	T	grandisporumBruzek131208	0.11621	0.11621	0.11194	0.14781	0.11937	0.11780	0.13298	0.13457	0.13141	0.13613
42	T	sp.16Knudsen99-337	0.13544	0.13544	0.13594	0.16321	0.14356	0.14195	0.15544	0.15537	0.15699	0.15696
43	T	pseudopulchellumAH11603	0.13067	0.13067	0.13427	0.14134	0.12183	0.12341	0.15723	0.15565	0.15881	0.15727
44	T	pseudopulchellumAH11605	0.13067	0.13067	0.13427	0.14134	0.12183	0.12341	0.15723	0.15565	0.15881	0.15727
45	T	pannicumMJ990617a	0.13244	0.13244	0.12322	0.13517	0.12355	0.12196	0.15112	0.15272	0.15271	0.15114
46	T	pannicumMJ8715	0.13256	0.13256	0.12329	0.13530	0.12527	0.12367	0.15291	0.15451	0.15451	0.15294
47	T	pannicumMJ7764	0.13244	0.13244	0.12322	0.13517	0.12355	0.12196	0.15112	0.15272	0.15271	0.15114
48	T	pannicumMJ7803	0.13084	0.13084	0.12163	0.13676	0.12515	0.12356	0.15272	0.15431	0.15431	0.15274
49	T	submembranaceumAH15132	0.15441	0.15441	0.15333	0.17599	0.14098	0.14258	0.16748	0.16587	0.16908	0.16744
50	T	sp.15MJ9295	0.14386	0.14386	0.14107	0.17217	0.13825	0.13982	0.15684	0.15843	0.15842	0.16001
51	T	sp.15MJ9296	0.14386	0.14386	0.14108	0.17216	0.13828	0.13986	0.15687	0.15846	0.15844	0.16004
52	T	sp.15MJ660617b	0.13663	0.13663	0.13723	0.16561	0.13735	0.13895	0.15470	0.15632	0.15633	0.15794
53	T	sp.10MJ3813	0.11537	0.11537	0.11256	0.12506	0.10322	0.10480	0.13202	0.13043	0.13361	0.13201
54	T	sp.10MJ6198	0.11757	0.11757	0.11969	0.13677	0.11168	0.11326	0.14564	0.14403	0.14723	0.14562
55	T	sp.11MJ881114	0.12382	0.12382	0.12116	0.14145	0.11788	0.11626	0.14534	0.14373	0.14691	0.14532
56	T	sp.12AH15040	0.11905	0.11905	0.11634	0.13676	0.11313	0.11152	0.14054	0.13894	0.14213	0.14053
57	T	sp.13Long11161	0.12273	0.12273	0.12010	0.14346	0.12172	0.12013	0.13128	0.12969	0.13284	0.13125
58	T	sp.9MJ3787	0.11059	0.11059	0.11445	0.12661	0.11418	0.11258	0.12535	0.12375	0.12693	0.12532
59	T	sp.9MJ4966	0.10887	0.10887	0.11273	0.12658	0.11248	0.11087	0.12384	0.12223	0.12541	0.12380
60	T	sp.9MJ4976	0.11204	0.11204	0.11591	0.12654	0.11561	0.11401	0.12537	0.12377	0.12695	0.12534
61	T	sp.7Finy1	0.11722	0.11722	0.11912	0.14175	0.11977	0.11816	0.13065	0.12905	0.13222	0.13063
62	T	sp.8MJ3830	0.10477	0.10477	0.10404	0.10678	0.09691	0.09860	0.10430	0.10256	0.10605	0.10431
63	T	sp.8MJ6081	0.10491	0.10491	0.10765	0.11211	0.10213	0.10382	0.10955	0.10781	0.11129	0.10956
64	T	sp.8MJ7795	0.10477	0.10477	0.10404	0.10678	0.09691	0.09860	0.10430	0.10256	0.10605	0.10431
65	T	kotlabaeBoertmann79074	0.10479	0.10479	0.10737	0.10532	0.09704	0.09528	0.11822	0.11647	0.11996	0.11820
66	T	kotlabaeMJ5597	0.09957	0.09957	0.10214	0.10001	0.09182	0.09006	0.11293	0.11119	0.11467	0.11291
67	T	kotlabaeMJ9585	0.09961	0.09961	0.10218	0.10007	0.09185	0.09009	0.11303	0.11129	0.11478	0.11302
68	T	kotlabaeMJ7187	0.09950	0.09950	0.10207	0.10000	0.09178	0.09002	0.11290	0.11116	0.11464	0.11288
69	T	kotlabaePavel140118	0.10131	0.10131	0.10388	0.10174	0.09352	0.09176	0.11467	0.11293	0.11642	0.11466
70	T	aff. cretaceumKnudsen01.79	0.13432	0.13432	0.13481	0.14361	0.14466	0.14309	0.14678	0.14520	0.14839	0.14680
71	T	aff. cretaceumMJ3821	0.13132	0.13132	0.12859	0.14224	0.13848	0.13692	0.14220	0.14063	0.14381	0.14222
72	T	aff. cretaceumMJ6194	0.13287	0.13287	0.13654	0.14198	0.14475	0.14317	0.14833	0.14673	0.14991	0.14831
73	T	aff. cretaceumAH3995	0.13131	0.13131	0.13812	0.14196	0.14632	0.14474	0.14835	0.14675	0.14993	0.14833
74	T	aff. cretaceumMJ9304	0.13445	0.13445	0.13811	0.14353	0.14633	0.14476	0.14993	0.14833	0.15151	0.14991
75	T	sp.5MJ10060	0.12729	0.12729	0.12600	0.16265	0.12636	0.12476	0.13485	0.13645	0.13644	0.13803
76	T	sp.5Bruzek131207	0.12729	0.12729	0.12600	0.16265	0.12636	0.12476	0.13485	0.13645	0.13644	0.13803
77	T	simulansBruzek131201	0.12135	0.12135	0.12538	0.13812	0.11873	0.12037	0.14469	0.14637	0.14635	0.14805
78	T	simulansBruzek140214	0.12135	0.12135	0.12538	0.13812	0.11873	0.12037	0.14469	0.14637	0.14635	0.14805
79	T	simulansMJ040221	0.12301	0.12301	0.12704	0.13812	0.11706	0.11870	0.14469	0.14637	0.14635	0.14804

80	T	simulansAH15633	0.11962	0.11962	0.12366	0.13646	0.11705	0.11869	0.14301	0.14469	0.14467	0.14637
81	T	simulansMJ9064	0.12130	0.12130	0.12533	0.13813	0.11871	0.12035	0.14467	0.14635	0.14633	0.14803
82	T	simulansKnudsen01.70m	0.12304	0.12304	0.12708	0.13815	0.11711	0.11875	0.14474	0.14642	0.14640	0.14810
83	T	simulansMJ7865	0.11977	0.11977	0.12384	0.13635	0.11554	0.11719	0.14291	0.14458	0.14457	0.14626
84	T	simulansMrazek1313	0.11962	0.11962	0.12366	0.13646	0.11705	0.11869	0.14301	0.14469	0.14467	0.14637
85	T	simulansMJ3871	0.12479	0.12479	0.12883	0.13988	0.11882	0.12046	0.14652	0.14820	0.14818	0.14988
86	T	simulansMJ3844	0.12644	0.12644	0.13048	0.14148	0.12045	0.12210	0.14811	0.14978	0.14977	0.15147
87	T	simulansMJ4902	0.12472	0.12472	0.12875	0.13980	0.11875	0.12039	0.14640	0.14807	0.14806	0.14975
88	T	simulansMJ5497	0.12644	0.12644	0.13048	0.14148	0.12045	0.12210	0.14811	0.14978	0.14977	0.15147
89	T	aff.excentricumLong9369	0.14861	0.14861	0.14775	0.16538	0.14935	0.15100	0.16201	0.16033	0.16205	0.16200
90	T	brumaleMJ8372	0.11947	0.11947	0.12007	0.13134	0.11854	0.12019	0.14257	0.14090	0.14425	0.14254
91	T	brumaleMJ4597	0.11963	0.11963	0.12026	0.13149	0.11869	0.12034	0.14284	0.14116	0.14452	0.14280
92	T	brumaleMJ7532	0.11947	0.11947	0.12007	0.13134	0.11854	0.12019	0.14257	0.14090	0.14425	0.14254
93	T	brumaleFiny9	0.11796	0.11796	0.11851	0.12981	0.11699	0.11865	0.14104	0.13937	0.14272	0.14101
94	T	brumaleBruzek1131229	0.11947	0.11947	0.12007	0.13134	0.11854	0.12019	0.14257	0.14090	0.14425	0.14254
95	T	brumaleBruzek140112	0.12118	0.12118	0.12177	0.13298	0.12020	0.12185	0.14424	0.14258	0.14593	0.14422
96	T	brumaleO58849	0.11947	0.11947	0.12007	0.13134	0.11854	0.12019	0.14257	0.14090	0.14425	0.14254
97	T	brumaleMJ5785	0.12118	0.12118	0.12177	0.12970	0.11689	0.11854	0.14089	0.13922	0.14257	0.14087
98	T	brumaleMJ6427	0.11783	0.11783	0.11841	0.12970	0.11689	0.11854	0.14089	0.13922	0.14257	0.14087
99	T	sp.17AH13674	0.11982	0.11982	0.12700	0.13904	0.11843	0.11680	0.15894	0.15730	0.16062	0.15894
100	T	sp.18MJ9046	0.10951	0.10951	0.11531	0.10978	0.09661	0.09490	0.12284	0.12114	0.12458	0.12285
101	T	sp.20MJ5015	0.12155	0.12155	0.11525	0.10999	0.10534	0.10361	0.12830	0.13008	0.13007	0.13182
102	T	eckbladii TRH9565	0.11764	0.11764	0.11822	0.10237	0.09963	0.09966	0.12072	0.12246	0.12245	0.12420
103	T	eckbladiiO58850	0.11764	0.11764	0.11822	0.10237	0.09963	0.09966	0.12072	0.12246	0.12245	0.12420
104	T	giovanellaeMJ9059	0.10665	0.10665	0.10217	0.09714	0.09261	0.09086	0.10140	0.10312	0.10312	0.10486
105	T	caespitosum acaule	0.10490	0.10490	0.10042	0.09534	0.09085	0.08910	0.09964	0.10137	0.10137	0.10311
106	T	giovanellaeMJ8706	0.10482	0.10482	0.10044	0.09537	0.09258	0.09084	0.10137	0.10310	0.10310	0.10484
107	T	giovalellaeAH11641	0.10485	0.10485	0.10043	0.09514	0.09092	0.08916	0.09977	0.10150	0.10150	0.10324
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.10429	0.10429	0.11690	0.11319	0.09663	0.09834	0.13058	0.12891	0.13234	0.13065
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.10429	0.10429	0.11690	0.11319	0.09663	0.09834	0.13058	0.12891	0.13234	0.13065
110	T	beccarianumFiny2	0.10089	0.10089	0.11348	0.11311	0.09659	0.09488	0.12713	0.12546	0.12888	0.12719
111	T	sp.19Molia140115-2	0.12076	0.12076	0.12979	0.14580	0.12285	0.12122	0.15218	0.15054	0.15390	0.14886
112	T	niveumMJ7692	0.11578	0.11578	0.10767	0.09744	0.09988	0.10164	0.11775	0.11951	0.11953	0.12126
113	T	niveumMJ7699	0.11578	0.11578	0.10767	0.09744	0.09988	0.10164	0.11775	0.11951	0.11953	0.12126
114	T	calcareumBreliso133	0.11682	0.11682	0.12684	0.14121	0.11698	0.11856	0.13644	0.13484	0.13802	0.13642
115	T	calcareumMJ7141	0.11682	0.11682	0.12684	0.14121	0.11698	0.11856	0.13644	0.13484	0.13802	0.13642
116	T	calcareumMJ2010	0.11682	0.11682	0.12684	0.14121	0.11698	0.11856	0.13644	0.13484	0.13802	0.13642
117	T	calcareumMJ8065	0.11682	0.11682	0.12684	0.14121	0.11698	0.11856	0.13644	0.13484	0.13802	0.13642
118	T	calcareumMJ6375	0.11682	0.11682	0.12684	0.14121	0.11698	0.11856	0.13644	0.13484	0.13802	0.13642
119	T	calcareumMJ6965	0.11682	0.11682	0.12684	0.14121	0.11698	0.11856	0.13644	0.13484	0.13802	0.13642

120	T	calcareumMJ6438	0.11996	0.11996	0.12999	0.14435	0.12016	0.12174	0.13959	0.13799	0.14117	0.13956
121	T	calcareumFiny4	0.11682	0.11682	0.12684	0.14121	0.11698	0.11856	0.13644	0.13484	0.13802	0.13642
122	T	subsquamosumMJ6002	0.13119	0.13119	0.13029	0.15650	0.13130	0.13289	0.13771	0.13611	0.13928	0.13769
123	T	subsquamosumMJ9336	0.12965	0.12965	0.13193	0.15650	0.12972	0.13132	0.14091	0.13931	0.14248	0.14089
124	T	subsquamosumMJ4945	0.13122	0.13122	0.13351	0.15650	0.13127	0.13285	0.14088	0.13929	0.14245	0.14086
125	T	subsquamosumAH19024	0.13122	0.13122	0.13351	0.15650	0.13127	0.13285	0.14088	0.13929	0.14245	0.14086
126	T	subsquamosumMJ6563	0.13122	0.13122	0.13351	0.15650	0.13127	0.13285	0.14088	0.13929	0.14245	0.14086
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.13442	0.13442	0.13671	0.15963	0.13443	0.13602	0.14406	0.14246	0.14563	0.14404
128	T	squamosumEL260-06	0.12944	0.12944	0.12681	0.14870	0.12785	0.12943	0.13457	0.13297	0.13615	0.13456
129	T	squamosumMrazek1300	0.12944	0.12944	0.12681	0.14870	0.12785	0.12943	0.13457	0.13297	0.13615	0.13456
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.11689	0.11689	0.11899	0.14338	0.11779	0.11939	0.13420	0.13421	0.13578	0.13578
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.11689	0.11689	0.11899	0.14338	0.11779	0.11939	0.13420	0.13421	0.13578	0.13578
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.12004	0.12004	0.12526	0.14595	0.12348	0.12511	0.12848	0.12690	0.13009	0.12847
133	T	melanocyclusMJ6036	0.12004	0.12004	0.12526	0.14595	0.12348	0.12511	0.12848	0.12690	0.13009	0.12847
134	T	melanocyclusMJ9596	0.12164	0.12164	0.12687	0.14753	0.12510	0.12672	0.13010	0.12852	0.13172	0.13010
135	T	melanocyclusM011215	0.12162	0.12162	0.12686	0.14754	0.12510	0.12673	0.12853	0.12695	0.13014	0.12852
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.12160	0.12160	0.12684	0.14751	0.12506	0.12669	0.13003	0.12845	0.13165	0.13003
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.12162	0.12162	0.12686	0.14754	0.12510	0.12673	0.12853	0.12695	0.13014	0.12852
138	T	melanocyclusMJ8815	0.12004	0.12004	0.12526	0.14595	0.12348	0.12511	0.12848	0.12690	0.13009	0.12847
139	T	melanocyclusMJ090418	0.12004	0.12004	0.12526	0.14595	0.12348	0.12511	0.12848	0.12690	0.13009	0.12847
140	T	domingueziaeHQ667593	0.11717	0.11717	0.12557	0.15163	0.12466	0.12307	0.13293	0.13451	0.13450	0.13609
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.11717	0.11717	0.12557	0.15163	0.12466	0.12307	0.13293	0.13451	0.13450	0.13609
142	T	rufumLectotype1908USA	0.12327	0.12327	0.12695	0.14865	0.12455	0.12297	0.12971	0.13132	0.13132	0.13293

Uncorrected ("p") distance matrix (continued)

		31	32	33	34	35	36	37	38	39	40	
31	T	obesumMJ8695	-									
32	T	obesumMJ8707	0.00000	-								
33	T	obesumAH20901	0.00000	0.00000	-							
34	T	lloydiiAH31155	0.14886	0.14886	0.14886	-						
35	T	lloydii Lahti201210	0.14886	0.14886	0.14886	0.00000	-					
36	T	fulvellumKabat970428	0.15050	0.15050	0.15050	0.12884	0.12884	-				
37	T	grandisporumMJ6633	0.13091	0.13091	0.13091	0.12066	0.12066	0.13124	-			
38	T	grandisporumMJ8907	0.13270	0.13270	0.13270	0.12239	0.12239	0.13147	0.00916	-		
39	T	grandisporumMJ8793	0.13089	0.13089	0.13089	0.12060	0.12060	0.12806	0.00458	0.00458	-	
40	T	grandisporumFiny10	0.13287	0.13287	0.13287	0.12091	0.12091	0.12998	0.00764	0.00000	0.00306	-
41	T	grandisporumBruzek131208	0.13270	0.13270	0.13270	0.12239	0.12239	0.13147	0.00916	0.00000	0.00458	0.00000
42	T	sp.16Knudsen99-337	0.17246	0.17246	0.17246	0.13964	0.13964	0.16545	0.14353	0.14378	0.14354	0.14392
43	T	pseudopulchellumAH11603	0.16167	0.16167	0.16167	0.14041	0.14041	0.13992	0.14229	0.14393	0.13903	0.14252

44	T	pseudopulchellumAH11605	0.16167	0.16167	0.16167	0.14041	0.14041	0.13992	0.14229	0.14393	0.13903	0.14252
45	T	pannicumMJ990617a	0.15445	0.15445	0.15445	0.12900	0.12900	0.14069	0.12076	0.12400	0.12065	0.12254
46	T	pannicumMJ8715	0.15460	0.15460	0.15460	0.12912	0.12912	0.13924	0.12244	0.12567	0.12233	0.12422
47	T	pannicumMJ7764	0.15445	0.15445	0.15445	0.12900	0.12900	0.14069	0.12076	0.12400	0.12065	0.12254
48	T	pannicumMJ7803	0.15286	0.15286	0.15286	0.12743	0.12743	0.13911	0.12231	0.12557	0.12221	0.12411
49	T	submembranaceumAH15132	0.17440	0.17440	0.17440	0.17394	0.17394	0.18551	0.16317	0.16358	0.16324	0.16223
50	T	sp.15MJ9295	0.17084	0.17084	0.17084	0.15010	0.15010	0.16090	0.14846	0.15022	0.14528	0.14883
51	T	sp.15MJ9296	0.17084	0.17084	0.17084	0.15011	0.15011	0.16090	0.14847	0.15023	0.14529	0.14884
52	T	sp.15MJ660617b	0.16401	0.16401	0.16401	0.14464	0.14464	0.15546	0.14447	0.14617	0.14119	0.14476
53	T	sp.10MJ3813	0.13894	0.13894	0.13894	0.12365	0.12365	0.12144	0.10451	0.10456	0.10127	0.10311
54	T	sp.10MJ6198	0.14759	0.14759	0.14759	0.13028	0.13028	0.12356	0.11475	0.11483	0.11148	0.11339
55	T	sp.11MJ881114	0.15218	0.15218	0.15218	0.13481	0.13481	0.12337	0.11458	0.11471	0.11134	0.11324
56	T	sp.12AH15040	0.14749	0.14749	0.14749	0.13051	0.13051	0.12019	0.10983	0.10997	0.10662	0.10849
57	T	sp.13Long11161	0.14285	0.14285	0.14285	0.13557	0.13557	0.12928	0.12111	0.11969	0.11798	0.11820
58	T	sp.9MJ3787	0.13412	0.13412	0.13412	0.12631	0.12631	0.12394	0.11228	0.11082	0.10909	0.11092
59	T	sp.9MJ4966	0.13239	0.13239	0.13239	0.12455	0.12455	0.12219	0.11060	0.10913	0.10740	0.10923
60	T	sp.9MJ4976	0.13554	0.13554	0.13554	0.12772	0.12772	0.12536	0.11374	0.11228	0.11056	0.11239
61	T	sp.7Finy1	0.13032	0.13032	0.13032	0.13083	0.13083	0.12556	0.11181	0.11349	0.11173	0.11360
62	T	sp.8MJ3830	0.11957	0.11957	0.11957	0.11064	0.11064	0.11814	0.08794	0.08987	0.08792	0.08986
63	T	sp.8MJ6081	0.12484	0.12484	0.12484	0.11586	0.11586	0.12336	0.09317	0.09508	0.09316	0.09507
64	T	sp.8MJ7795	0.11957	0.11957	0.11957	0.11064	0.11064	0.11814	0.08794	0.08987	0.08792	0.08986
65	T	kotlabaeBoertmann79074	0.12504	0.12504	0.12504	0.12141	0.12141	0.12339	0.10195	0.10040	0.09851	0.10040
66	T	kotlabaeMJ5597	0.11996	0.11996	0.11996	0.11793	0.11793	0.11650	0.09669	0.09514	0.09325	0.09513
67	T	kotlabaeMJ9585	0.12006	0.12006	0.12006	0.11802	0.11802	0.11659	0.09675	0.09522	0.09331	0.09521
68	T	kotlabaeMJ7187	0.11995	0.11995	0.11995	0.11788	0.11788	0.11647	0.09666	0.09511	0.09322	0.09510
69	T	kotlabaePavell140118	0.12172	0.12172	0.12172	0.11966	0.11966	0.11826	0.09841	0.09686	0.09497	0.09685
70	T	aff. cretaceumKnudsen01.79	0.15321	0.15321	0.15321	0.14387	0.14387	0.15026	0.14201	0.14060	0.13880	0.13914
71	T	aff. cretaceumMJ3821	0.14863	0.14863	0.14863	0.13924	0.13924	0.14727	0.13270	0.13443	0.13264	0.13293
72	T	aff. cretaceumMJ6194	0.15466	0.15466	0.15466	0.13755	0.13755	0.15011	0.14516	0.14376	0.14195	0.14228
73	T	aff. cretaceumAH3995	0.15620	0.15620	0.15620	0.13911	0.13911	0.15167	0.14666	0.14529	0.14347	0.14381
74	T	aff. cretaceumMJ9304	0.15620	0.15620	0.15620	0.13910	0.13910	0.15168	0.14668	0.14531	0.14349	0.14382
75	T	sp.5MJ10060	0.14874	0.14874	0.14874	0.14186	0.14186	0.14758	0.12772	0.12949	0.12615	0.12811
76	T	sp.5Bruzek131207	0.14874	0.14874	0.14874	0.14186	0.14186	0.14758	0.12772	0.12949	0.12615	0.12811
77	T	simulansBruzek131201	0.13448	0.13448	0.13448	0.12515	0.12515	0.13565	0.12784	0.12792	0.12448	0.12794
78	T	simulansBruzek140214	0.13448	0.13448	0.13448	0.12515	0.12515	0.13565	0.12784	0.12792	0.12448	0.12794
79	T	simulansMJ040221	0.13611	0.13611	0.13611	0.13013	0.13013	0.13224	0.12777	0.12785	0.12441	0.12786
80	T	simulansAH15633	0.13282	0.13282	0.13282	0.12678	0.12678	0.13398	0.12621	0.12629	0.12285	0.12630
81	T	simulansMJ9064	0.13447	0.13447	0.13447	0.12846	0.12846	0.13564	0.12785	0.12793	0.12449	0.12794
82	T	simulansKnudsen01.70m	0.13619	0.13619	0.13619	0.13017	0.13017	0.13562	0.12954	0.12963	0.12618	0.12964
83	T	simulansMJ7865	0.13301	0.13301	0.13301	0.12692	0.12692	0.13392	0.12639	0.12647	0.12302	0.12648

84	T	simulansMrazek1313	0.13282	0.13282	0.13282	0.12678	0.12678	0.13398	0.12621	0.12629	0.12285	0.12630
85	T	simulansMJ3871	0.13791	0.13791	0.13791	0.13190	0.13190	0.13411	0.12954	0.12962	0.12618	0.12963
86	T	simulansMJ3844	0.13954	0.13954	0.13954	0.13355	0.13355	0.13575	0.13117	0.13125	0.12781	0.13126
87	T	simulansMJ4902	0.13782	0.13782	0.13782	0.13182	0.13182	0.13401	0.12947	0.12955	0.12611	0.12956
88	T	simulansMJ5497	0.13954	0.13954	0.13954	0.13355	0.13355	0.13575	0.13117	0.13125	0.12781	0.13126
89	T	aff.excentricumLong9369	0.14987	0.14987	0.14987	0.16052	0.16052	0.17294	0.13663	0.13668	0.13326	0.13669
90	T	brumaleMJ8372	0.12422	0.12422	0.12422	0.13004	0.13004	0.14255	0.12584	0.12931	0.12592	0.12934
91	T	brumaleMJ4597	0.12442	0.12442	0.12442	0.13022	0.13022	0.14270	0.12607	0.12954	0.12614	0.12957
92	T	brumaleMJ7532	0.12422	0.12422	0.12422	0.13004	0.13004	0.14255	0.12584	0.12931	0.12592	0.12934
93	T	brumaleFiny9	0.12269	0.12269	0.12269	0.12857	0.12857	0.14105	0.12607	0.12954	0.12614	0.12957
94	T	brumaleBruzek1131229	0.12422	0.12422	0.12422	0.13004	0.13004	0.14255	0.12584	0.12931	0.12592	0.12934
95	T	brumaleBruzek140112	0.12588	0.12588	0.12588	0.13173	0.13173	0.14424	0.12747	0.13095	0.12756	0.13098
96	T	brumaleO58849	0.12422	0.12422	0.12422	0.13004	0.13004	0.14255	0.12584	0.12931	0.12592	0.12934
97	T	brumaleMJ5785	0.12256	0.12256	0.12256	0.13173	0.13173	0.14424	0.12747	0.13095	0.12756	0.13098
98	T	brumaleMJ6427	0.12256	0.12256	0.12256	0.12841	0.12841	0.14091	0.12420	0.12766	0.12427	0.12769
99	T	sp.17AH13674	0.14076	0.14076	0.14076	0.13325	0.13325	0.15056	0.13767	0.13775	0.13435	0.13777
100	T	sp.18MJ9046	0.12343	0.12343	0.12343	0.11561	0.11561	0.12260	0.09783	0.09781	0.09435	0.09783
101	T	sp.20MJ5015	0.12524	0.12524	0.12524	0.12711	0.12711	0.13109	0.11153	0.10992	0.10803	0.10993
102	T	eckbladii TRH9565	0.12611	0.12611	0.12611	0.12441	0.12441	0.11815	0.11268	0.11271	0.10915	0.11272
103	T	eckbladiiO58850	0.12611	0.12611	0.12611	0.12441	0.12441	0.11815	0.11268	0.11271	0.10915	0.11272
104	T	giovanellaeMJ9059	0.11571	0.11571	0.11571	0.12593	0.12593	0.11593	0.10552	0.10557	0.10202	0.10557
105	T	caespitosum acaule	0.11400	0.11400	0.11400	0.12421	0.12421	0.11421	0.10375	0.10381	0.10026	0.10381
106	T	giovanellaeMJ8706	0.11228	0.11228	0.11228	0.12251	0.12251	0.11251	0.10204	0.10209	0.09855	0.10210
107	T	giovalellaeAH11641	0.11244	0.11244	0.11244	0.12269	0.12269	0.11268	0.10216	0.10223	0.09867	0.10223
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.12477	0.12477	0.12477	0.11703	0.11703	0.12611	0.11972	0.11642	0.11635	0.11648
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.12477	0.12477	0.12477	0.11703	0.11703	0.12611	0.11972	0.11642	0.11635	0.11648
110	T	beccarianumFiny2	0.12139	0.12139	0.12139	0.12053	0.12053	0.12271	0.11804	0.11472	0.11467	0.11478
111	T	sp.19Molia140115-2	0.14896	0.14896	0.14896	0.14631	0.14631	0.14726	0.12921	0.13265	0.12926	0.13269
112	T	niveumMJ7692	0.10920	0.10920	0.10920	0.11265	0.11265	0.13218	0.10404	0.09719	0.10058	0.09719
113	T	niveumMJ7699	0.10920	0.10920	0.10920	0.11265	0.11265	0.13218	0.10404	0.09719	0.10058	0.09719
114	T	calcareumBrelisO133	0.14127	0.14127	0.14127	0.14879	0.14879	0.13584	0.13758	0.13781	0.13445	0.13636
115	T	calcareumMJ7141	0.14127	0.14127	0.14127	0.14879	0.14879	0.13584	0.13758	0.13781	0.13445	0.13636
116	T	calcareumMJ2010	0.14127	0.14127	0.14127	0.14879	0.14879	0.13584	0.13758	0.13781	0.13445	0.13636
117	T	calcareumMJ8065	0.14127	0.14127	0.14127	0.14879	0.14879	0.13584	0.13758	0.13781	0.13445	0.13636
118	T	calcareumMJ6375	0.14127	0.14127	0.14127	0.14879	0.14879	0.13584	0.13758	0.13781	0.13445	0.13636
119	T	calcareumMJ6965	0.14127	0.14127	0.14127	0.14879	0.14879	0.13584	0.13758	0.13781	0.13445	0.13636
120	T	calcareumMJ6438	0.14439	0.14439	0.14439	0.15193	0.15193	0.13897	0.14070	0.14094	0.13757	0.13949
121	T	calcareumFiny4	0.14127	0.14127	0.14127	0.14879	0.14879	0.13584	0.13758	0.13781	0.13445	0.13636
122	T	subsquamosumMJ6002	0.14738	0.14738	0.14738	0.14982	0.14982	0.15018	0.13923	0.13941	0.13610	0.13798
123	T	subsquamosumMJ9336	0.15052	0.15052	0.15052	0.14822	0.14822	0.15175	0.13761	0.13779	0.13448	0.13636

124	T	subsquamosumMJ4945	0.15052	0.15052	0.15052	0.14825	0.14825	0.15018	0.13761	0.13779	0.13448	0.13636
125	T	subsquamosumAH19024	0.15052	0.15052	0.15052	0.14825	0.14825	0.15018	0.13761	0.13779	0.13448	0.13636
126	T	subsquamosumMJ6563	0.15052	0.15052	0.15052	0.14825	0.14825	0.15018	0.13761	0.13779	0.13448	0.13636
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.15366	0.15366	0.15366	0.15144	0.15144	0.15339	0.14073	0.14092	0.13760	0.13950
128	T	squamosumEL260-06	0.14885	0.14885	0.14885	0.14540	0.14540	0.14024	0.13441	0.13459	0.13128	0.13315
129	T	squamosumMrazek1300	0.14885	0.14885	0.14885	0.14540	0.14540	0.14024	0.13441	0.13459	0.13128	0.13315
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.14519	0.14519	0.14519	0.14322	0.14322	0.13862	0.13376	0.13086	0.13065	0.13098
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.14519	0.14519	0.14519	0.14322	0.14322	0.13862	0.13376	0.13086	0.13065	0.13098
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.13337	0.13337	0.13337	0.14405	0.14405	0.14691	0.13130	0.13154	0.12819	0.13009
133	T	melanocyclusMJ6036	0.13337	0.13337	0.13337	0.14405	0.14405	0.14691	0.13130	0.13154	0.12819	0.13009
134	T	melanocyclusMJ9596	0.13495	0.13495	0.13495	0.14405	0.14405	0.14688	0.13289	0.13314	0.12979	0.13170
135	T	melanocyclusM011215	0.13492	0.13492	0.13492	0.14562	0.14562	0.14848	0.13287	0.13311	0.12976	0.13167
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.13493	0.13493	0.13493	0.14403	0.14403	0.14848	0.13284	0.13309	0.12974	0.13164
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.13492	0.13492	0.13492	0.14562	0.14562	0.14848	0.13287	0.13311	0.12976	0.13167
138	T	melanocyclusMJ8815	0.13337	0.13337	0.13337	0.14405	0.14405	0.14691	0.13130	0.13154	0.12819	0.13009
139	T	melanocyclusMJ090418	0.13337	0.13337	0.13337	0.14405	0.14405	0.14691	0.13130	0.13154	0.12819	0.13009
140	T	domingueziaeHQ667593	0.14107	0.14107	0.14107	0.14360	0.14360	0.14529	0.13431	0.13137	0.13118	0.13149
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.14107	0.14107	0.14107	0.14360	0.14360	0.14529	0.13431	0.13137	0.13118	0.13149
142	T	rufumLectotype1908USA	0.13943	0.13943	0.13943	0.13263	0.13263	0.13875	0.12966	0.12973	0.12642	0.12826

Uncorrected ("p") distance matrix (continued)

		41	42	43	44	45	46	47	48	49	50	
41	T	grandisporumBruzek131208	-									
42	T	sp.16Knudsen99-337	0.14378	-								
43	T	pseudopulchellumAH11603	0.14393	0.16360	-							
44	T	pseudopulchellumAH11605	0.14393	0.16360	0.00000	-						
45	T	pannicumMJ990617a	0.12400	0.15013	0.05928	0.05928	-					
46	T	pannicumMJ8715	0.12567	0.15182	0.06090	0.06090	0.00155	-				
47	T	pannicumMJ7764	0.12400	0.15013	0.05928	0.05928	0.00000	0.00155	-			
48	T	pannicumMJ7803	0.12557	0.15176	0.06083	0.06083	0.00155	0.00155	0.00155	-		
49	T	submembranaceumAH15132	0.16358	0.19943	0.17047	0.17047	0.16472	0.16657	0.16472	0.16630	-	
50	T	sp.15MJ9295	0.15022	0.16914	0.16210	0.16210	0.15760	0.15945	0.15760	0.15919	0.15837	-
51	T	sp.15MJ9296	0.15023	0.16915	0.16212	0.16212	0.15762	0.15946	0.15762	0.15920	0.15838	0.00156
52	T	sp.15MJ660617b	0.14617	0.15753	0.15354	0.15354	0.15530	0.15718	0.15530	0.15689	0.15301	0.00952
53	T	sp.10MJ3813	0.10456	0.15125	0.13243	0.13243	0.13613	0.13788	0.13613	0.13770	0.16268	0.15069
54	T	sp.10MJ6198	0.11483	0.15669	0.13616	0.13616	0.13371	0.13548	0.13371	0.13530	0.15875	0.14375
55	T	sp.11MJ881114	0.11471	0.15479	0.13761	0.13761	0.14145	0.14316	0.14145	0.14303	0.17147	0.15979
56	T	sp.12AH15040	0.10997	0.15155	0.13797	0.13797	0.13833	0.14005	0.13833	0.13992	0.16667	0.15500
57	T	sp.13Long11161	0.11969	0.16031	0.13401	0.13401	0.13716	0.13729	0.13716	0.13557	0.17152	0.15260

58	T	sp.9MJ3787	0.11082	0.14729	0.13076	0.13076	0.12025	0.12038	0.12025	0.12183	0.15263	0.14619
59	T	sp.9MJ4966	0.10913	0.14552	0.12911	0.12911	0.11857	0.11870	0.11857	0.12015	0.15087	0.14450
60	T	sp.9MJ4976	0.11228	0.14870	0.13222	0.13222	0.12172	0.12186	0.12172	0.12330	0.15406	0.14765
61	T	sp.7Finyl	0.11349	0.15667	0.13687	0.13687	0.12449	0.12466	0.12449	0.12611	0.14583	0.13339
62	T	sp.8MJ3830	0.08987	0.13674	0.11194	0.11194	0.10491	0.10513	0.10491	0.10658	0.12920	0.14021
63	T	sp.8MJ6081	0.09508	0.13859	0.11375	0.11375	0.10672	0.10694	0.10672	0.10840	0.13455	0.14386
64	T	sp.8MJ7795	0.08987	0.13674	0.11194	0.11194	0.10491	0.10513	0.10491	0.10658	0.12920	0.14021
65	T	kotlabaeBoertmann79074	0.10040	0.15221	0.11564	0.11564	0.10526	0.10549	0.10526	0.10694	0.13830	0.15253
66	T	kotlabaeMJ5597	0.09514	0.14332	0.11390	0.11390	0.10351	0.10374	0.10351	0.10519	0.13467	0.14888
67	T	kotlabaeMJ9585	0.09522	0.14354	0.11405	0.11405	0.10361	0.10384	0.10361	0.10529	0.13489	0.14904
68	T	kotlabaeMJ7187	0.09511	0.14333	0.11388	0.11388	0.10348	0.10371	0.10348	0.10516	0.13468	0.14884
69	T	kotlabaePavell140118	0.09686	0.14508	0.11566	0.11566	0.10526	0.10548	0.10526	0.10694	0.13645	0.15065
70	T	aff. cretaceumKnudsen01.79	0.14060	0.17194	0.12352	0.12352	0.11772	0.11763	0.11772	0.11774	0.16836	0.17512
71	T	aff. cretaceumMJ3821	0.13443	0.17212	0.12051	0.12051	0.11149	0.11141	0.11149	0.11151	0.16537	0.17537
72	T	aff. cretaceumMJ6194	0.14376	0.16719	0.12503	0.12503	0.12084	0.12075	0.12084	0.12086	0.16363	0.17818
73	T	aff. cretaceumAH3995	0.14529	0.16561	0.12657	0.12657	0.12237	0.12228	0.12237	0.12239	0.16523	0.17974
74	T	aff. cretaceumMJ9304	0.14531	0.16874	0.12657	0.12657	0.12239	0.12230	0.12239	0.12241	0.16205	0.17659
75	T	sp.5MJ10060	0.12949	0.16267	0.15279	0.15279	0.14068	0.14245	0.14068	0.14225	0.15208	0.15797
76	T	sp.5Bruzek131207	0.12949	0.16267	0.15279	0.15279	0.14068	0.14245	0.14068	0.14225	0.15208	0.15797
77	T	simulansBruzek131201	0.12792	0.17279	0.12955	0.12955	0.11660	0.11677	0.11660	0.11494	0.16333	0.14784
78	T	simulansBruzek140214	0.12792	0.17279	0.12955	0.12955	0.11660	0.11677	0.11660	0.11494	0.16333	0.14784
79	T	simulansMJ040221	0.12785	0.17111	0.12953	0.12953	0.11655	0.11671	0.11655	0.11487	0.16501	0.14951
80	T	simulansAH15633	0.12629	0.17113	0.12786	0.12786	0.11492	0.11507	0.11492	0.11325	0.16333	0.14616
81	T	simulansMJ9064	0.12793	0.17276	0.12954	0.12954	0.11658	0.11674	0.11658	0.11492	0.16503	0.14787
82	T	simulansKnudsen01.70m	0.12963	0.17448	0.12956	0.12956	0.11658	0.11673	0.11658	0.11490	0.16504	0.14955
83	T	simulansMJ7865	0.12647	0.17132	0.12786	0.12786	0.11489	0.11504	0.11489	0.11322	0.16321	0.14641
84	T	simulansMrazek1313	0.12629	0.17113	0.12786	0.12786	0.11492	0.11507	0.11492	0.11325	0.16333	0.14616
85	T	simulansMJ3871	0.12962	0.17295	0.13136	0.13136	0.11834	0.11851	0.11834	0.11667	0.16506	0.15132
86	T	simulansMJ3844	0.13125	0.17452	0.13296	0.13296	0.11997	0.12012	0.11997	0.11829	0.16671	0.15294
87	T	simulansMJ4902	0.12955	0.17282	0.13125	0.13125	0.11826	0.11841	0.11826	0.11658	0.16499	0.15123
88	T	simulansMJ5497	0.13125	0.17452	0.13296	0.13296	0.11997	0.12012	0.11997	0.11829	0.16671	0.15294
89	T	aff.excentricumLong9369	0.13668	0.18142	0.16941	0.16941	0.15822	0.15845	0.15822	0.15657	0.17933	0.18433
90	T	brumaleMJ8372	0.12931	0.17388	0.14119	0.14119	0.12328	0.12346	0.12328	0.12161	0.14667	0.15108
91	T	brumaleMJ4597	0.12954	0.17410	0.14139	0.14139	0.12348	0.12364	0.12348	0.12179	0.14691	0.15136
92	T	brumaleMJ7532	0.12931	0.17388	0.14119	0.14119	0.12328	0.12346	0.12328	0.12161	0.14667	0.15108
93	T	brumaleFinyl9	0.12954	0.17239	0.13967	0.13967	0.12348	0.12364	0.12348	0.12179	0.14517	0.14960
94	T	brumaleBruzek1131229	0.12931	0.17388	0.14119	0.14119	0.12328	0.12346	0.12328	0.12161	0.14667	0.15108
95	T	brumaleBruzek140112	0.13095	0.17555	0.14287	0.14287	0.12495	0.12514	0.12495	0.12329	0.14835	0.15277
96	T	brumaleO58849	0.12931	0.17388	0.14119	0.14119	0.12328	0.12346	0.12328	0.12161	0.14667	0.15108
97	T	brumaleMJ5785	0.13095	0.17555	0.14287	0.14287	0.12495	0.12514	0.12495	0.12329	0.14507	0.15277

98	T	brumaleMJ6427	0.12766	0.17220	0.13957	0.13957	0.12165	0.12182	0.12165	0.11998	0.14668	0.14947
99	T	sp.17AH13674	0.13775	0.17020	0.13421	0.13421	0.12312	0.12326	0.12312	0.12147	0.16509	0.15453
100	T	sp.18MJ9046	0.09781	0.13761	0.12309	0.12309	0.11813	0.11831	0.11813	0.11641	0.14708	0.14647
101	T	sp.20MJ5015	0.10992	0.15894	0.13929	0.13929	0.12921	0.12938	0.12921	0.12746	0.15813	0.15217
102	T	eckbladii TRH9565	0.11271	0.15336	0.14189	0.14189	0.13039	0.13057	0.13039	0.13209	0.16257	0.13718
103	T	eckbladiiO58850	0.11271	0.15336	0.14189	0.14189	0.13039	0.13057	0.13039	0.13209	0.16257	0.13718
104	T	giovanellaeMJ9059	0.10557	0.14751	0.12425	0.12425	0.11616	0.11635	0.11616	0.11784	0.15189	0.13724
105	T	caespitosum acaule	0.10381	0.14569	0.12253	0.12253	0.11441	0.11460	0.11441	0.11609	0.15011	0.13540
106	T	giovanellaeMJ8706	0.10209	0.14399	0.12085	0.12085	0.11273	0.11291	0.11273	0.11441	0.14842	0.13541
107	T	giovalellaeAH11641	0.10223	0.14414	0.12098	0.12098	0.11285	0.11303	0.11285	0.11454	0.14858	0.13541
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.11642	0.16188	0.13191	0.13191	0.13035	0.13060	0.13035	0.12864	0.15594	0.14503
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.11642	0.16188	0.13191	0.13191	0.13035	0.13060	0.13035	0.12864	0.15594	0.14503
110	T	beccarianumFiny2	0.11472	0.15841	0.13193	0.13193	0.12697	0.12721	0.12697	0.12525	0.15595	0.14499
111	T	sp.19Molia140115-2	0.13265	0.17697	0.15048	0.15048	0.13730	0.13751	0.13730	0.13566	0.16178	0.16643
112	T	niveumMJ7692	0.09719	0.14647	0.12976	0.12976	0.12119	0.12142	0.12119	0.11946	0.15372	0.14095
113	T	niveumMJ7699	0.09719	0.14647	0.12976	0.12976	0.12119	0.12142	0.12119	0.11946	0.15372	0.14095
114	T	calcareumBrelisO133	0.13781	0.17180	0.15487	0.15487	0.14916	0.14929	0.14916	0.14756	0.17693	0.15757
115	T	calcareumMJ7141	0.13781	0.17180	0.15487	0.15487	0.14916	0.14929	0.14916	0.14756	0.17693	0.15757
116	T	calcareumMJ2010	0.13781	0.17180	0.15487	0.15487	0.14916	0.14929	0.14916	0.14756	0.17693	0.15757
117	T	calcareumMJ8065	0.13781	0.17180	0.15487	0.15487	0.14916	0.14929	0.14916	0.14756	0.17693	0.15757
118	T	calcareumMJ6375	0.13781	0.17180	0.15487	0.15487	0.14916	0.14929	0.14916	0.14756	0.17693	0.15757
119	T	calcareumMJ6965	0.13781	0.17180	0.15487	0.15487	0.14916	0.14929	0.14916	0.14756	0.17693	0.15757
120	T	calcareumMJ6438	0.14094	0.17493	0.15802	0.15802	0.15233	0.15247	0.15233	0.15073	0.18011	0.16076
121	T	calcareumFiny4	0.13781	0.17180	0.15487	0.15487	0.14916	0.14929	0.14916	0.14756	0.17693	0.15757
122	T	subsquamosumMJ6002	0.13941	0.17752	0.16268	0.16268	0.15543	0.15719	0.15543	0.15701	0.18175	0.15917
123	T	subsquamosumMJ9336	0.13779	0.17593	0.16109	0.16109	0.15388	0.15564	0.15388	0.15547	0.18337	0.15921
124	T	subsquamosumMJ4945	0.13779	0.17596	0.16112	0.16112	0.15387	0.15562	0.15387	0.15545	0.18337	0.15924
125	T	subsquamosumAH19024	0.13779	0.17596	0.16112	0.16112	0.15387	0.15562	0.15387	0.15545	0.18337	0.15924
126	T	subsquamosumMJ6563	0.13779	0.17596	0.16112	0.16112	0.15387	0.15562	0.15387	0.15545	0.18337	0.15924
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.14092	0.17911	0.16428	0.16428	0.15706	0.15883	0.15706	0.15865	0.18337	0.16241
128	T	squamosumEL260-06	0.13459	0.17135	0.15293	0.15293	0.14247	0.14257	0.14247	0.14087	0.17815	0.15879
129	T	squamosumMrazek1300	0.13459	0.17135	0.15293	0.15293	0.14247	0.14257	0.14247	0.14087	0.17815	0.15879
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.13086	0.17276	0.15426	0.15426	0.14680	0.14846	0.14680	0.14839	0.18411	0.15663
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.13086	0.17276	0.15426	0.15426	0.14680	0.14846	0.14680	0.14839	0.18411	0.15663
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.13154	0.16847	0.15323	0.15323	0.14591	0.14604	0.14591	0.14433	0.18012	0.15889
133	T	melanocyclusMJ6036	0.13154	0.16847	0.15323	0.15323	0.14591	0.14604	0.14591	0.14433	0.18012	0.15889
134	T	melanocyclusMJ9596	0.13314	0.17006	0.15322	0.15322	0.14753	0.14766	0.14753	0.14594	0.18169	0.16047
135	T	melanocyclusM011215	0.13311	0.16852	0.15480	0.15480	0.14594	0.14607	0.14594	0.14436	0.18169	0.15732
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.13309	0.16848	0.15479	0.15479	0.14747	0.14761	0.14747	0.14589	0.18170	0.15888
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.13311	0.16852	0.15480	0.15480	0.14594	0.14607	0.14594	0.14436	0.18169	0.15732

138	T	melanocyclusMJ8815	0.13154	0.16847	0.15323	0.15323	0.14591	0.14604	0.14591	0.14433	0.18012	0.15889
139	T	melanocyclusMJ090418	0.13154	0.16847	0.15323	0.15323	0.14591	0.14604	0.14591	0.14433	0.18012	0.15889
140	T	domingueziaeHQ667593	0.13137	0.16182	0.15756	0.15756	0.14579	0.14755	0.14579	0.14738	0.16716	0.14786
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.13137	0.16182	0.15756	0.15756	0.14579	0.14755	0.14579	0.14738	0.16716	0.14786
142	T	rufumLectotype1908USA	0.12973	0.16254	0.14529	0.14529	0.13623	0.13801	0.13623	0.13783	0.16765	0.15468

Uncorrected ("p") distance matrix (continued)

			51	52	53	54	55	56	57	58	59	60
51	T	sp.15MJ9296	-									
52	T	sp.15MJ660617b	0.01112	-								
53	T	sp.10MJ3813	0.14912	0.14509	-							
54	T	sp.10MJ6198	0.14383	0.13797	0.02989	-						
55	T	sp.11MJ881114	0.16143	0.15420	0.05507	0.05974	-					
56	T	sp.12AH15040	0.15664	0.14933	0.05035	0.05355	0.00472	-				
57	T	sp.13Long11161	0.15421	0.15009	0.05949	0.07071	0.04719	0.04880	-			
58	T	sp.9MJ3787	0.14624	0.14035	0.08360	0.08893	0.09336	0.09025	0.09930	-		
59	T	sp.9MJ4966	0.14455	0.13862	0.08345	0.08875	0.09321	0.09010	0.09918	0.00157	-	
60	T	sp.9MJ4976	0.14770	0.14187	0.08343	0.08873	0.09319	0.09008	0.09915	0.00312	0.00312	-
61	T	sp.7Finyl	0.13343	0.12750	0.09733	0.09963	0.10898	0.10425	0.10356	0.06046	0.05885	0.06201
62	T	sp.8MJ3830	0.14025	0.13725	0.07588	0.07983	0.08314	0.08135	0.08950	0.04301	0.04469	0.04642
63	T	sp.8MJ6081	0.14389	0.14087	0.08107	0.08327	0.08655	0.08476	0.09472	0.04820	0.04987	0.05163
64	T	sp.8MJ7795	0.14025	0.13725	0.07588	0.07983	0.08314	0.08135	0.08950	0.04301	0.04469	0.04642
65	T	kotlabaeBoertmann79074	0.15256	0.14970	0.07397	0.07782	0.09507	0.08989	0.09470	0.05301	0.05468	0.05645
66	T	kotlabaeMJ5597	0.14891	0.14617	0.06894	0.07104	0.08478	0.07957	0.08612	0.04615	0.04783	0.04960
67	T	kotlabaeMJ9585	0.14908	0.14633	0.06723	0.06931	0.08660	0.08138	0.08795	0.04791	0.04958	0.05135
68	T	kotlabaeMJ7187	0.14888	0.14612	0.06715	0.06923	0.08648	0.08128	0.08782	0.04785	0.04952	0.05130
69	T	kotlabaePavel140118	0.15068	0.14793	0.06894	0.07104	0.08828	0.08307	0.08959	0.04964	0.05131	0.05308
70	T	aff. cretaceumKnudsen01.79	0.17513	0.16969	0.12760	0.13307	0.14101	0.13485	0.13341	0.12426	0.12416	0.12412
71	T	aff. cretaceumMJ3821	0.17537	0.17148	0.12460	0.13006	0.13963	0.13344	0.13043	0.11963	0.11955	0.11952
72	T	aff. cretaceumMJ6194	0.17818	0.17276	0.12950	0.13496	0.14285	0.13823	0.13351	0.12444	0.12433	0.12430
73	T	aff. cretaceumAH3995	0.17974	0.17433	0.13106	0.13653	0.14283	0.13820	0.13512	0.12759	0.12748	0.12744
74	T	aff. cretaceumMJ9304	0.17659	0.17115	0.13108	0.13655	0.14443	0.13981	0.13193	0.12602	0.12591	0.12587
75	T	sp.5MJ10060	0.15796	0.15244	0.13334	0.13411	0.12274	0.12117	0.13909	0.13170	0.13150	0.13150
76	T	sp.5Bruzek131207	0.15796	0.15244	0.13334	0.13411	0.12274	0.12117	0.13909	0.13170	0.13150	0.13150
77	T	simulansBruzek131201	0.14784	0.14844	0.11309	0.10370	0.11901	0.11566	0.11704	0.10993	0.10816	0.11154
78	T	simulansBruzek140214	0.14784	0.14844	0.11309	0.10370	0.11901	0.11566	0.11704	0.10993	0.10816	0.11154
79	T	simulansMJ040221	0.14951	0.15011	0.11305	0.10366	0.11894	0.11559	0.11702	0.10988	0.10811	0.11148
80	T	simulansAH15633	0.14615	0.14673	0.11472	0.10534	0.12063	0.11728	0.11866	0.10827	0.10651	0.10988
81	T	simulansMJ9064	0.14786	0.14846	0.11636	0.10699	0.12229	0.11894	0.12034	0.10991	0.10815	0.11153

82	T	simulansKnudsen01.70m	0.14955	0.15014	0.11646	0.10709	0.12236	0.11900	0.12041	0.10999	0.10822	0.11159
83	T	simulansMJ7865	0.14640	0.14697	0.11470	0.10532	0.12061	0.11725	0.11856	0.10825	0.10649	0.10986
84	T	simulansMrazek1313	0.14615	0.14673	0.11472	0.10534	0.12063	0.11728	0.11866	0.10827	0.10651	0.10988
85	T	simulansMJ3871	0.15131	0.15192	0.11489	0.10549	0.12078	0.11742	0.11882	0.11167	0.10990	0.11327
86	T	simulansMJ3844	0.15294	0.15353	0.11659	0.10722	0.12248	0.11911	0.12048	0.11338	0.11160	0.11497
87	T	simulansMJ4902	0.15122	0.15182	0.11482	0.10543	0.12070	0.11734	0.11873	0.11162	0.10985	0.11322
88	T	simulansMJ5497	0.15294	0.15353	0.11659	0.10722	0.12248	0.11911	0.12048	0.11338	0.11160	0.11497
89	T	aff.excentricumLong9369	0.18433	0.18161	0.13854	0.14118	0.14760	0.14257	0.14230	0.14185	0.14005	0.14342
90	T	brumaleMJ8372	0.15107	0.15330	0.11520	0.11596	0.12586	0.12259	0.12383	0.11317	0.11162	0.11335
91	T	brumaleMJ4597	0.15134	0.15357	0.11541	0.11618	0.12605	0.12277	0.12399	0.11338	0.11182	0.11355
92	T	brumaleMJ7532	0.15107	0.15330	0.11520	0.11596	0.12586	0.12259	0.12383	0.11317	0.11162	0.11335
93	T	brumaleFiny9	0.14958	0.15180	0.11541	0.11618	0.12605	0.12277	0.12399	0.11338	0.11182	0.11355
94	T	brumaleBruzek1131229	0.15107	0.15330	0.11520	0.11596	0.12586	0.12259	0.12383	0.11317	0.11162	0.11335
95	T	brumaleBruzek140112	0.15275	0.15500	0.11685	0.11761	0.12752	0.12425	0.12551	0.11481	0.11326	0.11499
96	T	brumaleO58849	0.15107	0.15330	0.11520	0.11596	0.12586	0.12259	0.12383	0.11317	0.11162	0.11335
97	T	brumaleMJ5785	0.15275	0.15500	0.11685	0.11761	0.12752	0.12425	0.12551	0.11481	0.11326	0.11499
98	T	brumaleMJ6427	0.14946	0.15167	0.11354	0.11429	0.12420	0.12092	0.12216	0.11151	0.10995	0.11168
99	T	sp.17AH13674	0.15455	0.14905	0.12376	0.12443	0.13094	0.12605	0.13035	0.11526	0.11352	0.11683
100	T	sp.18MJ9046	0.14647	0.14531	0.09263	0.09148	0.09670	0.09153	0.09332	0.10666	0.10484	0.10832
101	T	sp.20MJ5015	0.15220	0.15108	0.11638	0.11734	0.10833	0.10311	0.11538	0.11363	0.11175	0.11528
102	T	eckbladii TRH9565	0.13718	0.13780	0.11619	0.11714	0.11860	0.11337	0.12185	0.11460	0.11275	0.11625
103	T	eckbladiiO58850	0.13718	0.13780	0.11619	0.11714	0.11860	0.11337	0.12185	0.11460	0.11275	0.11625
104	T	giovanellaeMJ9059	0.13724	0.13786	0.10695	0.10783	0.11125	0.10603	0.10748	0.10043	0.09860	0.10211
105	T	caespitosum acaule	0.13540	0.13603	0.10524	0.10610	0.10950	0.10428	0.10576	0.09868	0.09685	0.10035
106	T	giovanellaeMJ8706	0.13542	0.13603	0.10354	0.10438	0.10779	0.10257	0.10405	0.09699	0.09516	0.09866
107	T	giovalellaeAH11641	0.13541	0.13603	0.10367	0.10451	0.10793	0.10271	0.10423	0.09711	0.09528	0.09879
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.14504	0.14386	0.09715	0.09611	0.10978	0.11160	0.10483	0.10768	0.10584	0.10931
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.14504	0.14386	0.09715	0.09611	0.10978	0.11160	0.10483	0.10768	0.10584	0.10931
110	T	beccarianumFiny2	0.14501	0.14385	0.10064	0.09963	0.10991	0.11172	0.10143	0.10778	0.10594	0.10942
111	T	sp.19Molia140115-2	0.16647	0.15767	0.12885	0.12473	0.12771	0.12617	0.12277	0.12589	0.12409	0.12738
112	T	niveumMJ7692	0.14096	0.13973	0.11258	0.11350	0.12732	0.12207	0.11806	0.11846	0.11659	0.12013
113	T	niveumMJ7699	0.14096	0.13973	0.11258	0.11350	0.12732	0.12207	0.11806	0.11846	0.11659	0.12013
114	T	calcareumBreliSO133	0.15755	0.15054	0.10989	0.11520	0.12156	0.11682	0.11116	0.12906	0.12890	0.12888
115	T	calcareumMJ7141	0.15755	0.15054	0.10989	0.11520	0.12156	0.11682	0.11116	0.12906	0.12890	0.12888
116	T	calcareumMJ2010	0.15755	0.15054	0.10989	0.11520	0.12156	0.11682	0.11116	0.12906	0.12890	0.12888
117	T	calcareumMJ8065	0.15755	0.15054	0.10989	0.11520	0.12156	0.11682	0.11116	0.12906	0.12890	0.12888
118	T	calcareumMJ6375	0.15755	0.15054	0.10989	0.11520	0.12156	0.11682	0.11116	0.12906	0.12890	0.12888
119	T	calcareumMJ6965	0.15755	0.15054	0.10989	0.11520	0.12156	0.11682	0.11116	0.12906	0.12890	0.12888
120	T	calcareumMJ6438	0.16074	0.15381	0.11308	0.11842	0.12475	0.12001	0.11429	0.13222	0.13206	0.13204
121	T	calcareumFiny4	0.15755	0.15054	0.10989	0.11520	0.12156	0.11682	0.11116	0.12906	0.12890	0.12888

122	T	subsquamosumMJ6002	0.15916	0.15541	0.12593	0.12010	0.13127	0.12650	0.12237	0.14335	0.14182	0.14338
123	T	subsquamosumMJ9336	0.15920	0.15544	0.12434	0.11849	0.12969	0.12493	0.12080	0.14176	0.14023	0.14178
124	T	subsquamosumMJ4945	0.15923	0.15549	0.12429	0.11842	0.12965	0.12488	0.12235	0.14170	0.14017	0.14173
125	T	subsquamosumAH19024	0.15923	0.15549	0.12429	0.11842	0.12965	0.12488	0.12235	0.14170	0.14017	0.14173
126	T	subsquamosumMJ6563	0.15923	0.15549	0.12429	0.11842	0.12965	0.12488	0.12235	0.14170	0.14017	0.14173
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.16239	0.15707	0.12750	0.12008	0.12965	0.12488	0.12555	0.14490	0.14337	0.14492
128	T	squamosumEL260-06	0.15877	0.15174	0.11299	0.11354	0.12621	0.12143	0.11566	0.13023	0.13189	0.13346
129	T	squamosumMrazek1300	0.15877	0.15174	0.11299	0.11354	0.12621	0.12143	0.11566	0.13023	0.13189	0.13346
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.15824	0.15268	0.10911	0.11598	0.11298	0.10829	0.10567	0.12669	0.12516	0.12671
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.15824	0.15268	0.10911	0.11598	0.11298	0.10829	0.10567	0.12669	0.12516	0.12671
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.15886	0.14874	0.11465	0.11844	0.12333	0.11860	0.11121	0.13363	0.13212	0.13370
133	T	melanocyclusMJ6036	0.15886	0.14874	0.11465	0.11844	0.12333	0.11860	0.11121	0.13363	0.13212	0.13370
134	T	melanocyclusMJ9596	0.16044	0.15033	0.11631	0.12012	0.12498	0.12024	0.11284	0.13528	0.13376	0.13535
135	T	melanocyclusM011215	0.15729	0.15033	0.11628	0.12009	0.12495	0.12022	0.11123	0.13525	0.13373	0.13532
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.15885	0.14875	0.11623	0.12002	0.12490	0.12017	0.11118	0.13519	0.13367	0.13526
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.15729	0.15033	0.11628	0.12009	0.12495	0.12022	0.11123	0.13525	0.13373	0.13532
138	T	melanocyclusMJ8815	0.15886	0.14874	0.11465	0.11844	0.12333	0.11860	0.11121	0.13363	0.13212	0.13370
139	T	melanocyclusMJ090418	0.15886	0.14874	0.11465	0.11844	0.12333	0.11860	0.11121	0.13363	0.13212	0.13370
140	T	domingueziaeHQ667593	0.14785	0.14235	0.12421	0.12781	0.13242	0.12633	0.12678	0.12262	0.12244	0.12242
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.14785	0.14235	0.12421	0.12781	0.13242	0.12633	0.12678	0.12262	0.12244	0.12242
142	T	rufumLectotype1908USA	0.15466	0.14876	0.11916	0.12131	0.12613	0.12133	0.12191	0.12216	0.12040	0.12363

Uncorrected ("p") distance matrix (continued)

		61	62	63	64	65	66	67	68	69	70
61	T sp.7Finyl	-									
62	T sp.8MJ3830	0.05741	-								
63	T sp.8MJ6081	0.06264	0.00509	-							
64	T sp.8MJ7795	0.05741	0.00000	0.00509	-						
65	T kotlabaeBoertmann79074	0.06758	0.04446	0.04792	0.04446	-					
66	T kotlabaeMJ5597	0.06604	0.03940	0.04285	0.03940	0.01019	-				
67	T kotlabaeMJ9585	0.06428	0.04113	0.04459	0.04113	0.00851	0.00170	-			
68	T kotlabaeMJ7187	0.06420	0.04108	0.04454	0.04108	0.00849	0.00170	0.00000	-		
69	T kotlabaePavel1140118	0.06604	0.04279	0.04625	0.04279	0.01019	0.00340	0.00170	0.00170	-	
70	T aff. cretaceumKnudsen01.79	0.12649	0.09877	0.10240	0.09877	0.10247	0.09895	0.09899	0.09890	0.10068	-
71	T aff. cretaceumMJ3821	0.12028	0.09523	0.09886	0.09523	0.10071	0.09719	0.09725	0.09715	0.09895	0.01090
72	T aff. cretaceumMJ6194	0.12830	0.10391	0.10752	0.10391	0.10593	0.10241	0.10247	0.10237	0.10413	0.02340
73	T aff. cretaceumAH3995	0.12990	0.10376	0.10391	0.10376	0.10748	0.10399	0.10403	0.10394	0.10570	0.02340
74	T aff. cretaceumMJ9304	0.12989	0.10557	0.10919	0.10557	0.10760	0.10409	0.10415	0.10405	0.10580	0.02495
75	T sp.5MJ10060	0.14455	0.11448	0.11979	0.11448	0.12353	0.11834	0.11842	0.11828	0.12004	0.16786

76	T	sp.5Bruzek131207	0.14455	0.11448	0.11979	0.11448	0.12353	0.11834	0.11842	0.11828	0.12004	0.16786
77	T	simulansBruzek131201	0.10577	0.11021	0.11194	0.11021	0.10061	0.09730	0.09728	0.09718	0.09893	0.13912
78	T	simulansBruzek140214	0.10577	0.11021	0.11194	0.11021	0.10061	0.09730	0.09728	0.09718	0.09893	0.13912
79	T	simulansMJ040221	0.10913	0.11022	0.11195	0.11022	0.10409	0.09730	0.09729	0.09718	0.09893	0.14245
80	T	simulansAH15633	0.10575	0.10852	0.11025	0.10852	0.10240	0.09909	0.09907	0.09897	0.10072	0.14074
81	T	simulansMJ9064	0.10743	0.11024	0.11197	0.11024	0.10413	0.10081	0.10080	0.10069	0.10244	0.14245
82	T	simulansKnudsen01.70m	0.10921	0.10856	0.11029	0.10856	0.10247	0.09913	0.09912	0.09901	0.10075	0.14245
83	T	simulansMJ7865	0.10591	0.10851	0.11024	0.10851	0.10238	0.09907	0.09906	0.09895	0.10070	0.14059
84	T	simulansMrazek1313	0.10575	0.10852	0.11025	0.10852	0.10240	0.09909	0.09907	0.09897	0.10072	0.14074
85	T	simulansMJ3871	0.11098	0.11032	0.11205	0.11032	0.10424	0.09742	0.09741	0.09730	0.09904	0.14421
86	T	simulansMJ3844	0.11269	0.11197	0.11369	0.11197	0.10587	0.09906	0.09906	0.09895	0.10069	0.14586
87	T	simulansMJ4902	0.11091	0.11026	0.11199	0.11026	0.10417	0.09738	0.09737	0.09726	0.09900	0.14415
88	T	simulansMJ5497	0.11269	0.11197	0.11369	0.11197	0.10587	0.09906	0.09906	0.09895	0.10069	0.14586
89	T	aff.excentricumLong9369	0.13522	0.13075	0.13251	0.13075	0.13191	0.12496	0.12509	0.12492	0.12663	0.17143
90	T	brumaleMJ8372	0.10954	0.10530	0.10710	0.10530	0.10919	0.10581	0.10588	0.10577	0.10750	0.13721
91	T	brumaleMJ4597	0.10973	0.10553	0.10733	0.10553	0.10940	0.10604	0.10609	0.10599	0.10773	0.13743
92	T	brumaleMJ7532	0.10954	0.10530	0.10710	0.10530	0.10919	0.10581	0.10588	0.10577	0.10750	0.13721
93	T	brumaleFin9	0.10973	0.10553	0.10733	0.10553	0.10942	0.10604	0.10611	0.10599	0.10773	0.13576
94	T	brumaleBruzek1131229	0.10954	0.10530	0.10710	0.10530	0.10919	0.10581	0.10588	0.10577	0.10750	0.13721
95	T	brumaleBruzek140112	0.11125	0.10700	0.10881	0.10700	0.11079	0.10752	0.10748	0.10748	0.10921	0.13892
96	T	brumaleO58849	0.10954	0.10530	0.10710	0.10530	0.10919	0.10581	0.10588	0.10577	0.10750	0.13721
97	T	brumaleMJ5785	0.11125	0.10700	0.10881	0.10700	0.11090	0.10752	0.10759	0.10748	0.10921	0.13892
98	T	brumaleMJ6427	0.10787	0.10352	0.10533	0.10352	0.10741	0.10403	0.10410	0.10399	0.10572	0.13561
99	T	sp.17AH13674	0.11617	0.11026	0.11379	0.11026	0.11077	0.10736	0.10747	0.10731	0.10906	0.15390
100	T	sp.18MJ9046	0.10083	0.11778	0.12131	0.11778	0.11473	0.10783	0.10791	0.10778	0.10951	0.13498
101	T	sp.20MJ5015	0.11085	0.12004	0.12534	0.12004	0.12399	0.12075	0.12061	0.12058	0.12236	0.14579
102	T	eckbladii TRH9565	0.10876	0.11376	0.11553	0.11376	0.11591	0.10906	0.10909	0.10899	0.11075	0.14342
103	T	eckbladiiO58850	0.10876	0.11376	0.11553	0.11376	0.11591	0.10906	0.10909	0.10899	0.11075	0.14342
104	T	giovanellaeMJ9059	0.10134	0.10291	0.10815	0.10291	0.10171	0.09836	0.09835	0.09823	0.10000	0.13609
105	T	caespitosum acaule	0.09962	0.10117	0.10640	0.10117	0.09995	0.09657	0.09657	0.09646	0.09822	0.13432
106	T	giovanellaeMJ8706	0.09960	0.09942	0.10466	0.09942	0.09818	0.09482	0.09481	0.09470	0.09647	0.13428
107	T	giovalellaeAH11641	0.09961	0.09954	0.10480	0.09954	0.09831	0.09495	0.09494	0.09483	0.09660	0.13430
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.09872	0.10887	0.11065	0.10887	0.11251	0.10913	0.10918	0.10909	0.11083	0.13510
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.09872	0.10887	0.11065	0.10887	0.11251	0.10913	0.10918	0.10909	0.11083	0.13510
110	T	beccarianumFin92	0.09885	0.11230	0.11409	0.11230	0.11246	0.10908	0.10913	0.10904	0.11078	0.13169
111	T	sp.19Molia140115-2	0.12578	0.11085	0.11440	0.11085	0.10608	0.10282	0.10278	0.10276	0.10453	0.14934
112	T	niveumMJ7692	0.11408	0.10703	0.10885	0.10703	0.11137	0.10786	0.10793	0.10782	0.10955	0.12343
113	T	niveumMJ7699	0.11408	0.10703	0.10885	0.10703	0.11137	0.10786	0.10793	0.10782	0.10955	0.12343
114	T	calcareumBrelISO133	0.13009	0.12289	0.12473	0.12289	0.12294	0.11785	0.11794	0.11781	0.11961	0.14996
115	T	calcareumMJ7141	0.13009	0.12289	0.12473	0.12289	0.12294	0.11785	0.11794	0.11781	0.11961	0.14996

116	T	calcareumMJ2010	0.13009	0.12289	0.12473	0.12289	0.12294	0.11785	0.11794	0.11781	0.11961	0.14996
117	T	calcareumMJ8065	0.13009	0.12289	0.12473	0.12289	0.12294	0.11785	0.11794	0.11781	0.11961	0.14996
118	T	calcareumMJ6375	0.13009	0.12289	0.12473	0.12289	0.12294	0.11785	0.11794	0.11781	0.11961	0.14996
119	T	calcareumMJ6965	0.13009	0.12289	0.12473	0.12289	0.12294	0.11785	0.11794	0.11781	0.11961	0.14996
120	T	calcareumMJ6438	0.13327	0.12644	0.12828	0.12644	0.12653	0.12144	0.12154	0.12140	0.12320	0.15317
121	T	calcareumFiny4	0.13009	0.12289	0.12473	0.12289	0.12294	0.11785	0.11794	0.11781	0.11961	0.14996
122	T	subsquamosumMJ6002	0.14088	0.13514	0.13698	0.13514	0.13363	0.12846	0.12861	0.12843	0.13022	0.15940
123	T	subsquamosumMJ9336	0.13934	0.13334	0.13518	0.13334	0.13186	0.12669	0.12685	0.12666	0.12844	0.16258
124	T	subsquamosumMJ4945	0.14088	0.12980	0.13164	0.12980	0.12827	0.12312	0.12326	0.12309	0.12487	0.16098
125	T	subsquamosumAH19024	0.14088	0.12980	0.13164	0.12980	0.12827	0.12312	0.12326	0.12309	0.12487	0.16098
126	T	subsquamosumMJ6563	0.14088	0.12980	0.13164	0.12980	0.12827	0.12312	0.12326	0.12309	0.12487	0.16098
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.14088	0.13142	0.13328	0.13142	0.12995	0.12480	0.12494	0.12477	0.12655	0.16414
128	T	squamosumEL260-06	0.13590	0.11636	0.11818	0.11636	0.11811	0.11467	0.11479	0.11464	0.11643	0.15116
129	T	squamosumMrazek1300	0.13590	0.11636	0.11818	0.11636	0.11811	0.11467	0.11479	0.11464	0.11643	0.15116
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.13122	0.12439	0.12444	0.12439	0.11917	0.11404	0.11411	0.11402	0.11579	0.15055
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.13122	0.12439	0.12444	0.12439	0.11917	0.11404	0.11411	0.11402	0.11579	0.15055
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.13459	0.11807	0.11996	0.11807	0.12369	0.11856	0.11866	0.11852	0.12029	0.14366
133	T	melanocyclusMJ6036	0.13459	0.11807	0.11996	0.11807	0.12369	0.11856	0.11866	0.11852	0.12029	0.14366
134	T	melanocyclusMJ9596	0.13623	0.11993	0.12181	0.11993	0.12553	0.12040	0.12050	0.12036	0.12213	0.14525
135	T	melanocyclusM011215	0.13621	0.11988	0.12177	0.11988	0.12553	0.12039	0.12049	0.12035	0.12212	0.14530
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.13615	0.11978	0.12167	0.11978	0.12541	0.12028	0.12038	0.12024	0.12201	0.14526
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.13621	0.11988	0.12177	0.11988	0.12553	0.12039	0.12049	0.12035	0.12212	0.14530
138	T	melanocyclusMJ8815	0.13459	0.11807	0.11996	0.11807	0.12369	0.11856	0.11866	0.11852	0.12029	0.14366
139	T	melanocyclusMJ090418	0.13459	0.11807	0.11996	0.11807	0.12369	0.11856	0.11866	0.11852	0.12029	0.14366
140	T	domingueziaeHQ667593	0.12651	0.11642	0.11819	0.11642	0.11122	0.10606	0.10616	0.10603	0.10779	0.15139
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.12651	0.11642	0.11819	0.11642	0.11122	0.10606	0.10616	0.10603	0.10779	0.15139
142	T	rufumLectotype1908USA	0.13117	0.11600	0.11780	0.11600	0.10922	0.10410	0.10419	0.10407	0.10585	0.14323

Uncorrected ("p") distance matrix (continued)

		71	72	73	74	75	76	77	78	79	80
71	T	aff. cretaceumMJ3821	-								
72	T	aff. cretaceumMJ6194	0.02341	-							
73	T	aff. cretaceumAH3995	0.02652	0.00312	-						
74	T	aff. cretaceumMJ9304	0.02496	0.00156	0.00467	-					
75	T	sp.5MJ10060	0.16487	0.16152	0.16306	0.16307	-				
76	T	sp.5Bruzek131207	0.16487	0.16152	0.16306	0.16307	0.00000	-			
77	T	simulansBruzek131201	0.13246	0.13564	0.13893	0.13728	0.14023	0.14023	-		
78	T	simulansBruzek140214	0.13246	0.13564	0.13893	0.13728	0.14023	0.14023	0.00000	-	
79	T	simulansMJ040221	0.13578	0.13896	0.14225	0.14061	0.14023	0.14023	0.00822	0.00822	-

80	T	simulansAH15633	0.13407	0.13726	0.14054	0.13890	0.13854	0.13854	0.00493	0.00493	0.00329	-
81	T	simulansMJ9064	0.13578	0.13897	0.14226	0.14062	0.14021	0.14021	0.00658	0.00658	0.00493	0.00164
82	T	simulansKnudsen01.70m	0.13580	0.13896	0.14225	0.14060	0.14027	0.14027	0.00822	0.00822	0.00329	0.00329
83	T	simulansMJ7865	0.13393	0.13712	0.14041	0.13876	0.13844	0.13844	0.00493	0.00493	0.00165	0.00000
84	T	simulansMrzek1313	0.13407	0.13726	0.14054	0.13890	0.13854	0.13854	0.00493	0.00493	0.00329	0.00000
85	T	simulansMJ3871	0.13756	0.14072	0.14401	0.14236	0.14201	0.14201	0.00987	0.00987	0.00164	0.00493
86	T	simulansMJ3844	0.13922	0.14238	0.14566	0.14402	0.14364	0.14364	0.01151	0.01151	0.00329	0.00658
87	T	simulansMJ4902	0.13750	0.14067	0.14396	0.14232	0.14194	0.14194	0.00987	0.00987	0.00164	0.00493
88	T	simulansMJ5497	0.13922	0.14238	0.14566	0.14402	0.14364	0.14364	0.01151	0.01151	0.00329	0.00658
89	T	aff.excentricumLong9369	0.16995	0.17123	0.17278	0.17286	0.15729	0.15729	0.09921	0.09921	0.09585	0.09757
90	T	brumaleMJ8372	0.12722	0.13031	0.13353	0.13192	0.13671	0.13671	0.05965	0.05965	0.05964	0.05800
91	T	brumaleMJ4597	0.12740	0.13048	0.13371	0.13210	0.13694	0.13694	0.05972	0.05972	0.05973	0.05809
92	T	brumaleMJ7532	0.12722	0.13031	0.13353	0.13192	0.13671	0.13671	0.05965	0.05965	0.05964	0.05800
93	T	brumaleFiny9	0.12575	0.12883	0.13207	0.13045	0.13519	0.13519	0.05972	0.05972	0.05973	0.05809
94	T	brumaleBruzek1131229	0.12722	0.13031	0.13353	0.13192	0.13671	0.13671	0.05965	0.05965	0.05964	0.05800
95	T	brumaleBruzek140112	0.12893	0.13202	0.13525	0.13364	0.13840	0.13840	0.06132	0.06132	0.06131	0.05967
96	T	brumaleO58849	0.12722	0.13031	0.13353	0.13192	0.13671	0.13671	0.05965	0.05965	0.05964	0.05800
97	T	brumaleMJ5785	0.12893	0.13202	0.13525	0.13364	0.13840	0.13840	0.06132	0.06132	0.06131	0.05967
98	T	brumaleMJ6427	0.12562	0.13034	0.13356	0.13195	0.13840	0.13840	0.05800	0.05800	0.05800	0.05636
99	T	sp.17AH13674	0.15240	0.14891	0.15043	0.15051	0.13816	0.13816	0.09296	0.09296	0.09464	0.09128
100	T	sp.18MJ9046	0.13000	0.13296	0.13455	0.13465	0.11588	0.11588	0.06688	0.06688	0.06680	0.06862
101	T	sp.20MJ5015	0.14231	0.14893	0.15056	0.15063	0.12487	0.12487	0.10606	0.10606	0.10435	0.10266
102	T	eckbladii TRH9565	0.14348	0.14300	0.14464	0.14471	0.12910	0.12910	0.11236	0.11236	0.10891	0.11068
103	T	eckbladiiO58850	0.14348	0.14300	0.14464	0.14471	0.12910	0.12910	0.11236	0.11236	0.10891	0.11068
104	T	giovanellaeMJ9059	0.13267	0.13923	0.14086	0.14093	0.11142	0.11142	0.10152	0.10152	0.10160	0.09985
105	T	caespitosum acaule	0.13090	0.13747	0.13910	0.13917	0.10967	0.10967	0.09983	0.09983	0.09991	0.09816
106	T	giovanellaeMJ8706	0.13085	0.13740	0.13902	0.13909	0.10967	0.10967	0.09811	0.09811	0.09818	0.09643
107	T	giovalellaeAH11641	0.13087	0.13743	0.13906	0.13913	0.10967	0.10967	0.09822	0.09822	0.09829	0.09654
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.13349	0.13483	0.13644	0.13652	0.12585	0.12585	0.08087	0.08087	0.08075	0.07919
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.13349	0.13483	0.13644	0.13652	0.12585	0.12585	0.08087	0.08087	0.08075	0.07919
110	T	beccarianumFiny2	0.13008	0.13143	0.13303	0.13311	0.12245	0.12245	0.08432	0.08432	0.08419	0.08264
111	T	sp.19Molia140115-2	0.14452	0.15087	0.15245	0.14918	0.14304	0.14304	0.08207	0.08207	0.08525	0.08372
112	T	niveumMJ7692	0.12000	0.12644	0.12805	0.12813	0.12091	0.12091	0.09198	0.09198	0.09375	0.09200
113	T	niveumMJ7699	0.12000	0.12644	0.12805	0.12813	0.12091	0.12091	0.09198	0.09198	0.09375	0.09200
114	T	calcareumBrelISO133	0.14538	0.14677	0.14837	0.14518	0.14274	0.14274	0.12143	0.12143	0.12478	0.12308
115	T	calcareumMJ7141	0.14538	0.14677	0.14837	0.14518	0.14274	0.14274	0.12143	0.12143	0.12478	0.12308
116	T	calcareumMJ2010	0.14538	0.14677	0.14837	0.14518	0.14274	0.14274	0.12143	0.12143	0.12478	0.12308
117	T	calcareumMJ8065	0.14538	0.14677	0.14837	0.14518	0.14274	0.14274	0.12143	0.12143	0.12478	0.12308
118	T	calcareumMJ6375	0.14538	0.14677	0.14837	0.14518	0.14274	0.14274	0.12143	0.12143	0.12478	0.12308
119	T	calcareumMJ6965	0.14538	0.14677	0.14837	0.14518	0.14274	0.14274	0.12143	0.12143	0.12478	0.12308

120	T	calcareumMJ6438	0.14859	0.14998	0.15158	0.14840	0.14586	0.14586	0.12486	0.12486	0.12820	0.12651
121	T	calcareumFiny4	0.14538	0.14677	0.14837	0.14518	0.14274	0.14274	0.12143	0.12143	0.12478	0.12308
122	T	subsquamosumMJ6002	0.15486	0.15937	0.16094	0.15777	0.14907	0.14907	0.12697	0.12697	0.13031	0.12864
123	T	subsquamosumMJ9336	0.15805	0.16255	0.16412	0.16095	0.14749	0.14749	0.12533	0.12533	0.12867	0.12700
124	T	subsquamosumMJ4945	0.15644	0.16093	0.16250	0.15934	0.14754	0.14754	0.12528	0.12528	0.12863	0.12695
125	T	subsquamosumAH19024	0.15644	0.16093	0.16250	0.15934	0.14754	0.14754	0.12528	0.12528	0.12863	0.12695
126	T	subsquamosumMJ6563	0.15644	0.16093	0.16250	0.15934	0.14754	0.14754	0.12528	0.12528	0.12863	0.12695
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.15960	0.16410	0.16567	0.16250	0.14754	0.14754	0.12695	0.12695	0.13030	0.12861
128	T	squamosumEL260-06	0.14657	0.15115	0.15274	0.14956	0.14718	0.14718	0.12323	0.12323	0.12323	0.12155
129	T	squamosumMrazek1300	0.14657	0.15115	0.15274	0.14956	0.14718	0.14718	0.12323	0.12323	0.12323	0.12155
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.14599	0.15042	0.15201	0.14884	0.14865	0.14865	0.11968	0.11968	0.12298	0.12134
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.14599	0.15042	0.15201	0.14884	0.14865	0.14865	0.11968	0.11968	0.12298	0.12134
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.14382	0.14530	0.14688	0.14371	0.14257	0.14257	0.12195	0.12195	0.12195	0.12025
133	T	melanocyclusMJ6036	0.14382	0.14530	0.14688	0.14371	0.14257	0.14257	0.12195	0.12195	0.12195	0.12025
134	T	melanocyclusMJ9596	0.14542	0.14689	0.14848	0.14530	0.14414	0.14414	0.12364	0.12364	0.12364	0.12194
135	T	melanocyclusM011215	0.14546	0.14694	0.14853	0.14536	0.14412	0.14412	0.12364	0.12364	0.12364	0.12194
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.14541	0.14688	0.14847	0.14529	0.14413	0.14413	0.12358	0.12358	0.12358	0.12188
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.14546	0.14694	0.14853	0.14536	0.14412	0.14412	0.12364	0.12364	0.12364	0.12194
138	T	melanocyclusMJ8815	0.14382	0.14530	0.14688	0.14371	0.14257	0.14257	0.12195	0.12195	0.12195	0.12025
139	T	melanocyclusMJ090418	0.14382	0.14530	0.14688	0.14371	0.14257	0.14257	0.12195	0.12195	0.12195	0.12025
140	T	domingueziaeHQ667593	0.14998	0.14975	0.15133	0.14816	0.14121	0.14121	0.12843	0.12843	0.13010	0.12845
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.14998	0.14975	0.15133	0.14816	0.14121	0.14121	0.12843	0.12843	0.13010	0.12845
142	T	rufumLectotype1908USA	0.14164	0.13982	0.14304	0.13821	0.14127	0.14127	0.11652	0.11652	0.11650	0.11483

Uncorrected ("p") distance matrix (continued)

		81	82	83	84	85	86	87	88	89	90
81	T simulansMJ9064	-									
82	T simulansKnudsen01.70m	0.00493	-								
83	T simulansMJ7865	0.00164	0.00164	-							
84	T simulansMrazek1313	0.00164	0.00329	0.00000	-						
85	T simulansMJ3871	0.00658	0.00493	0.00330	0.00493	-					
86	T simulansMJ3844	0.00822	0.00658	0.00494	0.00658	0.00000	-				
87	T simulansMJ4902	0.00658	0.00493	0.00330	0.00493	0.00000	0.00164	-			
88	T simulansMJ5497	0.00822	0.00658	0.00494	0.00658	0.00000	0.00000	0.00164	-		
89	T aff.excentricumLong9369	0.09921	0.09914	0.09754	0.09757	0.09591	0.09750	0.09587	0.09750	-	
90	T brumaleMJ8372	0.05965	0.05965	0.05798	0.05800	0.06131	0.06293	0.06129	0.06293	0.08431	-
91	T brumaleMJ4597	0.05974	0.05973	0.05807	0.05809	0.06140	0.06302	0.06137	0.06302	0.08445	0.00000
92	T brumaleMJ7532	0.05965	0.05965	0.05798	0.05800	0.06131	0.06293	0.06129	0.06293	0.08431	0.00000
93	T brumaleFiny9	0.05974	0.05973	0.05807	0.05809	0.06140	0.06302	0.06137	0.06302	0.08445	0.00000

94	T	brumaleBruzek1131229	0.05965	0.05965	0.05798	0.05800	0.06131	0.06293	0.06129	0.06293	0.08431	0.00000
95	T	brumaleBruzek140112	0.06132	0.06132	0.05965	0.05967	0.06298	0.06460	0.06296	0.06460	0.08595	0.00164
96	T	brumaleO58849	0.05965	0.05965	0.05798	0.05800	0.06131	0.06293	0.06129	0.06293	0.08431	0.00000
97	T	brumaleMJ5785	0.06132	0.06132	0.05965	0.05967	0.06298	0.06460	0.06296	0.06460	0.08595	0.00164
98	T	brumaleMJ6427	0.05800	0.05800	0.05634	0.05636	0.05967	0.06129	0.05964	0.06129	0.08265	0.00164
99	T	sp.17AH13674	0.09296	0.09461	0.09140	0.09128	0.09637	0.09795	0.09630	0.09795	0.10969	0.08609
100	T	sp.18MJ9046	0.07033	0.06858	0.06857	0.06862	0.06688	0.06848	0.06680	0.06848	0.09585	0.08197
101	T	sp.20MJ5015	0.10441	0.10271	0.10262	0.10266	0.10451	0.10612	0.10442	0.10612	0.13599	0.11496
102	T	eckbladii TRH9565	0.11242	0.11079	0.11067	0.11068	0.10905	0.11066	0.10897	0.11066	0.13848	0.11755
103	T	eckbladiiO58850	0.11242	0.11079	0.11067	0.11068	0.10905	0.11066	0.10897	0.11066	0.13848	0.11755
104	T	giovanellaeMJ9059	0.10158	0.09998	0.09986	0.09985	0.10177	0.10337	0.10168	0.10337	0.12611	0.10897
105	T	caespitosum acaule	0.09989	0.09828	0.09817	0.09816	0.10007	0.10168	0.09999	0.10168	0.12439	0.10727
106	T	giovanellaeMJ8706	0.09816	0.09654	0.09644	0.09643	0.09832	0.09993	0.09824	0.09993	0.12265	0.10552
107	T	giovalellaeAH11641	0.09827	0.09665	0.09655	0.09654	0.09844	0.10005	0.09836	0.10005	0.12279	0.10566
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.08091	0.07907	0.07910	0.07919	0.08083	0.08247	0.08079	0.08247	0.10983	0.07717
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.08091	0.07907	0.07910	0.07919	0.08083	0.08247	0.08079	0.08247	0.10983	0.07717
110	T	beccarianumFiny2	0.08436	0.08250	0.08254	0.08264	0.08426	0.08590	0.08422	0.08590	0.11325	0.08060
111	T	sp.19Molia140115-2	0.08535	0.08526	0.08363	0.08372	0.08364	0.08526	0.08357	0.08526	0.12028	0.08739
112	T	niveumMJ7692	0.09375	0.09209	0.09201	0.09200	0.09390	0.09548	0.09381	0.09548	0.12286	0.09526
113	T	niveumMJ7699	0.09375	0.09209	0.09201	0.09200	0.09390	0.09548	0.09381	0.09548	0.12286	0.09526
114	T	calcareumBrelISO133	0.12477	0.12484	0.12301	0.12308	0.12661	0.12827	0.12653	0.12827	0.15050	0.11800
115	T	calcareumMJ7141	0.12477	0.12484	0.12301	0.12308	0.12661	0.12827	0.12653	0.12827	0.15050	0.11800
116	T	calcareumMJ2010	0.12477	0.12484	0.12301	0.12308	0.12661	0.12827	0.12653	0.12827	0.15050	0.11800
117	T	calcareumMJ8065	0.12477	0.12484	0.12301	0.12308	0.12661	0.12827	0.12653	0.12827	0.15050	0.11800
118	T	calcareumMJ6375	0.12477	0.12484	0.12301	0.12308	0.12661	0.12827	0.12653	0.12827	0.15050	0.11800
119	T	calcareumMJ6965	0.12477	0.12484	0.12301	0.12308	0.12661	0.12827	0.12653	0.12827	0.15050	0.11800
120	T	calcareumMJ6438	0.12819	0.12826	0.12643	0.12651	0.13004	0.13170	0.12995	0.13170	0.15395	0.12144
121	T	calcareumFiny4	0.12477	0.12484	0.12301	0.12308	0.12661	0.12827	0.12653	0.12827	0.15050	0.11800
122	T	subsquamosumMJ6002	0.13033	0.13036	0.12854	0.12864	0.13214	0.13376	0.13203	0.13376	0.15793	0.12695
123	T	subsquamosumMJ9336	0.12869	0.12871	0.12690	0.12700	0.13050	0.13211	0.13039	0.13211	0.15628	0.12534
124	T	subsquamosumMJ4945	0.12864	0.12867	0.12685	0.12695	0.13046	0.13207	0.13034	0.13207	0.15620	0.12526
125	T	subsquamosumAH19024	0.12864	0.12867	0.12685	0.12695	0.13046	0.13207	0.13034	0.13207	0.15620	0.12526
126	T	subsquamosumMJ6563	0.12864	0.12867	0.12685	0.12695	0.13046	0.13207	0.13034	0.13207	0.15620	0.12526
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.13032	0.13033	0.12852	0.12861	0.13213	0.13375	0.13202	0.13375	0.15789	0.12698
128	T	squamosumEL260-06	0.12323	0.12329	0.12147	0.12155	0.12504	0.12669	0.12495	0.12669	0.14226	0.11987
129	T	squamosumMrazek1300	0.12323	0.12329	0.12147	0.12155	0.12504	0.12669	0.12495	0.12669	0.14226	0.11987
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.12300	0.12307	0.12125	0.12134	0.12476	0.12643	0.12470	0.12643	0.15024	0.11947
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.12300	0.12307	0.12125	0.12134	0.12476	0.12643	0.12470	0.12643	0.15024	0.11947
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.12194	0.12197	0.12016	0.12025	0.12374	0.12537	0.12366	0.12537	0.13920	0.11838
133	T	melanocyclusMJ6036	0.12194	0.12197	0.12016	0.12025	0.12374	0.12537	0.12366	0.12537	0.13920	0.11838

134	T melanocyclusMJ9596	0.12363	0.12366	0.12186	0.12194	0.12543	0.12706	0.12535	0.12706	0.14091	0.12008
135	T melanocyclusM011215	0.12363	0.12365	0.12185	0.12194	0.12543	0.12706	0.12535	0.12706	0.14092	0.11674
136	T melanocyclusBohlin050529	0.12357	0.12360	0.12180	0.12188	0.12538	0.12700	0.12529	0.12700	0.14084	0.12001
137	T melanocyclusSAH08-247	0.12363	0.12365	0.12185	0.12194	0.12543	0.12706	0.12535	0.12706	0.14092	0.11674
138	T melanocyclusMJ8815	0.12194	0.12197	0.12016	0.12025	0.12374	0.12537	0.12366	0.12537	0.13920	0.11838
139	T melanocyclusMJ090418	0.12194	0.12197	0.12016	0.12025	0.12374	0.12537	0.12366	0.12537	0.13920	0.11838
140	T domingueziaeHQ667593	0.13012	0.13016	0.12836	0.12845	0.13187	0.13350	0.13179	0.13350	0.15250	0.12828
141	T domingueziaeHQ667593HQ667590	0.13012	0.13016	0.12836	0.12845	0.13187	0.13350	0.13179	0.13350	0.15250	0.12828
142	T rufumLectotype1908USA	0.11652	0.11655	0.11477	0.11483	0.11827	0.11992	0.11820	0.11992	0.14560	0.11811

Uncorrected ("p") distance matrix (continued)

	91	92	93	94	95	96	97	98	99	100
91	T brumaleMJ4597	-								
92	T brumaleMJ7532	0.00000	-							
93	T brumaleFiny9	0.00000	0.00000	-						
94	T brumaleBruzek1131229	0.00000	0.00000	0.00000	-					
95	T brumaleBruzek140112	0.00000	0.00164	0.00164	0.00164	-				
96	T brumaleO58849	0.00000	0.00000	0.00000	0.00000	0.00164	-			
97	T brumaleMJ5785	0.00164	0.00164	0.00164	0.00164	0.00329	0.00164	-		
98	T brumaleMJ6427	0.00164	0.00164	0.00164	0.00164	0.00329	0.00164	0.00329	-	
99	T sp.17AH13674	0.08622	0.08609	0.08622	0.08609	0.08776	0.08609	0.08776	0.08776	-
100	T sp.18MJ9046	0.08207	0.08197	0.08207	0.08197	0.08369	0.08197	0.08369	0.08023	0.07696
101	T sp.20MJ5015	0.11333	0.11496	0.11515	0.11496	0.11322	0.11496	0.11673	0.11322	0.10448
102	T eckbladii TRH9565	0.11774	0.11755	0.11774	0.11755	0.11930	0.11755	0.11930	0.11581	0.10198
103	T eckbladiiO58850	0.11774	0.11755	0.11774	0.11755	0.11930	0.11755	0.11930	0.11581	0.10198
104	T giovanellaeMJ9059	0.10917	0.10897	0.10732	0.10897	0.11072	0.10897	0.11072	0.10723	0.09299
105	T caespitosum acaule	0.10746	0.10727	0.10561	0.10727	0.10901	0.10727	0.10901	0.10552	0.09127
106	T giovanellaeMJ8706	0.10570	0.10552	0.10386	0.10552	0.10726	0.10552	0.10726	0.10377	0.09129
107	T giovalellaeAH11641	0.10584	0.10566	0.10400	0.10566	0.10741	0.10566	0.10741	0.10391	0.09120
108	T beccarianumBruzek140115-1	0.07725	0.07717	0.07725	0.07717	0.07889	0.07717	0.07889	0.07544	0.08062
109	T beccarianumBruzek140115-2	0.07725	0.07717	0.07725	0.07717	0.07889	0.07717	0.07889	0.07544	0.08062
110	T beccarianumFiny2	0.08068	0.08060	0.08068	0.08060	0.08232	0.08060	0.08232	0.07887	0.08066
111	T sp.19Molia140115-2	0.08580	0.08739	0.08746	0.08739	0.08570	0.08739	0.08906	0.08570	0.09102
112	T niveumMJ7692	0.09539	0.09526	0.09362	0.09526	0.09701	0.09526	0.09701	0.09353	0.10735
113	T niveumMJ7699	0.09539	0.09526	0.09362	0.09526	0.09701	0.09526	0.09701	0.09353	0.10735
114	T calcareumBrelisO133	0.11817	0.11800	0.11817	0.11800	0.11969	0.11800	0.11634	0.11634	0.12332
115	T calcareumMJ7141	0.11817	0.11800	0.11817	0.11800	0.11969	0.11800	0.11634	0.11634	0.12332
116	T calcareumMJ2010	0.11817	0.11800	0.11817	0.11800	0.11969	0.11800	0.11634	0.11634	0.12332
117	T calcareumMJ8065	0.11817	0.11800	0.11817	0.11800	0.11969	0.11800	0.11634	0.11634	0.12332

118	T	calcareumMJ6375	0.11817	0.11800	0.11817	0.11800	0.11969	0.11800	0.11634	0.11634	0.12332	0.11001
119	T	calcareumMJ6965	0.11817	0.11800	0.11817	0.11800	0.11969	0.11800	0.11634	0.11634	0.12332	0.11001
120	T	calcareumMJ6438	0.12162	0.12144	0.12162	0.12144	0.12313	0.12144	0.11979	0.11979	0.12668	0.11357
121	T	calcareumFiny4	0.11817	0.11800	0.11817	0.11800	0.11969	0.11800	0.11634	0.11634	0.12332	0.11001
122	T	subsquamosumMJ6002	0.12715	0.12695	0.12715	0.12695	0.12864	0.12695	0.12864	0.12528	0.14632	0.12562
123	T	subsquamosumMJ9336	0.12553	0.12534	0.12553	0.12534	0.12702	0.12534	0.12702	0.12367	0.14469	0.12390
124	T	subsquamosumMJ4945	0.12546	0.12526	0.12546	0.12526	0.12695	0.12526	0.12695	0.12360	0.14465	0.12382
125	T	subsquamosumAH19024	0.12546	0.12526	0.12546	0.12526	0.12695	0.12526	0.12695	0.12360	0.14465	0.12382
126	T	subsquamosumMJ6563	0.12546	0.12526	0.12546	0.12526	0.12695	0.12526	0.12695	0.12360	0.14465	0.12382
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.12717	0.12698	0.12717	0.12698	0.12868	0.12698	0.12868	0.12532	0.14465	0.12554
128	T	squamosumEL260-06	0.12006	0.11987	0.12006	0.11987	0.12155	0.11987	0.12155	0.11821	0.13325	0.10497
129	T	squamosumMrazek1300	0.12006	0.11987	0.12006	0.11987	0.12155	0.11987	0.12155	0.11821	0.13325	0.10497
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.11961	0.11947	0.11961	0.11947	0.12111	0.11947	0.12111	0.11779	0.13132	0.10984
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.11961	0.11947	0.11961	0.11947	0.12111	0.11947	0.12111	0.11779	0.13132	0.10984
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.11857	0.11838	0.11857	0.11838	0.12008	0.11838	0.12008	0.11672	0.13518	0.10363
133	T	melanocyclusMJ6036	0.11857	0.11838	0.11857	0.11838	0.12008	0.11838	0.12008	0.11672	0.13518	0.10363
134	T	melanocyclusMJ9596	0.12028	0.12008	0.12028	0.12008	0.12178	0.12008	0.12178	0.11842	0.13686	0.10541
135	T	melanocyclusM011215	0.11693	0.11674	0.11693	0.11674	0.11844	0.11674	0.11844	0.11508	0.13686	0.10543
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.12021	0.12001	0.12021	0.12001	0.12172	0.12001	0.12172	0.11836	0.13682	0.10532
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.11693	0.11674	0.11693	0.11674	0.11844	0.11674	0.11844	0.11508	0.13686	0.10543
138	T	melanocyclusMJ8815	0.11857	0.11838	0.11857	0.11838	0.12008	0.11838	0.12008	0.11672	0.13518	0.10363
139	T	melanocyclusMJ090418	0.11857	0.11838	0.11857	0.11838	0.12008	0.11838	0.12008	0.11672	0.13518	0.10363
140	T	domingueziaeHQ667593	0.12852	0.12828	0.12852	0.12828	0.12994	0.12828	0.12994	0.12660	0.13459	0.11733
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.12852	0.12828	0.12852	0.12828	0.12994	0.12828	0.12994	0.12660	0.13459	0.11733
142	T	rufumLectotype1908USA	0.11830	0.11811	0.11830	0.11811	0.11979	0.11811	0.11979	0.11643	0.11856	0.10847

Uncorrected ("p") distance matrix (continued)

		101	102	103	104	105	106	107	108	109	110	
101	T	sp.20MJ5015	-									
102	T	eckbladii TRH9565	0.07325	-								
103	T	eckbladiiO58850	0.07325	0.00000	-							
104	T	giovanellaeMJ9059	0.07125	0.04489	0.04489	-						
105	T	caespitosum acaule	0.06953	0.04317	0.04317	0.00172	-					
106	T	giovanellaeMJ8706	0.06779	0.04492	0.04492	0.00344	0.00172	-				
107	T	giovalellaeAH11641	0.06789	0.04322	0.04322	0.00172	0.00000	0.00000	-			
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.09768	0.10737	0.10737	0.09689	0.09517	0.09343	0.09361	-		
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.09768	0.10737	0.10737	0.09689	0.09517	0.09343	0.09361	0.00000	-	
110	T	beccarianumFiny2	0.09770	0.10920	0.10920	0.09688	0.09516	0.09342	0.09360	0.00341	0.00341	-
111	T	sp.19Molia140115-2	0.08892	0.10597	0.10597	0.09188	0.09019	0.08847	0.08862	0.06541	0.06541	0.06548

112	T	niveumMJ7692	0.07526	0.07849	0.07849	0.07840	0.07664	0.07491	0.07500	0.09239	0.09239	0.09583
113	T	niveumMJ7699	0.07526	0.07849	0.07849	0.07840	0.07664	0.07491	0.07500	0.09239	0.09239	0.09583
114	T	calcareumBreliso133	0.12586	0.11453	0.11453	0.11976	0.11804	0.11982	0.11820	0.10809	0.10809	0.11164
115	T	calcareumMJ7141	0.12586	0.11453	0.11453	0.11976	0.11804	0.11982	0.11820	0.10809	0.10809	0.11164
116	T	calcareumMJ2010	0.12586	0.11453	0.11453	0.11976	0.11804	0.11982	0.11820	0.10809	0.10809	0.11164
117	T	calcareumMJ8065	0.12586	0.11453	0.11453	0.11976	0.11804	0.11982	0.11820	0.10809	0.10809	0.11164
118	T	calcareumMJ6375	0.12586	0.11453	0.11453	0.11976	0.11804	0.11982	0.11820	0.10809	0.10809	0.11164
119	T	calcareumMJ6965	0.12586	0.11453	0.11453	0.11976	0.11804	0.11982	0.11820	0.10809	0.10809	0.11164
120	T	calcareumMJ6438	0.12945	0.11810	0.11810	0.12330	0.12158	0.12336	0.12174	0.11165	0.11165	0.11519
121	T	calcareumFiny4	0.12586	0.11453	0.11453	0.11976	0.11804	0.11982	0.11820	0.10809	0.10809	0.11164
122	T	subsquamosumMJ6002	0.13644	0.13197	0.13197	0.13012	0.12839	0.12669	0.12683	0.12190	0.12190	0.12541
123	T	subsquamosumMJ9336	0.13627	0.12830	0.12830	0.12993	0.12821	0.12651	0.12667	0.12364	0.12364	0.12716
124	T	subsquamosumMJ4945	0.13641	0.12850	0.12850	0.13010	0.12836	0.12666	0.12681	0.12183	0.12183	0.12534
125	T	subsquamosumAH19024	0.13641	0.12850	0.12850	0.13010	0.12836	0.12666	0.12681	0.12183	0.12183	0.12534
126	T	subsquamosumMJ6563	0.13641	0.12850	0.12850	0.13010	0.12836	0.12666	0.12681	0.12183	0.12183	0.12534
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.13815	0.13020	0.13020	0.13176	0.13002	0.12833	0.12849	0.12361	0.12361	0.12714
128	T	squamosumEL260-06	0.12621	0.12020	0.12020	0.11303	0.11130	0.10959	0.10971	0.10992	0.10992	0.11344
129	T	squamosumMrazek1300	0.12621	0.12020	0.12020	0.11303	0.11130	0.10959	0.10971	0.10992	0.10992	0.11344
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.11864	0.11265	0.11265	0.11433	0.11260	0.11088	0.11104	0.11128	0.11128	0.11477
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.11864	0.11265	0.11265	0.11433	0.11260	0.11088	0.11104	0.11128	0.11128	0.11477
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.11252	0.11518	0.11518	0.11156	0.10983	0.11163	0.10999	0.10537	0.10537	0.10893
133	T	melanocyclusMJ6036	0.11252	0.11518	0.11518	0.11156	0.10983	0.11163	0.10999	0.10537	0.10537	0.10893
134	T	melanocyclusMJ9596	0.11078	0.11697	0.11697	0.11336	0.11163	0.11343	0.11180	0.10714	0.10714	0.11069
135	T	melanocyclusM011215	0.11431	0.11697	0.11697	0.11333	0.11160	0.11340	0.11176	0.10715	0.10715	0.11070
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.11426	0.11690	0.11690	0.11328	0.11155	0.11336	0.11171	0.10707	0.10707	0.11063
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.11431	0.11697	0.11697	0.11333	0.11160	0.11340	0.11176	0.10715	0.10715	0.11070
138	T	melanocyclusMJ8815	0.11252	0.11518	0.11518	0.11156	0.10983	0.11163	0.10999	0.10537	0.10537	0.10893
139	T	melanocyclusMJ090418	0.11252	0.11518	0.11518	0.11156	0.10983	0.11163	0.10999	0.10537	0.10537	0.10893
140	T	domingueziaeHQ667593	0.12988	0.12191	0.12191	0.12192	0.12016	0.11843	0.11859	0.11697	0.11697	0.11700
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.12988	0.12191	0.12191	0.12192	0.12016	0.11843	0.11859	0.11697	0.11697	0.11700
142	T	rufumLectotype1908USA	0.11893	0.11101	0.11101	0.11297	0.11123	0.10951	0.10967	0.10999	0.10999	0.11005

Uncorrected ("p") distance matrix (continued)

111	T	sp.19Molia140115-2		111	112	113	114	115	116	117	118	119	120
112	T	niveumMJ7692	0.09941	-									
113	T	niveumMJ7699	0.09941	0.00000	-								
114	T	calcareumBreliso133	0.11961	0.11701	0.11701	-							
115	T	calcareumMJ7141	0.11961	0.11701	0.11701	0.00000	-						

130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.04367	0.05621	0.05622	0.05621	0.05621	0.05621	0.05621	0.05932	0.05762	0.05762	-
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.04367	0.05621	0.05622	0.05621	0.05621	0.05621	0.05621	0.05932	0.05762	0.05762	0.00000
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.05005	0.05326	0.05485	0.05172	0.05172	0.05172	0.05172	0.05486	0.04527	0.04527	0.05165
133	T	melanocyclusMJ6036	0.05005	0.05326	0.05485	0.05172	0.05172	0.05172	0.05172	0.05486	0.04527	0.04527	0.05165
134	T	melanocyclusMJ9596	0.05162	0.05484	0.05643	0.05331	0.05331	0.05331	0.05331	0.05645	0.04684	0.04684	0.05323
135	T	melanocyclusM011215	0.05162	0.05326	0.05485	0.05172	0.05172	0.05172	0.05172	0.05486	0.04683	0.04683	0.05322
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.05161	0.05482	0.05641	0.05328	0.05328	0.05328	0.05328	0.05642	0.04682	0.04682	0.05320
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.05162	0.05326	0.05485	0.05172	0.05172	0.05172	0.05172	0.05486	0.04683	0.04683	0.05322
138	T	melanocyclusMJ8815	0.05005	0.05326	0.05485	0.05172	0.05172	0.05172	0.05172	0.05486	0.04527	0.04527	0.05165
139	T	melanocyclusMJ090418	0.05005	0.05326	0.05485	0.05172	0.05172	0.05172	0.05172	0.05486	0.04527	0.04527	0.05165
140	T	domingueziaeHQ667593	0.06404	0.06247	0.06402	0.06088	0.06088	0.06088	0.06088	0.06399	0.05936	0.05936	0.06848
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.06404	0.06247	0.06402	0.06088	0.06088	0.06088	0.06088	0.06399	0.05936	0.05936	0.06848
142	T	rufumLectotype1908USA	0.06319	0.06160	0.06319	0.06003	0.06003	0.06003	0.06003	0.06164	0.05997	0.05997	0.06923

Uncorrected ("p") distance matrix (continued)

		131	132	133	134	135	136	137	138	139	140
131	T sp. HQ667596 HQ667599	-									
132	T melanocyclusKnudsen00.314	0.05165	-								
133	T melanocyclusMJ6036	0.05165	0.00000	-							
134	T melanocyclusMJ9596	0.05323	0.00156	0.00156	-						
135	T melanocyclusM011215	0.05322	0.00156	0.00156	0.00312	-					
136	T melanocyclusBohlin050529	0.05320	0.00156	0.00156	0.00312	0.00312	-				
137	T melanocyclusSAH08-247	0.05322	0.00156	0.00156	0.00312	0.00000	0.00312	-			
138	T melanocyclusMJ8815	0.05165	0.00000	0.00000	0.00156	0.00156	0.00156	0.00156	-		
139	T melanocyclusMJ090418	0.05165	0.00000	0.00000	0.00156	0.00156	0.00156	0.00156	0.00000	-	
140	T domingueziaeHQ667593	0.06848	0.05639	0.05639	0.05798	0.05795	0.05794	0.05795	0.05639	0.05639	-
141	T domingueziaeHQ667593HQ667590	0.06848	0.05639	0.05639	0.05798	0.05795	0.05794	0.05795	0.05639	0.05639	0.00000
142	T rufumLectotype1908USA	0.06923	0.05549	0.05549	0.05709	0.05708	0.05708	0.05708	0.05549	0.05549	0.02679

Uncorrected ("p") distance matrix (continued)

		141	142
141	T domingueziaeHQ667593HQ66759	-	
142	T rufumLectotype1908USA	0.02679	-

2. Distance matrix of the ITS alignment (GTR distance).

paup> DSet distance=GTR;

General time-reversible distance matrix
711 characters are included

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
1 T punctatumMJ7472	-									
2 T punctatumMJ10058	0.00000	-								
3 T pulchellumFritz2010-1	0.13130	0.13130	-							
4 T pulchellumAH12967	0.12461	0.12461	0.00477	-						
5 T striatumFritz2010-2	0.12682	0.12682	0.03609	0.03785	-					
6 T striatumAH15543	0.12911	0.12911	0.04289	0.04464	0.01128	-				
7 T fimbriatumMJ8773	0.08867	0.08867	0.13137	0.12515	0.12556	0.12972	-			
8 T fimbriatumMånsson991010	0.09693	0.09693	0.14750	0.14123	0.13270	0.13686	0.05223	-		
9 T fimbriatumMJ7332	0.09702	0.09702	0.14963	0.14332	0.13478	0.13895	0.05395	0.00157	-	
10 T fimbriatumMJ060330Bl	0.09702	0.09702	0.14963	0.14332	0.13478	0.13895	0.05395	0.00157	0.00000	-
11 T fimbriatumMJ7025	0.09702	0.09702	0.14963	0.14332	0.13478	0.13895	0.05395	0.00157	0.00000	0.00000
12 T fimbriatumMJ7926	0.09702	0.09702	0.14963	0.14332	0.13478	0.13895	0.05395	0.00157	0.00000	0.00000
13 T fimbriatumFiny8	0.09702	0.09702	0.14963	0.14332	0.13478	0.13895	0.05395	0.00157	0.00000	0.00000
14 T fimbriatumMJ7372	0.09702	0.09702	0.14963	0.14332	0.13478	0.13895	0.05395	0.00157	0.00000	0.00000
15 T fimbriatumNJ7351	0.09702	0.09702	0.14963	0.14332	0.13478	0.13895	0.05395	0.00157	0.00000	0.00000
16 T fimbriatumKnudsen00190	0.09685	0.09685	0.14943	0.14312	0.13454	0.13877	0.05380	0.00314	0.00156	0.00156
17 T fimbriatumKnudsen0171	0.09682	0.09682	0.14969	0.14336	0.13659	0.13665	0.05374	0.02230	0.02067	0.02067
18 T sp.4Finy12	0.09071	0.09071	0.14495	0.13894	0.14039	0.14250	0.10786	0.14471	0.14270	0.14270
19 T winterhoffiATLAS SOJ15	0.09509	0.09509	0.14220	0.14020	0.13094	0.13924	0.05381	0.04551	0.04384	0.04384
20 T winterhoffiZFM74 2	0.09509	0.09509	0.14220	0.14020	0.13094	0.13924	0.05381	0.04551	0.04384	0.04384
21 T winterhoffiMJ7761	0.09509	0.09509	0.14220	0.14020	0.13094	0.13924	0.05381	0.04551	0.04384	0.04384
22 T winterhoffiMJ2379	0.09509	0.09509	0.14220	0.14020	0.13094	0.13924	0.05381	0.04551	0.04384	0.04384
23 T sp.3MJ4935	0.09354	0.09354	0.14029	0.13405	0.12543	0.13367	0.04711	0.04404	0.04234	0.04234
24 T sp.1MJ7762	0.09571	0.09571	0.20014	0.19366	0.18337	0.18079	0.13479	0.15294	0.15491	0.15491
25 T sp.2MJ8710	0.07781	0.07781	0.16478	0.15836	0.16189	0.15936	0.10694	0.11387	0.11573	0.11573
26 T sp.2MJ8701	0.07585	0.07585	0.16257	0.15619	0.15970	0.15721	0.10884	0.11572	0.11759	0.11759
27 T cyclophorum Lowen99	0.08602	0.08602	0.18446	0.17790	0.17144	0.16513	0.13098	0.14399	0.14604	0.14604
28 T cyclophorumAH16885	0.08405	0.08405	0.18226	0.17574	0.16929	0.16301	0.12891	0.14191	0.14395	0.14395
29 T cyclophorumAH19564	0.08801	0.08801	0.18432	0.17779	0.17135	0.16502	0.13299	0.14592	0.14798	0.14798
30 T cyclophorumMJ8862	0.08605	0.08605	0.18438	0.17784	0.17139	0.16511	0.13088	0.14389	0.14593	0.14593
31 T obesumMJ8695	0.09780	0.09780	0.17516	0.16875	0.16213	0.16036	0.13151	0.14249	0.14458	0.14458

32	T	obesumMJ8707	0.09780	0.09780	0.17516	0.16875	0.16213	0.16036	0.13151	0.14249	0.14458	0.14458
33	T	obesumAH20901	0.09780	0.09780	0.17516	0.16875	0.16213	0.16036	0.13151	0.14249	0.14458	0.14458
34	T	lloydiiAH31155	0.11531	0.11531	0.16331	0.16132	0.16445	0.16507	0.12977	0.15157	0.14958	0.14958
35	T	lloydii Lahti201210	0.11531	0.11531	0.16331	0.16132	0.16445	0.16507	0.12977	0.15157	0.14958	0.14958
36	T	fulvellumKabat970428	0.14010	0.14010	0.19051	0.18387	0.17975	0.17995	0.12511	0.14925	0.14729	0.14729
37	T	grandisporumMJ6633	0.10364	0.10364	0.16228	0.16033	0.15949	0.16178	0.12585	0.12758	0.12568	0.12568
38	T	grandisporumMJ8907	0.10371	0.10371	0.16725	0.16527	0.16443	0.16237	0.12680	0.12794	0.12600	0.12600
39	T	grandisporumMJ8793	0.10378	0.10378	0.16236	0.16040	0.15957	0.16189	0.12210	0.12202	0.12012	0.12012
40	T	grandisporumFinyl0	0.10374	0.10374	0.16528	0.16332	0.16245	0.16260	0.12492	0.12613	0.12420	0.12420
41	T	grandisporumBruzek131208	0.10371	0.10371	0.16725	0.16527	0.16443	0.16237	0.12680	0.12794	0.12600	0.12600
42	T	sp.16Knudsen99-337	0.14737	0.14737	0.17776	0.18421	0.17805	0.16944	0.13353	0.16280	0.16268	0.16268
43	T	pseudopulchellumAH11603	0.13373	0.13373	0.18101	0.17460	0.19211	0.19199	0.13853	0.14108	0.13917	0.13917
44	T	pseudopulchellumAH11605	0.13373	0.13373	0.18101	0.17460	0.19211	0.19199	0.13853	0.14108	0.13917	0.13917
45	T	pannicumMJ990617a	0.13620	0.13620	0.17115	0.16485	0.17783	0.18454	0.14109	0.14512	0.14314	0.14314
46	T	pannicumMJ8715	0.13866	0.13866	0.17340	0.16707	0.18009	0.18684	0.14128	0.14729	0.14531	0.14531
47	T	pannicumMJ7764	0.13620	0.13620	0.17115	0.16485	0.17783	0.18454	0.14109	0.14512	0.14314	0.14314
48	T	pannicumMJ7803	0.13846	0.13846	0.17339	0.16705	0.18013	0.18689	0.13911	0.14715	0.14515	0.14515
49	T	submembranaceumAH15132	0.13656	0.13656	0.21717	0.21006	0.21211	0.21960	0.17111	0.17007	0.16787	0.16787
50	T	sp.15MJ9295	0.15081	0.15081	0.18275	0.17836	0.18247	0.18488	0.15085	0.14527	0.14724	0.14724
51	T	sp.15MJ9296	0.15081	0.15081	0.18280	0.17840	0.18255	0.18495	0.15094	0.14531	0.14728	0.14728
52	T	sp.15MJ660617b	0.14493	0.14493	0.18092	0.17648	0.18065	0.18305	0.14179	0.13803	0.14000	0.14000
53	T	sp.10MJ3813	0.08986	0.08986	0.15556	0.14913	0.15080	0.15266	0.10956	0.11916	0.11721	0.11721
54	T	sp.10MJ6198	0.10096	0.10096	0.14985	0.14350	0.14699	0.15333	0.12043	0.12764	0.12563	0.12563
55	T	sp.11MJ881114	0.09842	0.09842	0.15638	0.15008	0.16177	0.15997	0.13147	0.13927	0.13724	0.13724
56	T	sp.12AH15040	0.09248	0.09248	0.15439	0.14810	0.15571	0.15391	0.12384	0.13343	0.13141	0.13141
57	T	sp.13Long11161	0.09851	0.09851	0.15742	0.15112	0.16036	0.16272	0.12681	0.14231	0.14024	0.14024
58	T	sp.9MJ3787	0.10274	0.10274	0.15267	0.14635	0.14858	0.14621	0.11058	0.12356	0.12557	0.12557
59	T	sp.9MJ4966	0.10262	0.10262	0.15022	0.14395	0.14618	0.14386	0.10854	0.12148	0.12347	0.12347
60	T	sp.9MJ4976	0.10245	0.10245	0.15435	0.14803	0.15026	0.14790	0.11230	0.12517	0.12718	0.12718
61	T	sp.7Finyl	0.10003	0.10003	0.14981	0.14341	0.15022	0.14799	0.11354	0.12537	0.12733	0.12733
62	T	sp.8MJ3830	0.10851	0.10851	0.12337	0.12150	0.12289	0.12494	0.10540	0.10860	0.10852	0.10852
63	T	sp.8MJ6081	0.11511	0.11511	0.12303	0.12577	0.12259	0.12468	0.10969	0.11291	0.11285	0.11285
64	T	sp.8MJ7795	0.10851	0.10851	0.12337	0.12150	0.12289	0.12494	0.10540	0.10860	0.10852	0.10852
65	T	kotlabaeBoertmann79074	0.11022	0.11022	0.13926	0.13734	0.13185	0.13386	0.12056	0.11724	0.11722	0.11722
66	T	kotlabaeMJ5597	0.10182	0.10182	0.13126	0.12939	0.12596	0.12791	0.11471	0.11137	0.11134	0.11134
67	T	kotlabaeMJ9585	0.10185	0.10185	0.13333	0.13144	0.12591	0.12789	0.11469	0.11133	0.11130	0.11130
68	T	kotlabaeMJ7187	0.10178	0.10178	0.13320	0.13132	0.12581	0.12777	0.11458	0.11122	0.11119	0.11119
69	T	kotlabaePavel140118	0.10377	0.10377	0.13526	0.13336	0.12783	0.12982	0.11666	0.11331	0.11328	0.11328
70	T	aff. cretaceumKnudsen01.79	0.12756	0.12756	0.17380	0.16740	0.16955	0.16943	0.13426	0.15188	0.14985	0.14985
71	T	aff. cretaceumMJ3821	0.12114	0.12114	0.16120	0.15497	0.15909	0.15901	0.13239	0.14799	0.14599	0.14599

72	T	aff. cretaceum	MJ6194	0.12693	0.12693	0.17571	0.16936	0.17146	0.17127	0.13604	0.15159	0.14960	0.14960
73	T	aff. cretaceum	AH3995	0.12906	0.12906	0.17357	0.17165	0.16931	0.16908	0.13805	0.15369	0.15169	0.15169
74	T	aff. cretaceum	MJ9304	0.12474	0.12474	0.17349	0.16717	0.16924	0.16904	0.13802	0.15360	0.15160	0.15160
75	T	sp.5MJ	10060	0.10296	0.10296	0.20371	0.19676	0.19094	0.19179	0.14326	0.14591	0.14379	0.14379
76	T	sp.5Bruzek	131207	0.10296	0.10296	0.20371	0.19676	0.19094	0.19179	0.14326	0.14591	0.14379	0.14379
77	T	simulans	Bruzek131201	0.13320	0.13320	0.15998	0.15343	0.15113	0.15765	0.13223	0.14259	0.14259	0.14259
78	T	simulans	Bruzek140214	0.13320	0.13320	0.15998	0.15343	0.15113	0.15765	0.13223	0.14259	0.14259	0.14259
79	T	simulans	MJ040221	0.12872	0.12872	0.15555	0.14904	0.15108	0.15765	0.13226	0.14261	0.14263	0.14263
80	T	simulans	AH15633	0.13110	0.13110	0.15546	0.14896	0.14896	0.15549	0.13012	0.13823	0.13822	0.13822
81	T	simulans	MJ9064	0.13310	0.13310	0.15746	0.15094	0.15093	0.15746	0.13206	0.14013	0.14014	0.14014
82	T	simulans	Knudsen01.70m	0.13099	0.13099	0.15529	0.14881	0.15090	0.15748	0.13211	0.14249	0.14250	0.14250
83	T	simulans	MJ7865	0.13102	0.13102	0.15348	0.14698	0.14888	0.15542	0.13008	0.13844	0.13844	0.13844
84	T	simulans	Mrzek1313	0.13110	0.13110	0.15546	0.14896	0.14896	0.15549	0.13012	0.13823	0.13822	0.13822
85	T	simulans	MJ3871	0.12678	0.12678	0.15762	0.15110	0.15315	0.15975	0.13431	0.14469	0.14472	0.14472
86	T	simulans	MJ3844	0.12665	0.12665	0.15963	0.15309	0.15516	0.16177	0.13630	0.14669	0.14671	0.14671
87	T	simulans	AH4902	0.12871	0.12871	0.15755	0.15103	0.15307	0.15966	0.13424	0.14461	0.14463	0.14463
88	T	simulans	MJ5497	0.12665	0.12665	0.15963	0.15309	0.15516	0.16177	0.13630	0.14669	0.14671	0.14671
89	T	aff.excentricum	Long9369	0.14716	0.14716	0.19169	0.18488	0.18894	0.19598	0.16925	0.17206	0.17207	0.17207
90	T	brumale	MJ8372	0.12274	0.12274	0.15108	0.14459	0.14116	0.14756	0.13183	0.13574	0.13576	0.13576
91	T	brumale	MJ4597	0.12296	0.12296	0.15137	0.14488	0.14141	0.14785	0.13206	0.13596	0.13598	0.13598
92	T	brumale	MJ7532	0.12274	0.12274	0.15108	0.14459	0.14116	0.14756	0.13183	0.13574	0.13576	0.13576
93	T	brumale	Finy9	0.12074	0.12074	0.14904	0.14256	0.13914	0.14550	0.12992	0.13380	0.13382	0.13382
94	T	brumale	Bruzek1131229	0.12274	0.12274	0.15108	0.14459	0.14116	0.14756	0.13183	0.13574	0.13576	0.13576
95	T	brumale	Bruzek140112	0.12502	0.12502	0.15337	0.14684	0.14341	0.14983	0.13400	0.13789	0.13792	0.13792
96	T	brumale	O58849	0.12274	0.12274	0.15108	0.14459	0.14116	0.14756	0.13183	0.13574	0.13576	0.13576
97	T	brumale	MJ5785	0.12054	0.12054	0.15337	0.14684	0.14341	0.14983	0.13400	0.13789	0.13792	0.13792
98	T	brumale	MJ6427	0.12054	0.12054	0.14884	0.14239	0.13894	0.14530	0.12977	0.13365	0.13368	0.13368
99	T	sp.17AH	13674	0.10820	0.10820	0.17655	0.16970	0.16717	0.17381	0.13778	0.13387	0.13393	0.13393
100	T	sp.18MJ	9046	0.11028	0.11028	0.13817	0.13173	0.14206	0.14441	0.12085	0.13426	0.13429	0.13429
101	T	sp.20MJ	5015	0.13076	0.13076	0.15682	0.14980	0.15857	0.16555	0.13488	0.14685	0.14684	0.14684
102	T	eckbladii	TRH9565	0.11604	0.11604	0.14271	0.14068	0.13807	0.14472	0.13481	0.13830	0.13828	0.13828
103	T	eckbladii	O58850	0.11604	0.11604	0.14271	0.14068	0.13807	0.14472	0.13481	0.13830	0.13828	0.13828
104	T	giovanellae	MJ9059	0.10954	0.10954	0.14020	0.13366	0.14179	0.14424	0.11769	0.12304	0.12297	0.12297
105	T	caespitosum	acaule	0.10747	0.10747	0.13809	0.13156	0.13968	0.14212	0.11565	0.12095	0.12088	0.12088
106	T	giovanellae	MJ8706	0.10959	0.10959	0.13585	0.12936	0.13747	0.13986	0.11562	0.12098	0.12091	0.12091
107	T	giovalellae	AH11641	0.10757	0.10757	0.13607	0.12956	0.13768	0.14008	0.11563	0.12097	0.12090	0.12090
108	T	beccarianum	Bruzek140115-1	0.12152	0.12152	0.15206	0.14534	0.15348	0.15578	0.12100	0.12563	0.12575	0.12575
109	T	beccarianum	Bruzek140115-2	0.12152	0.12152	0.15206	0.14534	0.15348	0.15578	0.12100	0.12563	0.12575	0.12575
110	T	beccarianum	Finy2	0.12138	0.12138	0.15188	0.14518	0.15337	0.15566	0.12117	0.12577	0.12591	0.12591
111	T	sp.19Molia	140115-2	0.11789	0.11789	0.14699	0.14044	0.14633	0.15068	0.15068	0.15675	0.15686	0.15686

112	T	niveumMJ7692	0.12088	0.12088	0.14339	0.14134	0.14304	0.14524	0.11613	0.12108	0.12104	0.12104
113	T	niveumMJ7699	0.12088	0.12088	0.14339	0.14134	0.14304	0.14524	0.11613	0.12108	0.12104	0.12104
114	T	calcareumBrelisO133	0.10443	0.10443	0.17403	0.17196	0.16947	0.17211	0.12673	0.13439	0.13239	0.13239
115	T	calcareumMJ7141	0.10443	0.10443	0.17403	0.17196	0.16947	0.17211	0.12673	0.13439	0.13239	0.13239
116	T	calcareumMJ2010	0.10443	0.10443	0.17403	0.17196	0.16947	0.17211	0.12673	0.13439	0.13239	0.13239
117	T	calcareumMJ8065	0.10443	0.10443	0.17403	0.17196	0.16947	0.17211	0.12673	0.13439	0.13239	0.13239
118	T	calcareumMJ6375	0.10443	0.10443	0.17403	0.17196	0.16947	0.17211	0.12673	0.13439	0.13239	0.13239
119	T	calcareumMJ6965	0.10443	0.10443	0.17403	0.17196	0.16947	0.17211	0.12673	0.13439	0.13239	0.13239
120	T	calcareumMJ6438	0.10844	0.10844	0.17798	0.17589	0.17346	0.17614	0.13054	0.13810	0.13609	0.13609
121	T	calcareumFiny4	0.10443	0.10443	0.17403	0.17196	0.16947	0.17211	0.12673	0.13439	0.13239	0.13239
122	T	subsquamosumMJ6002	0.12249	0.12249	0.18090	0.17443	0.17639	0.18102	0.13271	0.14610	0.14409	0.14409
123	T	subsquamosumMJ9336	0.12683	0.12683	0.17889	0.17685	0.17438	0.17901	0.13516	0.14824	0.14620	0.14620
124	T	subsquamosumMJ4945	0.12685	0.12685	0.17896	0.17691	0.17437	0.17899	0.13693	0.14826	0.14622	0.14622
125	T	subsquamosumAH19024	0.12685	0.12685	0.17896	0.17691	0.17437	0.17899	0.13693	0.14826	0.14622	0.14622
126	T	subsquamosumMJ6563	0.12685	0.12685	0.17896	0.17691	0.17437	0.17899	0.13693	0.14826	0.14622	0.14622
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.12914	0.12914	0.18128	0.17920	0.17667	0.18135	0.14123	0.15239	0.15033	0.15033
128	T	squamosumEL260-06	0.12074	0.12074	0.17244	0.16600	0.17207	0.17889	0.13442	0.14978	0.14770	0.14770
129	T	squamosumMrazek1300	0.12074	0.12074	0.17244	0.16600	0.17207	0.17889	0.13442	0.14978	0.14770	0.14770
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.10318	0.10318	0.16760	0.16337	0.16524	0.17177	0.12667	0.13222	0.13027	0.13027
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.10318	0.10318	0.16760	0.16337	0.16524	0.17177	0.12667	0.13222	0.13027	0.13027
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.10070	0.10070	0.17321	0.16670	0.16698	0.17376	0.12650	0.13994	0.13790	0.13790
133	T	melanocyclusMJ6036	0.10070	0.10070	0.17321	0.16670	0.16698	0.17376	0.12650	0.13994	0.13790	0.13790
134	T	melanocyclusMJ9596	0.10288	0.10288	0.17547	0.16892	0.16926	0.17608	0.12856	0.14200	0.13994	0.13994
135	T	melanocyclusM011215	0.10276	0.10276	0.17326	0.16672	0.16704	0.17384	0.12843	0.14188	0.13984	0.13984
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.10268	0.10268	0.17308	0.16659	0.16682	0.17354	0.12848	0.14186	0.13981	0.13981
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.10276	0.10276	0.17326	0.16672	0.16704	0.17384	0.12843	0.14188	0.13984	0.13984
138	T	melanocyclusMJ8815	0.10070	0.10070	0.17321	0.16670	0.16698	0.17376	0.12650	0.13994	0.13790	0.13790
139	T	melanocyclusMJ090418	0.10070	0.10070	0.17321	0.16670	0.16698	0.17376	0.12650	0.13994	0.13790	0.13790
140	T	domingueziaeHQ667593	0.10821	0.10821	0.16459	0.16266	0.15587	0.16006	0.12709	0.13051	0.13251	0.13251
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.10821	0.10821	0.16459	0.16266	0.15587	0.16006	0.12709	0.13051	0.13251	0.13251
142	T	rufumLectotype1908USA	0.10410	0.10410	0.15047	0.14854	0.14208	0.15066	0.12532	0.13611	0.13810	0.13810

General time-reversible distance matrix (continued)

			11	12	13	14	15	16	17	18	19	20
11	T	fimbriatumMJ7025	-									
12	T	fimbriatumMJ7926	0.00000	-								
13	T	fimbriatumFiny8	0.00000	0.00000	-							
14	T	fimbriatumMJ7372	0.00000	0.00000	0.00000	-						
15	T	fimbriatumNJ7351	0.00000	0.00000	0.00000	0.00000	-					

56	T	sp.12AH15040	0.13141	0.13141	0.13141	0.13141	0.13141	0.13123	0.13154	0.13546	0.13159	0.13159
57	T	sp.13Long11161	0.14024	0.14024	0.14024	0.14024	0.14024	0.13999	0.13798	0.12479	0.13621	0.13621
58	T	sp.9MJ3787	0.12557	0.12557	0.12557	0.12557	0.12557	0.12533	0.13150	0.15224	0.12114	0.12114
59	T	sp.9MJ4966	0.12347	0.12347	0.12347	0.12347	0.12347	0.12323	0.12935	0.14987	0.11908	0.11908
60	T	sp.9MJ4976	0.12718	0.12718	0.12718	0.12718	0.12718	0.12695	0.13311	0.15402	0.12275	0.12275
61	T	sp.7Finyl	0.12733	0.12733	0.12733	0.12733	0.12733	0.12710	0.12901	0.13248	0.12941	0.12941
62	T	sp.8MJ3830	0.10852	0.10852	0.10852	0.10852	0.10852	0.10837	0.11512	0.13121	0.11433	0.11433
63	T	sp.8MJ6081	0.11285	0.11285	0.11285	0.11285	0.11285	0.11272	0.11946	0.13552	0.11446	0.11446
64	T	sp.8MJ7795	0.10852	0.10852	0.10852	0.10852	0.10852	0.10837	0.11512	0.13121	0.11433	0.11433
65	T	kotlabaeBoertmann79074	0.11722	0.11722	0.11722	0.11722	0.11722	0.11713	0.12406	0.12739	0.11511	0.11511
66	T	kotlabaeMJ5597	0.11134	0.11134	0.11134	0.11134	0.11134	0.11127	0.11808	0.12336	0.10914	0.10914
67	T	kotlabaeMJ9585	0.11130	0.11130	0.11130	0.11130	0.11130	0.11124	0.11806	0.12330	0.10914	0.10914
68	T	kotlabaeMJ7187	0.11119	0.11119	0.11119	0.11119	0.11119	0.11113	0.11792	0.12316	0.10902	0.10902
69	T	kotlabaePavel140118	0.11328	0.11328	0.11328	0.11328	0.11328	0.11322	0.12001	0.12525	0.11108	0.11108
70	T	aff. cretaceumKnudsen01.79	0.14985	0.14985	0.14985	0.14985	0.14985	0.15150	0.15970	0.16257	0.14980	0.14980
71	T	aff. cretaceumMJ3821	0.14599	0.14599	0.14599	0.14599	0.14599	0.14761	0.15580	0.15867	0.14590	0.14590
72	T	aff. cretaceumMJ6194	0.14960	0.14960	0.14960	0.14960	0.14960	0.15121	0.15938	0.16233	0.14763	0.14763
73	T	aff. cretaceumAH3995	0.15169	0.15169	0.15169	0.15169	0.15169	0.15329	0.16149	0.16441	0.14573	0.14573
74	T	aff. cretaceumMJ9304	0.15160	0.15160	0.15160	0.15160	0.15160	0.15321	0.16140	0.16025	0.14962	0.14962
75	T	sp.5MJ10060	0.14379	0.14379	0.14379	0.14379	0.14379	0.14364	0.15004	0.17983	0.14222	0.14222
76	T	sp.5Bruzek131207	0.14379	0.14379	0.14379	0.14379	0.14379	0.14364	0.15004	0.17983	0.14222	0.14222
77	T	simulansBruzek131201	0.14259	0.14259	0.14259	0.14259	0.14259	0.14238	0.13621	0.13095	0.13469	0.13469
78	T	simulansBruzek140214	0.14259	0.14259	0.14259	0.14259	0.14259	0.14238	0.13621	0.13095	0.13469	0.13469
79	T	simulansMJ040221	0.14263	0.14263	0.14263	0.14263	0.14263	0.14246	0.13625	0.13523	0.13702	0.13702
80	T	simulansAH15633	0.13822	0.13822	0.13822	0.13822	0.13822	0.13804	0.13196	0.13089	0.13257	0.13257
81	T	simulansMJ9064	0.14014	0.14014	0.14014	0.14014	0.14014	0.13997	0.13385	0.13287	0.13450	0.13450
82	T	simulansKnudsen01.70m	0.14250	0.14250	0.14250	0.14250	0.14250	0.14232	0.13614	0.13512	0.13681	0.13681
83	T	simulansMJ7865	0.13844	0.13844	0.13844	0.13844	0.13844	0.13827	0.13216	0.13107	0.13276	0.13276
84	T	simulansMrzek1313	0.13822	0.13822	0.13822	0.13822	0.13822	0.13804	0.13196	0.13089	0.13257	0.13257
85	T	simulansMJ3871	0.14472	0.14472	0.14472	0.14472	0.14472	0.14454	0.13830	0.13726	0.13905	0.13905
86	T	simulansMJ3844	0.14671	0.14671	0.14671	0.14671	0.14671	0.14653	0.14025	0.13924	0.14100	0.14100
87	T	simulansMJ4902	0.14463	0.14463	0.14463	0.14463	0.14463	0.14445	0.13821	0.13717	0.13897	0.13897
88	T	simulansMJ5497	0.14671	0.14671	0.14671	0.14671	0.14671	0.14653	0.14025	0.13924	0.14100	0.14100
89	T	aff.excentricumLong9369	0.17207	0.17207	0.17207	0.17207	0.17207	0.17194	0.16760	0.16852	0.16802	0.16802
90	T	brumaleMJ8372	0.13576	0.13576	0.13576	0.13576	0.13576	0.13555	0.13140	0.13294	0.13167	0.13167
91	T	brumaleMJ4597	0.13598	0.13598	0.13598	0.13598	0.13598	0.13579	0.13161	0.13313	0.13187	0.13187
92	T	brumaleMJ7532	0.13576	0.13576	0.13576	0.13576	0.13576	0.13555	0.13140	0.13294	0.13167	0.13167
93	T	brumaleFinyl9	0.13382	0.13382	0.13382	0.13382	0.13382	0.13361	0.12946	0.13105	0.12977	0.12977
94	T	brumaleBruzek1131229	0.13576	0.13576	0.13576	0.13576	0.13576	0.13555	0.13140	0.13294	0.13167	0.13167
95	T	brumaleBruzek140112	0.13792	0.13792	0.13792	0.13792	0.13792	0.13772	0.13350	0.13511	0.13384	0.13384

96	T	brumaleO58849	0.13576	0.13576	0.13576	0.13576	0.13576	0.13555	0.13140	0.13294	0.13167	0.13167
97	T	brumaleMJ5785	0.13792	0.13792	0.13792	0.13792	0.13792	0.13772	0.13350	0.13511	0.13384	0.13384
98	T	brumaleMJ6427	0.13368	0.13368	0.13368	0.13368	0.13368	0.13347	0.12934	0.13090	0.12961	0.12961
99	T	sp.17AH13674	0.13393	0.13393	0.13393	0.13393	0.13393	0.13558	0.13161	0.14509	0.13216	0.13216
100	T	sp.18MJ9046	0.13429	0.13429	0.13429	0.13429	0.13429	0.13413	0.12781	0.10656	0.11966	0.11966
101	T	sp.20MJ5015	0.14684	0.14684	0.14684	0.14684	0.14684	0.14659	0.13765	0.12860	0.13546	0.13546
102	T	eckbladii TRH9565	0.13828	0.13828	0.13828	0.13828	0.13828	0.13800	0.13374	0.12672	0.12999	0.12999
103	T	eckbladiiO58850	0.13828	0.13828	0.13828	0.13828	0.13828	0.13800	0.13374	0.12672	0.12999	0.12999
104	T	giovanellaeMJ9059	0.12297	0.12297	0.12297	0.12297	0.12297	0.12273	0.11661	0.11169	0.11638	0.11638
105	T	caespitosum acaule	0.12088	0.12088	0.12088	0.12088	0.12088	0.12065	0.11456	0.10972	0.11429	0.11429
106	T	giovanellaeMJ8706	0.12091	0.12091	0.12091	0.12091	0.12091	0.12067	0.11460	0.10968	0.11419	0.11419
107	T	giovalellaeAH11641	0.12090	0.12090	0.12090	0.12090	0.12090	0.12066	0.11458	0.10970	0.11423	0.11423
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.12575	0.12575	0.12575	0.12575	0.12575	0.12554	0.11931	0.11095	0.11346	0.11346
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.12575	0.12575	0.12575	0.12575	0.12575	0.12554	0.11931	0.11095	0.11346	0.11346
110	T	beccarianumFiny2	0.12591	0.12591	0.12591	0.12591	0.12591	0.12571	0.11945	0.11101	0.10939	0.10939
111	T	sp.19Molia140115-2	0.15686	0.15686	0.15686	0.15686	0.15686	0.15668	0.15230	0.13763	0.13381	0.13381
112	T	niveumMJ7692	0.12104	0.12104	0.12104	0.12104	0.12104	0.12088	0.12100	0.11644	0.12754	0.12754
113	T	niveumMJ7699	0.12104	0.12104	0.12104	0.12104	0.12104	0.12088	0.12100	0.11644	0.12754	0.12754
114	T	calcareumBreliso133	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13206	0.13197	0.14668	0.12847	0.12847
115	T	calcareumMJ7141	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13206	0.13197	0.14668	0.12847	0.12847
116	T	calcareumMJ2010	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13206	0.13197	0.14668	0.12847	0.12847
117	T	calcareumMJ8065	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13206	0.13197	0.14668	0.12847	0.12847
118	T	calcareumMJ6375	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13206	0.13197	0.14668	0.12847	0.12847
119	T	calcareumMJ6965	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13206	0.13197	0.14668	0.12847	0.12847
120	T	calcareumMJ6438	0.13609	0.13609	0.13609	0.13609	0.13609	0.13577	0.13570	0.15047	0.13217	0.13217
121	T	calcareumFiny4	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13239	0.13206	0.13197	0.14668	0.12847	0.12847
122	T	subsquamosumMJ6002	0.14409	0.14409	0.14409	0.14409	0.14409	0.14372	0.13777	0.15390	0.14589	0.14589
123	T	subsquamosumMJ9336	0.14620	0.14620	0.14620	0.14620	0.14620	0.14584	0.13992	0.15607	0.14405	0.14405
124	T	subsquamosumMJ4945	0.14622	0.14622	0.14622	0.14622	0.14622	0.14584	0.14191	0.15801	0.14606	0.14606
125	T	subsquamosumAH19024	0.14622	0.14622	0.14622	0.14622	0.14622	0.14584	0.14191	0.15801	0.14606	0.14606
126	T	subsquamosumMJ6563	0.14622	0.14622	0.14622	0.14622	0.14622	0.14584	0.14191	0.15801	0.14606	0.14606
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.15033	0.15033	0.15033	0.15033	0.15033	0.14994	0.14600	0.16011	0.15023	0.15023
128	T	squamosumEL260-06	0.14770	0.14770	0.14770	0.14770	0.14770	0.14737	0.14146	0.14559	0.14378	0.14378
129	T	squamosumMrazek1300	0.14770	0.14770	0.14770	0.14770	0.14770	0.14737	0.14146	0.14559	0.14378	0.14378
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.13027	0.13027	0.13027	0.13027	0.13027	0.12992	0.12218	0.15184	0.12844	0.12844
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.13027	0.13027	0.13027	0.13027	0.13027	0.12992	0.12218	0.15184	0.12844	0.12844
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.13790	0.13790	0.13790	0.13790	0.13790	0.13757	0.13379	0.14610	0.13224	0.13224
133	T	melanocyclusMJ6036	0.13790	0.13790	0.13790	0.13790	0.13790	0.13757	0.13379	0.14610	0.13224	0.13224
134	T	melanocyclusMJ9596	0.13994	0.13994	0.13994	0.13994	0.13994	0.13961	0.13582	0.14810	0.13427	0.13427
135	T	melanocyclusM011215	0.13984	0.13984	0.13984	0.13984	0.13984	0.13952	0.13576	0.14613	0.13417	0.13417

136	T melanocyclusBohlin050529	0.13981	0.13981	0.13981	0.13981	0.13981	0.13948	0.13573	0.14802	0.13415	0.13415
137	T melanocyclusSAH08-247	0.13984	0.13984	0.13984	0.13984	0.13984	0.13952	0.13576	0.14613	0.13417	0.13417
138	T melanocyclusMJ8815	0.13790	0.13790	0.13790	0.13790	0.13790	0.13757	0.13379	0.14610	0.13224	0.13224
139	T melanocyclusMJ090418	0.13790	0.13790	0.13790	0.13790	0.13790	0.13757	0.13379	0.14610	0.13224	0.13224
140	T domingueziaeHQ667593	0.13251	0.13251	0.13251	0.13251	0.13251	0.13222	0.13042	0.15796	0.12912	0.12912
141	T domingueziaeHQ667593HQ667590	0.13251	0.13251	0.13251	0.13251	0.13251	0.13222	0.13042	0.15796	0.12912	0.12912
142	T rufumLectotype1908USA	0.13810	0.13810	0.13810	0.13810	0.13810	0.13777	0.13593	0.14682	0.13629	0.13629

General time-reversible distance matrix (continued)

	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	
21	T winterhoffiMJ7761	-									
22	T winterhoffiMJ2379	0.00000	-								
23	T sp.3MJ4935	0.03909	0.03909	-							
24	T sp.1MJ7762	0.14877	0.14877	0.14183	-						
25	T sp.2MJ8710	0.11798	0.11798	0.11042	0.07441	-					
26	T sp.2MJ8701	0.11600	0.11600	0.10847	0.07619	0.00157	-				
27	T cyclophorum Lowen99	0.13695	0.13695	0.13308	0.11693	0.11315	0.11123	-			
28	T cyclophorumAH16885	0.13483	0.13483	0.13099	0.11506	0.11125	0.10934	0.00158	-		
29	T cyclophorumAH19564	0.13888	0.13888	0.13501	0.11885	0.11502	0.11309	0.00158	0.00316	-	
30	T cyclophorumMJ8862	0.13672	0.13672	0.13290	0.11692	0.11308	0.11117	0.00316	0.00158	0.00475	-
31	T obesumMJ8695	0.13649	0.13649	0.13879	0.13069	0.12949	0.12748	0.11765	0.11566	0.11754	0.11752
32	T obesumMJ8707	0.13649	0.13649	0.13879	0.13069	0.12949	0.12748	0.11765	0.11566	0.11754	0.11752
33	T obesumAH20901	0.13649	0.13649	0.13879	0.13069	0.12949	0.12748	0.11765	0.11566	0.11754	0.11752
34	T lloydiiAH31155	0.14570	0.14570	0.14039	0.17278	0.13516	0.13721	0.16555	0.16777	0.16759	0.16981
35	T lloydii Lahti201210	0.14570	0.14570	0.14039	0.17278	0.13516	0.13721	0.16555	0.16777	0.16759	0.16981
36	T fulvellumKabat970428	0.13516	0.13516	0.13794	0.17034	0.14013	0.13812	0.16917	0.16697	0.17112	0.16904
37	T grandisporumMJ6633	0.12781	0.12781	0.12434	0.16971	0.13500	0.13301	0.14790	0.14993	0.14600	0.14796
38	T grandisporumMJ8907	0.12835	0.12835	0.12277	0.16596	0.13150	0.12953	0.14814	0.15019	0.14623	0.15214
39	T grandisporumMJ8793	0.12409	0.12409	0.11871	0.16570	0.13316	0.13118	0.14789	0.14993	0.14600	0.15189
40	T grandisporumFiny10	0.12649	0.12649	0.12099	0.16611	0.13166	0.12968	0.14830	0.15036	0.14639	0.15230
41	T grandisporumBruzek131208	0.12835	0.12835	0.12277	0.16596	0.13150	0.12953	0.14814	0.15019	0.14623	0.15214
42	T sp.16Knudsen99-337	0.15074	0.15074	0.15122	0.18575	0.16059	0.15854	0.17598	0.17590	0.17797	0.17800
43	T pseudopulchellumAH11603	0.14498	0.14498	0.14988	0.15831	0.13488	0.13679	0.17954	0.17746	0.18152	0.17967
44	T pseudopulchellumAH11605	0.14498	0.14498	0.14988	0.15831	0.13488	0.13679	0.17954	0.17746	0.18152	0.17967
45	T pannonicumMJ990617a	0.14727	0.14727	0.13597	0.15045	0.13671	0.13469	0.17138	0.17353	0.17333	0.17147
46	T pannonicumMJ8715	0.14742	0.14742	0.13615	0.15055	0.13883	0.13679	0.17376	0.17591	0.17571	0.17383
47	T pannonicumMJ7764	0.14727	0.14727	0.13597	0.15045	0.13671	0.13469	0.17138	0.17353	0.17333	0.17147
48	T pannonicumMJ7803	0.14525	0.14525	0.13403	0.15250	0.13876	0.13672	0.17353	0.17570	0.17549	0.17364
49	T submembranaceumAH15132	0.17655	0.17655	0.17440	0.20245	0.15862	0.16082	0.19234	0.19007	0.19443	0.19213

50	T	sp.15MJ9295	0.16164	0.16164	0.15811	0.19801	0.15445	0.15653	0.17766	0.17981	0.17965	0.18189
51	T	sp.15MJ9296	0.16170	0.16170	0.15820	0.19813	0.15454	0.15663	0.17774	0.17988	0.17973	0.18197
52	T	sp.15MJ660617b	0.15253	0.15253	0.15311	0.18920	0.15325	0.15535	0.17499	0.17714	0.17705	0.17929
53	T	sp.10MJ3813	0.12703	0.12703	0.12370	0.13792	0.11234	0.11424	0.14717	0.14513	0.14909	0.14715
54	T	sp.10MJ6198	0.13010	0.13010	0.13261	0.15231	0.12255	0.12454	0.16494	0.16277	0.16697	0.16481
55	T	sp.11MJ881114	0.13740	0.13740	0.13410	0.15820	0.12984	0.12782	0.16442	0.16229	0.16640	0.16439
56	T	sp.12AH15040	0.13159	0.13159	0.12827	0.15235	0.12413	0.12214	0.15830	0.15620	0.16028	0.15826
57	T	sp.13Long11161	0.13621	0.13621	0.13296	0.16080	0.13466	0.13266	0.14650	0.14443	0.14839	0.14638
58	T	sp.9MJ3787	0.12114	0.12114	0.12628	0.13998	0.12555	0.12354	0.13927	0.13723	0.14119	0.13920
59	T	sp.9MJ4966	0.11908	0.11908	0.12416	0.13995	0.12341	0.12142	0.13733	0.13530	0.13923	0.13727
60	T	sp.9MJ4976	0.12275	0.12275	0.12789	0.13976	0.12717	0.12516	0.13913	0.13710	0.14106	0.13908
61	T	sp.7Finyl	0.12941	0.12941	0.13179	0.15869	0.13208	0.13008	0.14579	0.14381	0.14771	0.14588
62	T	sp.8MJ3830	0.11433	0.11433	0.11374	0.11635	0.10542	0.10748	0.11398	0.11185	0.11601	0.11395
63	T	sp.8MJ6081	0.11446	0.11446	0.11823	0.12274	0.11171	0.11380	0.12041	0.11825	0.12246	0.12036
64	T	sp.8MJ7795	0.11433	0.11433	0.11374	0.11635	0.10542	0.10748	0.11398	0.11185	0.11601	0.11395
65	T	kotlabaeBertmann79074	0.11511	0.11511	0.11890	0.11465	0.10581	0.10364	0.13082	0.12863	0.13291	0.13075
66	T	kotlabaeMJ5597	0.10914	0.10914	0.11292	0.10856	0.09990	0.09773	0.12452	0.12233	0.12660	0.12441
67	T	kotlabaeMJ9585	0.10914	0.10914	0.11292	0.10851	0.09983	0.09766	0.12453	0.12234	0.12661	0.12443
68	T	kotlabaeMJ7187	0.10902	0.10902	0.11279	0.10842	0.09975	0.09758	0.12436	0.12218	0.12644	0.12426
69	T	kotlabaePavel140118	0.11108	0.11108	0.11487	0.11041	0.10172	0.09955	0.12650	0.12432	0.12859	0.12642
70	T	aff. cretaceumKnudsen01.79	0.14980	0.14980	0.15034	0.16045	0.16272	0.16072	0.16639	0.16438	0.16841	0.16658
71	T	aff. cretaceumMJ3821	0.14590	0.14590	0.14247	0.15870	0.15473	0.15276	0.16030	0.15830	0.16230	0.16046
72	T	aff. cretaceumMJ6194	0.14763	0.14763	0.15224	0.15863	0.16278	0.16077	0.16805	0.16602	0.17005	0.16818
73	T	aff. cretaceumAH3995	0.14573	0.14573	0.15431	0.15861	0.16489	0.16287	0.16809	0.16606	0.17009	0.16822
74	T	aff. cretaceumMJ9304	0.14962	0.14962	0.15422	0.16059	0.16480	0.16278	0.17011	0.16807	0.17212	0.17023
75	T	sp.5MJ10060	0.14222	0.14222	0.14089	0.18647	0.14130	0.13916	0.15231	0.15452	0.15426	0.15648
76	T	sp.5Bruzek131207	0.14222	0.14222	0.14089	0.18647	0.14130	0.13916	0.15231	0.15452	0.15426	0.15648
77	T	simulansBruzek131201	0.13469	0.13469	0.13948	0.15474	0.13127	0.13338	0.16392	0.16618	0.16605	0.16836
78	T	simulansBruzek140214	0.13469	0.13469	0.13948	0.15474	0.13127	0.13338	0.16392	0.16618	0.16605	0.16836
79	T	simulansMJ040221	0.13702	0.13702	0.14175	0.15480	0.12925	0.13135	0.16404	0.16631	0.16616	0.16849
80	T	simulansAH15633	0.13257	0.13257	0.13735	0.15261	0.12921	0.13131	0.16181	0.16407	0.16394	0.16624
81	T	simulansMJ9064	0.13450	0.13450	0.13927	0.15455	0.13113	0.13324	0.16380	0.16606	0.16593	0.16824
82	T	simulansKnudsen01.70m	0.13681	0.13681	0.14163	0.15471	0.12918	0.13126	0.16403	0.16628	0.16614	0.16847
83	T	simulansMJ7865	0.13276	0.13276	0.13758	0.15248	0.12732	0.12941	0.16166	0.16392	0.16378	0.16609
84	T	simulansMrzek1313	0.13257	0.13257	0.13735	0.15261	0.12921	0.13131	0.16181	0.16407	0.16394	0.16624
85	T	simulansMJ3871	0.13905	0.13905	0.14380	0.15685	0.13122	0.13332	0.16619	0.16847	0.16831	0.17066
86	T	simulansMJ3844	0.14100	0.14100	0.14579	0.15881	0.13318	0.13528	0.16825	0.17053	0.17038	0.17273
87	T	simulansMJ4902	0.13897	0.13897	0.14370	0.15675	0.13114	0.13324	0.16603	0.16831	0.16815	0.17049
88	T	simulansMJ5497	0.14100	0.14100	0.14579	0.15881	0.13318	0.13528	0.16825	0.17053	0.17038	0.17273
89	T	aff.excentricumLong9369	0.16802	0.16802	0.16679	0.18854	0.16873	0.17094	0.18563	0.18336	0.18548	0.18562

90	T	brumaleMJ8372	0.13167	0.13167	0.13240	0.14589	0.13047	0.13253	0.16238	0.16011	0.16456	0.16221
91	T	brumaleMJ4597	0.13187	0.13187	0.13263	0.14608	0.13066	0.13272	0.16275	0.16046	0.16494	0.16256
92	T	brumaleMJ7532	0.13167	0.13167	0.13240	0.14589	0.13047	0.13253	0.16238	0.16011	0.16456	0.16221
93	T	brumaleFiny9	0.12977	0.12977	0.13045	0.14397	0.12856	0.13062	0.16030	0.15804	0.16247	0.16014
94	T	brumaleBruzek1131229	0.13167	0.13167	0.13240	0.14589	0.13047	0.13253	0.16238	0.16011	0.16456	0.16221
95	T	brumaleBruzek140112	0.13384	0.13384	0.13454	0.14797	0.13255	0.13463	0.16472	0.16243	0.16691	0.16453
96	T	brumaleO58849	0.13167	0.13167	0.13240	0.14589	0.13047	0.13253	0.16238	0.16011	0.16456	0.16221
97	T	brumaleMJ5785	0.13384	0.13384	0.13454	0.14383	0.12843	0.13048	0.16010	0.15784	0.16227	0.15995
98	T	brumaleMJ6427	0.12961	0.12961	0.13033	0.14383	0.12843	0.13048	0.16010	0.15784	0.16227	0.15995
99	T	sp.17AH13674	0.13216	0.13216	0.14117	0.15496	0.13023	0.12816	0.18207	0.17984	0.18421	0.18208
100	T	sp.18MJ9046	0.11966	0.11966	0.12680	0.11946	0.10427	0.10221	0.13659	0.13442	0.13869	0.13657
101	T	sp.20MJ5015	0.13546	0.13546	0.12771	0.12095	0.11572	0.11356	0.14426	0.14667	0.14647	0.14879
102	T	eckbladii TRH9565	0.12999	0.12999	0.13056	0.11120	0.10811	0.10815	0.13336	0.13558	0.13547	0.13770
103	T	eckbladiiO58850	0.12999	0.12999	0.13056	0.11120	0.10811	0.10815	0.13336	0.13558	0.13547	0.13770
104	T	giovanellaeMJ9059	0.11638	0.11638	0.11099	0.10482	0.09973	0.09772	0.11010	0.11215	0.11210	0.11427
105	T	caespitosum acaule	0.11429	0.11429	0.10892	0.10274	0.09766	0.09565	0.10798	0.11003	0.10997	0.11213
106	T	giovanellaeMJ8706	0.11419	0.11419	0.10895	0.10282	0.09967	0.09765	0.11003	0.11211	0.11204	0.11420
107	T	giovalellaeAH11641	0.11423	0.11423	0.10894	0.10255	0.09775	0.09572	0.10813	0.11019	0.11012	0.11228
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.11346	0.11346	0.12896	0.12399	0.10451	0.10658	0.14699	0.14474	0.14915	0.14689
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.11346	0.11346	0.12896	0.12399	0.10451	0.10658	0.14699	0.14474	0.14915	0.14689
110	T	beccarianumFiny2	0.10939	0.10939	0.12472	0.12403	0.10454	0.10248	0.14254	0.14032	0.14469	0.14244
111	T	sp.19Molia140115-2	0.13381	0.13381	0.14507	0.16372	0.13596	0.13386	0.17369	0.17144	0.17587	0.16924
112	T	niveumMJ7692	0.12754	0.12754	0.11768	0.10566	0.10882	0.11092	0.13018	0.13242	0.13237	0.13452
113	T	niveumMJ7699	0.12754	0.12754	0.11768	0.10566	0.10882	0.11092	0.13018	0.13242	0.13237	0.13452
114	T	calcareumBrelISO133	0.12847	0.12847	0.14108	0.15827	0.12910	0.13113	0.15368	0.15155	0.15561	0.15356
115	T	calcareumMJ7141	0.12847	0.12847	0.14108	0.15827	0.12910	0.13113	0.15368	0.15155	0.15561	0.15356
116	T	calcareumMJ2010	0.12847	0.12847	0.14108	0.15827	0.12910	0.13113	0.15368	0.15155	0.15561	0.15356
117	T	calcareumMJ8065	0.12847	0.12847	0.14108	0.15827	0.12910	0.13113	0.15368	0.15155	0.15561	0.15356
118	T	calcareumMJ6375	0.12847	0.12847	0.14108	0.15827	0.12910	0.13113	0.15368	0.15155	0.15561	0.15356
119	T	calcareumMJ6965	0.12847	0.12847	0.14108	0.15827	0.12910	0.13113	0.15368	0.15155	0.15561	0.15356
120	T	calcareumMJ6438	0.13217	0.13217	0.14484	0.16207	0.13282	0.13486	0.15748	0.15535	0.15944	0.15737
121	T	calcareumFiny4	0.12847	0.12847	0.14108	0.15827	0.12910	0.13113	0.15368	0.15155	0.15561	0.15356
122	T	subsquamosumMJ6002	0.14589	0.14589	0.14496	0.17757	0.14647	0.14858	0.15461	0.15249	0.15654	0.15444
123	T	subsquamosumMJ9336	0.14405	0.14405	0.14730	0.17743	0.14457	0.14668	0.15884	0.15669	0.16079	0.15864
124	T	subsquamosumMJ4945	0.14606	0.14606	0.14930	0.17770	0.14644	0.14854	0.15901	0.15686	0.16096	0.15882
125	T	subsquamosumAH19024	0.14606	0.14606	0.14930	0.17770	0.14644	0.14854	0.15901	0.15686	0.16096	0.15882
126	T	subsquamosumMJ6563	0.14606	0.14606	0.14930	0.17770	0.14644	0.14854	0.15901	0.15686	0.16096	0.15882
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.15023	0.15023	0.15357	0.18196	0.15064	0.15277	0.16336	0.16118	0.16533	0.16314
128	T	squamosumEL260-06	0.14378	0.14378	0.14055	0.16697	0.14198	0.14406	0.15079	0.14868	0.15277	0.15064
129	T	squamosumMrazek1300	0.14378	0.14378	0.14055	0.16697	0.14198	0.14406	0.15079	0.14868	0.15277	0.15064

130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.12844	0.12844	0.13110	0.16054	0.12931	0.13131	0.15006	0.15008	0.15202	0.15206
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.12844	0.12844	0.13110	0.16054	0.12931	0.13131	0.15006	0.15008	0.15202	0.15206
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.13224	0.13224	0.13886	0.16432	0.13641	0.13845	0.14350	0.14146	0.14547	0.14344
133	T	melanocyclusMJ6036	0.13224	0.13224	0.13886	0.16432	0.13641	0.13845	0.14350	0.14146	0.14547	0.14344
134	T	melanocyclusMJ9596	0.13427	0.13427	0.14093	0.16639	0.13844	0.14050	0.14562	0.14356	0.14759	0.14554
135	T	melanocyclusM011215	0.13417	0.13417	0.14081	0.16632	0.13837	0.14042	0.14343	0.14138	0.14540	0.14335
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.13415	0.13415	0.14079	0.16627	0.13832	0.14037	0.14540	0.14335	0.14738	0.14533
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.13417	0.13417	0.14081	0.16632	0.13837	0.14042	0.14343	0.14138	0.14540	0.14335
138	T	melanocyclusMJ8815	0.13224	0.13224	0.13886	0.16432	0.13641	0.13845	0.14350	0.14146	0.14547	0.14344
139	T	melanocyclusMJ090418	0.13224	0.13224	0.13886	0.16432	0.13641	0.13845	0.14350	0.14146	0.14547	0.14344
140	T	domingueziaeHQ667593	0.12912	0.12912	0.13997	0.17183	0.13876	0.13667	0.14867	0.15070	0.15059	0.15273
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.12912	0.12912	0.13997	0.17183	0.13876	0.13667	0.14867	0.15070	0.15059	0.15273
142	T	rufumLectotype1908USA	0.13629	0.13629	0.14095	0.16819	0.13826	0.13621	0.14468	0.14672	0.14666	0.14879

General time-reversible distance matrix (continued)

		31	32	33	34	35	36	37	38	39	40	
31	T	obesumMJ8695	-									
32	T	obesumMJ8707	0.00000	-								
33	T	obesumAH20901	0.00000	0.00000	-							
34	T	lloydiiAH31155	0.16887	0.16887	0.16887	-						
35	T	lloydii Lahti201210	0.16887	0.16887	0.16887	0.00000	-					
36	T	fulvellumKabat970428	0.17029	0.17029	0.17029	0.14364	0.14364	-				
37	T	grandisporumMJ6633	0.14655	0.14655	0.14655	0.13247	0.13247	0.14599	-			
38	T	grandisporumMJ8907	0.14889	0.14889	0.14889	0.13460	0.13460	0.14641	0.00923	-		
39	T	grandisporumMJ8793	0.14673	0.14673	0.14673	0.13242	0.13242	0.14202	0.00461	0.00461	-	
40	T	grandisporumFinyl0	0.14911	0.14911	0.14911	0.13276	0.13276	0.14453	0.00770	0.00000	0.00308	-
41	T	grandisporumBruzek131208	0.14889	0.14889	0.14889	0.13460	0.13460	0.14641	0.00923	0.00000	0.00461	0.00000
42	T	sp.16Knudsen99-337	0.19895	0.19895	0.19895	0.15609	0.15609	0.19006	0.16150	0.16170	0.16148	0.16187
43	T	pseudopulchellumAH11603	0.18580	0.18580	0.18580	0.15848	0.15848	0.15723	0.15959	0.16143	0.15536	0.15963
44	T	pseudopulchellumAH11605	0.18580	0.18580	0.18580	0.15848	0.15848	0.15723	0.15959	0.16143	0.15536	0.15963
45	T	pannicumMJ990617a	0.17670	0.17670	0.17670	0.14346	0.14346	0.15783	0.13318	0.13697	0.13307	0.13520
46	T	pannicumMJ8715	0.17679	0.17679	0.17679	0.14359	0.14359	0.15598	0.13534	0.13912	0.13522	0.13734
47	T	pannicumMJ7764	0.17670	0.17670	0.17670	0.14346	0.14346	0.15783	0.13318	0.13697	0.13307	0.13520
48	T	pannicumMJ7803	0.17450	0.17450	0.17450	0.14146	0.14146	0.15584	0.13505	0.13889	0.13495	0.13711
49	T	submembranaceumAH15132	0.20212	0.20212	0.20212	0.20242	0.20242	0.21687	0.18646	0.18705	0.18653	0.18515
50	T	sp.15MJ9295	0.19731	0.19731	0.19731	0.16994	0.16994	0.18314	0.16711	0.16938	0.16303	0.16752
51	T	sp.15MJ9296	0.19736	0.19736	0.19736	0.17009	0.17009	0.18326	0.16720	0.16946	0.16312	0.16761
52	T	sp.15MJ660617b	0.18817	0.18817	0.18817	0.16295	0.16295	0.17621	0.16200	0.16420	0.15786	0.16234
53	T	sp.10MJ3813	0.15723	0.15723	0.15723	0.13772	0.13772	0.13414	0.11352	0.11347	0.10965	0.11173

54	T	sp.10MJ6198	0.16890	0.16890	0.16890	0.14674	0.14674	0.13702	0.12610	0.12609	0.12213	0.12431
55	T	sp.11MJ881114	0.17488	0.17488	0.17488	0.15226	0.15226	0.13615	0.12556	0.12560	0.12162	0.12379
56	T	sp.12AH15040	0.16884	0.16884	0.16884	0.14665	0.14665	0.13234	0.11988	0.11995	0.11602	0.11815
57	T	sp.13Long11161	0.16272	0.16272	0.16272	0.15338	0.15338	0.14376	0.13353	0.13164	0.12967	0.12980
58	T	sp.9MJ3787	0.15118	0.15118	0.15118	0.14128	0.14128	0.13717	0.12290	0.12108	0.11911	0.12120
59	T	sp.9MJ4966	0.14883	0.14883	0.14883	0.13896	0.13896	0.13495	0.12084	0.11900	0.11705	0.11913
60	T	sp.9MJ4976	0.15284	0.15284	0.15284	0.14294	0.14294	0.13878	0.12455	0.12274	0.12077	0.12287
61	T	sp.7Finyl	0.14598	0.14598	0.14598	0.14672	0.14672	0.13939	0.12261	0.12454	0.12253	0.12467
62	T	sp.8MJ3830	0.13376	0.13376	0.13376	0.12313	0.12313	0.13005	0.09481	0.09696	0.09479	0.09695
63	T	sp.8MJ6081	0.14061	0.14061	0.14061	0.12983	0.12983	0.13655	0.10104	0.10318	0.10104	0.10318
64	T	sp.8MJ7795	0.13376	0.13376	0.13376	0.12313	0.12313	0.13005	0.09481	0.09696	0.09479	0.09695
65	T	kotlabaeBoertmann79074	0.14076	0.14076	0.14076	0.13641	0.13641	0.13680	0.11081	0.10895	0.10682	0.10895
66	T	kotlabaeMJ5597	0.13483	0.13483	0.13483	0.13243	0.13243	0.12824	0.10470	0.10288	0.10076	0.10287
67	T	kotlabaeMJ9585	0.13482	0.13482	0.13482	0.13245	0.13245	0.12836	0.10471	0.10290	0.10077	0.10290
68	T	kotlabaeMJ7187	0.13469	0.13469	0.13469	0.13228	0.13228	0.12821	0.10460	0.10278	0.10066	0.10277
69	T	kotlabaePavel140118	0.13676	0.13676	0.13676	0.13434	0.13434	0.13036	0.10663	0.10479	0.10266	0.10478
70	T	aff. cretaceumKnudsen01.79	0.17402	0.17402	0.17402	0.16186	0.16186	0.16970	0.15901	0.15706	0.15497	0.15523
71	T	aff. cretaceumMJ3821	0.16804	0.16804	0.16804	0.15578	0.15578	0.16572	0.14731	0.14933	0.14727	0.14752
72	T	aff. cretaceumMJ6194	0.17545	0.17545	0.17545	0.15401	0.15401	0.16924	0.16342	0.16145	0.15936	0.15961
73	T	aff. cretaceumAH3995	0.17754	0.17754	0.17754	0.15603	0.15603	0.17138	0.16540	0.16345	0.16135	0.16160
74	T	aff. cretaceumMJ9304	0.17756	0.17756	0.17756	0.15604	0.15604	0.17127	0.16533	0.16338	0.16128	0.16152
75	T	sp.5MJ10060	0.17044	0.17044	0.17044	0.16038	0.16038	0.16727	0.14231	0.14475	0.14052	0.14289
76	T	sp.5Bruzek131207	0.17044	0.17044	0.17044	0.16038	0.16038	0.16727	0.14231	0.14475	0.14052	0.14289
77	T	simulansBruzek131201	0.15152	0.15152	0.15152	0.13936	0.13936	0.15171	0.14225	0.14242	0.13820	0.14243
78	T	simulansBruzek140214	0.15152	0.15152	0.15152	0.13936	0.13936	0.15171	0.14225	0.14242	0.13820	0.14243
79	T	simulansMJ040221	0.15399	0.15399	0.15399	0.14572	0.14572	0.14742	0.14226	0.14244	0.13821	0.14245
80	T	simulansAH15633	0.14948	0.14948	0.14948	0.14132	0.14132	0.14961	0.14023	0.14039	0.13617	0.14040
81	T	simulansMJ9064	0.15145	0.15145	0.15145	0.14328	0.14328	0.15152	0.14214	0.14232	0.13809	0.14233
82	T	simulansKnudsen01.70m	0.15384	0.15384	0.15384	0.14562	0.14562	0.15170	0.14441	0.14457	0.14032	0.14458
83	T	simulansMJ7865	0.14974	0.14974	0.14974	0.14150	0.14150	0.14954	0.14046	0.14062	0.13640	0.14063
84	T	simulansMrazek1313	0.14948	0.14948	0.14948	0.14132	0.14132	0.14961	0.14023	0.14039	0.13617	0.14040
85	T	simulansMJ3871	0.15608	0.15608	0.15608	0.14773	0.14773	0.14962	0.14426	0.14445	0.14020	0.14446
86	T	simulansMJ3844	0.15809	0.15809	0.15809	0.14976	0.14976	0.15170	0.14626	0.14641	0.14216	0.14643
87	T	simulansMJ4902	0.15596	0.15596	0.15596	0.14764	0.14764	0.14949	0.14418	0.14436	0.14012	0.14438
88	T	simulansMJ5497	0.15809	0.15809	0.15809	0.14976	0.14976	0.15170	0.14626	0.14641	0.14216	0.14643
89	T	aff.excentricumLong9369	0.17014	0.17014	0.17014	0.18431	0.18431	0.20000	0.15270	0.15272	0.14843	0.15273
90	T	brumaleMJ8372	0.13867	0.13867	0.13867	0.14581	0.14581	0.16033	0.14005	0.14437	0.14015	0.14440
91	T	brumaleMJ4597	0.13894	0.13894	0.13894	0.14604	0.14604	0.16052	0.14034	0.14467	0.14044	0.14470
92	T	brumaleMJ7532	0.13867	0.13867	0.13867	0.14581	0.14581	0.16033	0.14005	0.14437	0.14015	0.14440
93	T	brumaleFinyl9	0.13670	0.13670	0.13670	0.14388	0.14388	0.15840	0.14034	0.14467	0.14044	0.14470

94	T	brumaleBruzek1131229	0.13867	0.13867	0.13867	0.14581	0.14581	0.16033	0.14005	0.14437	0.14015	0.14440
95	T	brumaleBruzek140112	0.14086	0.14086	0.14086	0.14807	0.14807	0.16254	0.14219	0.14655	0.14231	0.14659
96	T	brumaleO58849	0.13867	0.13867	0.13867	0.14581	0.14581	0.16033	0.14005	0.14437	0.14015	0.14440
97	T	brumaleMJ5785	0.13653	0.13653	0.13653	0.14807	0.14807	0.16254	0.14219	0.14655	0.14231	0.14659
98	T	brumaleMJ6427	0.13653	0.13653	0.13653	0.14368	0.14368	0.15821	0.13792	0.14222	0.13803	0.14225
99	T	sp.17AH13674	0.15904	0.15904	0.15904	0.14909	0.14909	0.17110	0.15486	0.15493	0.15066	0.15495
100	T	sp.18MJ9046	0.13800	0.13800	0.13800	0.12779	0.12779	0.13551	0.10581	0.10567	0.10169	0.10569
101	T	sp.20MJ5015	0.14070	0.14070	0.14070	0.14200	0.14200	0.14604	0.12252	0.12065	0.11846	0.12066
102	T	eckbladii TRH9565	0.14110	0.14110	0.14110	0.13763	0.13763	0.12997	0.12301	0.12303	0.11884	0.12304
103	T	eckbladiiO58850	0.14110	0.14110	0.14110	0.13763	0.13763	0.12997	0.12301	0.12303	0.11884	0.12304
104	T	giovanellaeMJ9059	0.12792	0.12792	0.12792	0.13998	0.13998	0.12775	0.11473	0.11484	0.11064	0.11484
105	T	caespitosum acaule	0.12584	0.12584	0.12584	0.13788	0.13788	0.12562	0.11265	0.11280	0.10860	0.11280
106	T	giovanellaeMJ8706	0.12367	0.12367	0.12367	0.13569	0.13569	0.12354	0.11057	0.11069	0.10652	0.11069
107	T	giovalellaeAH11641	0.12387	0.12387	0.12387	0.13592	0.13592	0.12374	0.11071	0.11085	0.10667	0.11085
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.13951	0.13951	0.13951	0.12899	0.12899	0.13989	0.13247	0.12828	0.12842	0.12835
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.13951	0.13951	0.13951	0.12899	0.12899	0.13989	0.13247	0.12828	0.12842	0.12835
110	T	beccarianumFiny2	0.13521	0.13521	0.13521	0.13335	0.13335	0.13561	0.13042	0.12623	0.12637	0.12630
111	T	sp.19Molia140115-2	0.16945	0.16945	0.16945	0.16661	0.16661	0.16696	0.14384	0.14817	0.14391	0.14822
112	T	niveumMJ7692	0.12011	0.12011	0.12011	0.12344	0.12344	0.14732	0.11292	0.10498	0.10890	0.10498
113	T	niveumMJ7699	0.12011	0.12011	0.12011	0.12344	0.12344	0.14732	0.11292	0.10498	0.10890	0.10498
114	T	calcareumBrelISO133	0.16040	0.16040	0.16040	0.16940	0.16940	0.15224	0.15493	0.15478	0.15059	0.15291
115	T	calcareumMJ7141	0.16040	0.16040	0.16040	0.16940	0.16940	0.15224	0.15493	0.15478	0.15059	0.15291
116	T	calcareumMJ2010	0.16040	0.16040	0.16040	0.16940	0.16940	0.15224	0.15493	0.15478	0.15059	0.15291
117	T	calcareumMJ8065	0.16040	0.16040	0.16040	0.16940	0.16940	0.15224	0.15493	0.15478	0.15059	0.15291
118	T	calcareumMJ6375	0.16040	0.16040	0.16040	0.16940	0.16940	0.15224	0.15493	0.15478	0.15059	0.15291
119	T	calcareumMJ6965	0.16040	0.16040	0.16040	0.16940	0.16940	0.15224	0.15493	0.15478	0.15059	0.15291
120	T	calcareumMJ6438	0.16423	0.16423	0.16423	0.17329	0.17329	0.15596	0.15870	0.15857	0.15435	0.15670
121	T	calcareumFiny4	0.16040	0.16040	0.16040	0.16940	0.16940	0.15224	0.15493	0.15478	0.15059	0.15291
122	T	subsquamosumMJ6002	0.16688	0.16688	0.16688	0.17039	0.17039	0.17062	0.15606	0.15610	0.15188	0.15426
123	T	subsquamosumMJ9336	0.17125	0.17125	0.17125	0.16831	0.16831	0.17264	0.15398	0.15409	0.14986	0.15224
124	T	subsquamosumMJ4945	0.17137	0.17137	0.17137	0.16840	0.16840	0.17059	0.15402	0.15407	0.14986	0.15222
125	T	subsquamosumAH19024	0.17137	0.17137	0.17137	0.16840	0.16840	0.17059	0.15402	0.15407	0.14986	0.15222
126	T	subsquamosumMJ6563	0.17137	0.17137	0.17137	0.16840	0.16840	0.17059	0.15402	0.15407	0.14986	0.15222
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.17583	0.17583	0.17583	0.17271	0.17271	0.17492	0.15800	0.15814	0.15384	0.15628
128	T	squamosumEL260-06	0.16919	0.16919	0.16919	0.16472	0.16472	0.15740	0.14975	0.14985	0.14565	0.14802
129	T	squamosumMrazek1300	0.16919	0.16919	0.16919	0.16472	0.16472	0.15740	0.14975	0.14985	0.14565	0.14802
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.16500	0.16500	0.16500	0.16143	0.16143	0.15541	0.14950	0.14552	0.14529	0.14566
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.16500	0.16500	0.16500	0.16143	0.16143	0.15541	0.14950	0.14552	0.14529	0.14566
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.15004	0.15004	0.15004	0.16267	0.16267	0.16574	0.14662	0.14664	0.14246	0.14481
133	T	melanocyclusMJ6036	0.15004	0.15004	0.15004	0.16267	0.16267	0.16574	0.14662	0.14664	0.14246	0.14481

134	T melanocyclusMJ9596	0.15217	0.15217	0.15217	0.16267	0.16267	0.16567	0.14860	0.14866	0.14444	0.14683
135	T melanocyclusM011215	0.15197	0.15197	0.15197	0.16467	0.16467	0.16771	0.14861	0.14864	0.14444	0.14681
136	T melanocyclusBohlin050529	0.15200	0.15200	0.15200	0.16257	0.16257	0.16769	0.14856	0.14860	0.14439	0.14677
137	T melanocyclusSAH08-247	0.15197	0.15197	0.15197	0.16467	0.16467	0.16771	0.14861	0.14864	0.14444	0.14681
138	T melanocyclusMJ8815	0.15004	0.15004	0.15004	0.16267	0.16267	0.16574	0.14662	0.14664	0.14246	0.14481
139	T melanocyclusMJ090418	0.15004	0.15004	0.15004	0.16267	0.16267	0.16574	0.14662	0.14664	0.14246	0.14481
140	T domingueziaeHQ667593	0.15935	0.15935	0.15935	0.16240	0.16240	0.16381	0.15012	0.14612	0.14593	0.14628
141	T domingueziaeHQ667593HQ667590	0.15935	0.15935	0.15935	0.16240	0.16240	0.16381	0.15012	0.14612	0.14593	0.14628
142	T rufumLectotype1908USA	0.15697	0.15697	0.15697	0.14870	0.14870	0.15529	0.14437	0.14420	0.14007	0.14234

General time-reversible distance matrix (continued)

	41	42	43	44	45	46	47	48	49	50	
41	T grandisporumBruzek131208	-									
42	T sp.16Knudsen99-337	0.16170	-								
43	T pseudopulchellumAH11603	0.16143	0.18618	-							
44	T pseudopulchellumAH11605	0.16143	0.18618	0.00000	-						
45	T pannonicumMJ990617a	0.13697	0.16892	0.06230	0.06230	-					
46	T pannonicumMJ8715	0.13912	0.17113	0.06413	0.06413	0.00156	-				
47	T pannonicumMJ7764	0.13697	0.16892	0.06230	0.06230	0.00000	0.00156	-			
48	T pannonicumMJ7803	0.13889	0.17105	0.06399	0.06399	0.00156	0.00156	0.00156	-		
49	T submembranaceumAH15132	0.18705	0.23721	0.19572	0.19572	0.18866	0.19108	0.18866	0.19091	-	
50	T sp.15MJ9295	0.16938	0.19391	0.18578	0.18578	0.17987	0.18236	0.17987	0.18203	0.18024	-
51	T sp.15MJ9296	0.16946	0.19391	0.18592	0.18592	0.17995	0.18245	0.17995	0.18211	0.18037	0.00157
52	T sp.15MJ660617b	0.16420	0.17900	0.17451	0.17451	0.17664	0.17916	0.17664	0.17878	0.17311	0.00961
53	T sp.10MJ3813	0.11347	0.17133	0.14786	0.14786	0.15216	0.15442	0.15216	0.15418	0.18705	0.17102
54	T sp.10MJ6198	0.12609	0.17838	0.15285	0.15285	0.14962	0.15188	0.14962	0.15168	0.18147	0.16205
55	T sp.11MJ881114	0.12560	0.17535	0.15408	0.15408	0.15867	0.16094	0.15867	0.16068	0.19853	0.18317
56	T sp.12AH15040	0.11995	0.17122	0.15479	0.15479	0.15475	0.15701	0.15475	0.15677	0.19215	0.17692
57	T sp.13Long11161	0.13164	0.18343	0.14959	0.14959	0.15329	0.15345	0.15329	0.15125	0.19882	0.17399
58	T sp.9MJ3787	0.12108	0.16565	0.14553	0.14553	0.13223	0.13227	0.13223	0.13419	0.17443	0.16515
59	T sp.9MJ4966	0.11900	0.16340	0.14348	0.14348	0.13017	0.13020	0.13017	0.13211	0.17194	0.16287
60	T sp.9MJ4976	0.12274	0.16732	0.14724	0.14724	0.13392	0.13396	0.13392	0.13588	0.17618	0.16688
61	T sp.7Finyl	0.12454	0.17876	0.15410	0.15410	0.13767	0.13777	0.13767	0.13968	0.16439	0.14853
62	T sp.8MJ3830	0.09696	0.15283	0.12213	0.12213	0.11382	0.11404	0.11382	0.11587	0.14408	0.15754
63	T sp.8MJ6081	0.10318	0.15520	0.12433	0.12433	0.11596	0.11616	0.11596	0.11801	0.15104	0.16239
64	T sp.8MJ7795	0.09696	0.15283	0.12213	0.12213	0.11382	0.11404	0.11382	0.11587	0.14408	0.15754
65	T kotlabaeBoertmann79074	0.10895	0.17343	0.12738	0.12738	0.11467	0.11483	0.11467	0.11675	0.15595	0.17406
66	T kotlabaeMJ5597	0.10288	0.16173	0.12532	0.12532	0.11273	0.11288	0.11273	0.11481	0.15167	0.16959
67	T kotlabaeMJ9585	0.10290	0.16202	0.12542	0.12542	0.11279	0.11294	0.11279	0.11487	0.15188	0.16974

68	T	kotlabaeMJ7187	0.10278	0.16176	0.12522	0.12522	0.11264	0.11279	0.11264	0.11472	0.15163	0.16949
69	T	kotlabaePavel140118	0.10479	0.16407	0.12737	0.12737	0.11469	0.11484	0.11469	0.11678	0.15375	0.17174
70	T	aff. cretaceumKnudsen01.79	0.15706	0.19776	0.13646	0.13646	0.12948	0.12929	0.12948	0.12961	0.19286	0.20281
71	T	aff. cretaceumMJ3821	0.14933	0.19802	0.13281	0.13281	0.12184	0.12166	0.12184	0.12197	0.18898	0.20322
72	T	aff. cretaceumMJ6194	0.16145	0.19139	0.13841	0.13841	0.13342	0.13320	0.13342	0.13354	0.18646	0.20667
73	T	aff. cretaceumAH3995	0.16345	0.18933	0.14031	0.14031	0.13535	0.13513	0.13535	0.13548	0.18861	0.20882
74	T	aff. cretaceumMJ9304	0.16338	0.19345	0.14032	0.14032	0.13537	0.13514	0.13537	0.13549	0.18433	0.20449
75	T	sp.5MJ10060	0.14475	0.18611	0.17437	0.17437	0.15820	0.16048	0.15820	0.16031	0.17328	0.18067
76	T	sp.5Bruzek131207	0.14475	0.18611	0.17437	0.17437	0.15820	0.16048	0.15820	0.16031	0.17328	0.18067
77	T	simulansBruzek131201	0.14242	0.19992	0.14417	0.14417	0.12814	0.12829	0.12814	0.12606	0.18755	0.16770
78	T	simulansBruzek140214	0.14242	0.19992	0.14417	0.14417	0.12814	0.12829	0.12814	0.12606	0.18755	0.16770
79	T	simulansMJ040221	0.14244	0.19770	0.14420	0.14420	0.12813	0.12826	0.12813	0.12604	0.19000	0.17021
80	T	simulansAH15633	0.14039	0.19770	0.14207	0.14207	0.12608	0.12623	0.12608	0.12401	0.18755	0.16552
81	T	simulansMJ9064	0.14232	0.19974	0.14402	0.14402	0.12800	0.12814	0.12800	0.12593	0.18963	0.16755
82	T	simulansKnudsen01.70m	0.14457	0.20235	0.14419	0.14419	0.12809	0.12824	0.12809	0.12601	0.18977	0.16993
83	T	simulansMJ7865	0.14062	0.19797	0.14206	0.14206	0.12605	0.12619	0.12605	0.12398	0.18744	0.16587
84	T	simulansMrazek1313	0.14039	0.19770	0.14207	0.14207	0.12608	0.12623	0.12608	0.12401	0.18755	0.16552
85	T	simulansMJ3871	0.14445	0.19997	0.14633	0.14633	0.13018	0.13033	0.13018	0.12808	0.19025	0.17237
86	T	simulansMJ3844	0.14641	0.20212	0.14833	0.14833	0.13214	0.13229	0.13214	0.13004	0.19229	0.17433
87	T	simulansMJ4902	0.14436	0.19979	0.14619	0.14619	0.13008	0.13021	0.13008	0.12798	0.19016	0.17225
88	T	simulansMJ5497	0.14641	0.20212	0.14833	0.14833	0.13214	0.13229	0.13214	0.13004	0.19229	0.17433
89	T	aff.excentricumLong9369	0.15272	0.21199	0.19521	0.19521	0.18037	0.18072	0.18037	0.17817	0.20747	0.21512
90	T	brumaleMJ8372	0.14437	0.20136	0.15896	0.15896	0.13664	0.13684	0.13664	0.13453	0.16490	0.17173
91	T	brumaleMJ4597	0.14467	0.20167	0.15923	0.15923	0.13688	0.13706	0.13688	0.13476	0.16523	0.17211
92	T	brumaleMJ7532	0.14437	0.20136	0.15896	0.15896	0.13664	0.13684	0.13664	0.13453	0.16490	0.17173
93	T	brumaleFiny9	0.14467	0.19927	0.15701	0.15701	0.13688	0.13706	0.13688	0.13476	0.16291	0.16967
94	T	brumaleBruzek1131229	0.14437	0.20136	0.15896	0.15896	0.13664	0.13684	0.13664	0.13453	0.16490	0.17173
95	T	brumaleBruzek140112	0.14655	0.20374	0.16113	0.16113	0.13877	0.13896	0.13877	0.13664	0.16718	0.17408
96	T	brumaleO58849	0.14437	0.20136	0.15896	0.15896	0.13664	0.13684	0.13664	0.13453	0.16490	0.17173
97	T	brumaleMJ5785	0.14655	0.20374	0.16113	0.16113	0.13877	0.13896	0.13877	0.13664	0.16278	0.17408
98	T	brumaleMJ6427	0.14222	0.19901	0.15688	0.15688	0.13457	0.13478	0.13457	0.13248	0.16491	0.16950
99	T	sp.17AH13674	0.15493	0.19751	0.15040	0.15040	0.13671	0.13688	0.13671	0.13463	0.19031	0.17620
100	T	sp.18MJ9046	0.10567	0.15379	0.13618	0.13618	0.13014	0.13035	0.13014	0.12802	0.16703	0.16581
101	T	sp.20MJ5015	0.12065	0.18183	0.15731	0.15731	0.14460	0.14481	0.14460	0.14236	0.18296	0.17396
102	T	eckbladii TRH9565	0.12303	0.17382	0.15981	0.15981	0.14524	0.14528	0.14524	0.14735	0.18653	0.15328
103	T	eckbladiiO58850	0.12303	0.17382	0.15981	0.15981	0.14524	0.14528	0.14524	0.14735	0.18653	0.15328
104	T	giovanellaeMJ9059	0.11484	0.16619	0.13806	0.13806	0.12794	0.12803	0.12794	0.12997	0.17277	0.15338
105	T	caespitosum acaule	0.11280	0.16373	0.13587	0.13587	0.12574	0.12583	0.12574	0.12777	0.17058	0.15108
106	T	giovanellaeMJ8706	0.11069	0.16161	0.13379	0.13379	0.12372	0.12380	0.12372	0.12574	0.16823	0.15110
107	T	giovalellaeAH11641	0.11085	0.16180	0.13395	0.13395	0.12387	0.12394	0.12387	0.12589	0.16845	0.15109

92	T	brumaleMJ7532	0.17185	0.17434	0.12760	0.12849	0.14031	0.13621	0.13763	0.12555	0.12349	0.12552
93	T	brumaleFiny9	0.16979	0.17228	0.12788	0.12878	0.14056	0.13644	0.13785	0.12583	0.12375	0.12578
94	T	brumaleBruzek1131229	0.17185	0.17434	0.12760	0.12849	0.14031	0.13621	0.13763	0.12555	0.12349	0.12552
95	T	brumaleBruzek140112	0.17420	0.17670	0.12976	0.13065	0.14248	0.13836	0.13983	0.12772	0.12564	0.12768
96	T	brumaleO58849	0.17185	0.17434	0.12760	0.12849	0.14031	0.13621	0.13763	0.12555	0.12349	0.12552
97	T	brumaleMJ5785	0.17420	0.17670	0.12976	0.13065	0.14248	0.13836	0.13983	0.12772	0.12564	0.12768
98	T	brumaleMJ6427	0.16962	0.17211	0.12547	0.12635	0.13816	0.13408	0.13550	0.12340	0.12136	0.12338
99	T	sp.17AH13674	0.17629	0.16895	0.13814	0.13980	0.14660	0.14053	0.14610	0.12683	0.12462	0.12865
100	T	sp.18MJ9046	0.16588	0.16425	0.09999	0.09907	0.10460	0.09860	0.10086	0.11665	0.11439	0.11854
101	T	sp.20MJ5015	0.17412	0.17222	0.13023	0.13192	0.11977	0.11362	0.12846	0.12638	0.12393	0.12824
102	T	eckbladii TRH9565	0.15341	0.15394	0.12802	0.12940	0.13070	0.12447	0.13515	0.12622	0.12389	0.12809
103	T	eckbladiiO58850	0.15341	0.15394	0.12802	0.12940	0.13070	0.12447	0.13515	0.12622	0.12389	0.12809
104	T	giovanellaeMJ9059	0.15351	0.15427	0.11741	0.11851	0.12221	0.11604	0.11817	0.10929	0.10704	0.11118
105	T	caespitosum acaule	0.15121	0.15193	0.11543	0.11649	0.12016	0.11401	0.11617	0.10726	0.10501	0.10915
106	T	giovanellaeMJ8706	0.15123	0.15193	0.11329	0.11432	0.11801	0.11188	0.11401	0.10518	0.10296	0.10707
107	T	giovalellaeAH11641	0.15122	0.15193	0.11345	0.11449	0.11818	0.11205	0.11423	0.10534	0.10311	0.10722
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.16439	0.16272	0.10559	0.10462	0.12046	0.12283	0.11496	0.11863	0.11627	0.12048
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.16439	0.16272	0.10559	0.10462	0.12046	0.12283	0.11496	0.11863	0.11627	0.12048
110	T	beccarianumFiny2	0.16460	0.16291	0.10975	0.10883	0.12052	0.12289	0.11082	0.11853	0.11620	0.12038
111	T	sp.19Molia140115-2	0.19248	0.18070	0.14361	0.13847	0.14189	0.14004	0.13573	0.14012	0.13777	0.14185
112	T	niveumMJ7692	0.15825	0.15646	0.12421	0.12545	0.14219	0.13583	0.13074	0.13165	0.12926	0.13354
113	T	niveumMJ7699	0.15825	0.15646	0.12421	0.12545	0.14219	0.13583	0.13074	0.13165	0.12926	0.13354
114	T	calcareumBrelisO133	0.17993	0.17098	0.12062	0.12708	0.13468	0.12894	0.12237	0.14532	0.14512	0.14480
115	T	calcareumMJ7141	0.17993	0.17098	0.12062	0.12708	0.13468	0.12894	0.12237	0.14532	0.14512	0.14480
116	T	calcareumMJ2010	0.17993	0.17098	0.12062	0.12708	0.13468	0.12894	0.12237	0.14532	0.14512	0.14480
117	T	calcareumMJ8065	0.17993	0.17098	0.12062	0.12708	0.13468	0.12894	0.12237	0.14532	0.14512	0.14480
118	T	calcareumMJ6375	0.17993	0.17098	0.12062	0.12708	0.13468	0.12894	0.12237	0.14532	0.14512	0.14480
119	T	calcareumMJ6965	0.17993	0.17098	0.12062	0.12708	0.13468	0.12894	0.12237	0.14532	0.14512	0.14480
120	T	calcareumMJ6438	0.18393	0.17500	0.12433	0.13085	0.13844	0.13270	0.12597	0.14909	0.14889	0.14858
121	T	calcareumFiny4	0.17993	0.17098	0.12062	0.12708	0.13468	0.12894	0.12237	0.14532	0.14512	0.14480
122	T	subsquamosumMJ6002	0.18119	0.17633	0.13981	0.13285	0.14590	0.14007	0.13524	0.16241	0.16035	0.16214
123	T	subsquamosumMJ9336	0.18131	0.17645	0.13786	0.13088	0.14399	0.13819	0.13329	0.16044	0.15838	0.16017
124	T	subsquamosumMJ4945	0.18140	0.17658	0.13779	0.13082	0.14393	0.13811	0.13538	0.16037	0.15832	0.16010
125	T	subsquamosumAH19024	0.18140	0.17658	0.13779	0.13082	0.14393	0.13811	0.13538	0.16037	0.15832	0.16010
126	T	subsquamosumMJ6563	0.18140	0.17658	0.13779	0.13082	0.14393	0.13811	0.13538	0.16037	0.15832	0.16010
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.18569	0.17870	0.14188	0.13288	0.14393	0.13811	0.13940	0.16476	0.16267	0.16446
128	T	squamosumEL260-06	0.18091	0.17155	0.12367	0.12466	0.13956	0.13377	0.12694	0.14534	0.14755	0.14939
129	T	squamosumMrazek1300	0.18091	0.17155	0.12367	0.12466	0.13956	0.13377	0.12694	0.14534	0.14755	0.14939
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.18039	0.17344	0.11940	0.12776	0.12423	0.11871	0.11542	0.14120	0.13925	0.14100
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.18039	0.17344	0.11940	0.12776	0.12423	0.11871	0.11542	0.14120	0.13925	0.14100

132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.18150	0.16808	0.12604	0.13057	0.13668	0.13097	0.12189	0.15077	0.14875	0.15055
133	T	melanocyclusMJ6036	0.18150	0.16808	0.12604	0.13057	0.13668	0.13097	0.12189	0.15077	0.14875	0.15055
134	T	melanocyclusMJ9596	0.18361	0.17018	0.12808	0.13265	0.13880	0.13308	0.12391	0.15300	0.15096	0.15277
135	T	melanocyclusM011215	0.17939	0.17016	0.12803	0.13259	0.13867	0.13296	0.12180	0.15276	0.15073	0.15255
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.18140	0.16799	0.12797	0.13251	0.13862	0.13291	0.12179	0.15270	0.15067	0.15250
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.17939	0.17016	0.12803	0.13259	0.13867	0.13296	0.12180	0.15276	0.15073	0.15255
138	T	melanocyclusMJ8815	0.18150	0.16808	0.12604	0.13057	0.13668	0.13097	0.12189	0.15077	0.14875	0.15055
139	T	melanocyclusMJ090418	0.18150	0.16808	0.12604	0.13057	0.13668	0.13097	0.12189	0.15077	0.14875	0.15055
140	T	domingueziaeHQ667593	0.16686	0.15962	0.13844	0.14318	0.14796	0.14044	0.14129	0.13630	0.13607	0.13579
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.16686	0.15962	0.13844	0.14318	0.14796	0.14044	0.14129	0.13630	0.13607	0.13579
142	T	rufumLectotype1908USA	0.17594	0.16772	0.13196	0.13499	0.14017	0.13434	0.13504	0.13590	0.13363	0.13757

General time-reversible distance matrix (continued)

		61	62	63	64	65	66	67	68	69	70	
61	T	sp.7Finyl	-									
62	T	sp.8MJ3830	0.06023	-								
63	T	sp.8MJ6081	0.06609	0.00512	-							
64	T	sp.8MJ7795	0.06023	0.00000	0.00512	-						
65	T	kotlabaeBoertmann79074	0.07164	0.04610	0.04985	0.04610	-					
66	T	kotlabaeMJ5597	0.07000	0.04066	0.04441	0.04066	0.01029	-				
67	T	kotlabaeMJ9585	0.06806	0.04253	0.04627	0.04253	0.00858	0.00170	-			
68	T	kotlabaeMJ7187	0.06797	0.04247	0.04622	0.04247	0.00855	0.00170	0.00000	-		
69	T	kotlabaePavel140118	0.07000	0.04432	0.04807	0.04432	0.01029	0.00342	0.00170	0.00170	-	
70	T	aff. cretaceumKnudsen01.79	0.13990	0.10688	0.11130	0.10688	0.11168	0.10780	0.10777	0.10766	0.10965	-
71	T	aff. cretaceumMJ3821	0.13218	0.10272	0.10711	0.10272	0.10927	0.10535	0.10534	0.10522	0.10725	0.01104
72	T	aff. cretaceumMJ6194	0.14189	0.11280	0.11716	0.11280	0.11542	0.11153	0.11147	0.11136	0.11335	0.02387
73	T	aff. cretaceumAH3995	0.14390	0.11262	0.11273	0.11262	0.11739	0.11350	0.11344	0.11334	0.11533	0.02387
74	T	aff. cretaceumMJ9304	0.14390	0.11483	0.11923	0.11483	0.11751	0.11361	0.11356	0.11344	0.11543	0.02550
75	T	sp.5MJ10060	0.16415	0.12685	0.13364	0.12685	0.13909	0.13304	0.13308	0.13291	0.13496	0.19366
76	T	sp.5Bruzek131207	0.16415	0.12685	0.13364	0.12685	0.13909	0.13304	0.13308	0.13291	0.13496	0.19366
77	T	simulansBruzek131201	0.11577	0.12139	0.12362	0.12139	0.10990	0.10618	0.10618	0.10606	0.10803	0.15767
78	T	simulansBruzek140214	0.11577	0.12139	0.12362	0.12139	0.10990	0.10618	0.10618	0.10606	0.10803	0.15767
79	T	simulansMJ040221	0.12014	0.12154	0.12376	0.12154	0.11440	0.10630	0.10630	0.10618	0.10815	0.16211
80	T	simulansAH15633	0.11583	0.11934	0.12156	0.11934	0.11225	0.10853	0.10853	0.10841	0.11038	0.15971
81	T	simulansMJ9064	0.11774	0.12128	0.12352	0.12128	0.11420	0.11048	0.11048	0.11035	0.11232	0.16172
82	T	simulansKnudsen01.70m	0.12002	0.11939	0.12160	0.11939	0.11232	0.10858	0.10858	0.10846	0.11041	0.16176
83	T	simulansMJ7865	0.11605	0.11933	0.12154	0.11933	0.11223	0.10852	0.10851	0.10839	0.11036	0.15954
84	T	simulansMrazek1313	0.11583	0.11934	0.12156	0.11934	0.11225	0.10853	0.10853	0.10841	0.11038	0.15971
85	T	simulansMJ3871	0.12220	0.12165	0.12387	0.12165	0.11458	0.10644	0.10643	0.10631	0.10827	0.16415

86	T	simulansMJ3844	0.12417	0.12355	0.12577	0.12355	0.11643	0.10828	0.10829	0.10817	0.11014	0.16611
87	T	simulansMJ4902	0.12212	0.12158	0.12381	0.12158	0.11450	0.10639	0.10638	0.10626	0.10822	0.16408
88	T	simulansMJ5497	0.12417	0.12355	0.12577	0.12355	0.11643	0.10828	0.10829	0.10817	0.11014	0.16611
89	T	aff.excentricumLong9369	0.15144	0.14548	0.14778	0.14548	0.14764	0.13897	0.13906	0.13885	0.14093	0.19727
90	T	brumaleMJ8372	0.12028	0.11579	0.11807	0.11579	0.12052	0.11682	0.11677	0.11664	0.11863	0.15407
91	T	brumaleMJ4597	0.12052	0.11608	0.11837	0.11608	0.12079	0.11711	0.11705	0.11694	0.11893	0.15437
92	T	brumaleMJ7532	0.12028	0.11579	0.11807	0.11579	0.12052	0.11682	0.11677	0.11664	0.11863	0.15407
93	T	brumaleFiny9	0.12052	0.11608	0.11837	0.11608	0.12081	0.11711	0.11707	0.11694	0.11893	0.15212
94	T	brumaleBruzek1131229	0.12028	0.11579	0.11807	0.11579	0.12052	0.11682	0.11677	0.11664	0.11863	0.15407
95	T	brumaleBruzek140112	0.12245	0.11798	0.12028	0.11798	0.12259	0.11905	0.11884	0.11887	0.12086	0.15641
96	T	brumaleO58849	0.12028	0.11579	0.11807	0.11579	0.12052	0.11682	0.11677	0.11664	0.11863	0.15407
97	T	brumaleMJ5785	0.12245	0.11798	0.12028	0.11798	0.12275	0.11905	0.11900	0.11887	0.12086	0.15641
98	T	brumaleMJ6427	0.11819	0.11354	0.11580	0.11354	0.11823	0.11454	0.11449	0.11437	0.11636	0.15193
99	T	sp.17AH13674	0.12835	0.12148	0.12584	0.12148	0.12251	0.11868	0.11877	0.11859	0.12059	0.17520
100	T	sp.18MJ9046	0.10982	0.13014	0.13463	0.13014	0.12658	0.11831	0.11830	0.11815	0.12019	0.15066
101	T	sp.20MJ5015	0.12332	0.13478	0.14167	0.13478	0.13937	0.13552	0.13536	0.13534	0.13740	0.16532
102	T	eckbladii TRH9565	0.11903	0.12498	0.12706	0.12498	0.12764	0.11944	0.11932	0.11921	0.12126	0.16122
103	T	eckbladiiO58850	0.11903	0.12498	0.12706	0.12498	0.12764	0.11944	0.11932	0.11921	0.12126	0.16122
104	T	giovanellaeMJ9059	0.11067	0.11239	0.11886	0.11239	0.11111	0.10719	0.10719	0.10705	0.10908	0.15212
105	T	caespitosum acaule	0.10862	0.11038	0.11683	0.11038	0.10904	0.10514	0.10514	0.10502	0.10703	0.14994
106	T	giovanellaeMJ8706	0.10861	0.10820	0.11461	0.10820	0.10687	0.10298	0.10298	0.10285	0.10487	0.14989
107	T	giovalellaeAH11641	0.10861	0.10835	0.11479	0.10835	0.10703	0.10313	0.10313	0.10301	0.10502	0.14991
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.10790	0.12001	0.12230	0.12001	0.12560	0.12193	0.12186	0.12175	0.12371	0.15206
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.10790	0.12001	0.12230	0.12001	0.12560	0.12193	0.12186	0.12175	0.12371	0.15206
110	T	beccarianumFiny2	0.10790	0.12421	0.12651	0.12421	0.12521	0.12151	0.12144	0.12134	0.12331	0.14772
111	T	sp.19Molia140115-2	0.14000	0.12245	0.12692	0.12245	0.11642	0.11287	0.11268	0.11269	0.11472	0.16883
112	T	niveumMJ7692	0.12642	0.11720	0.11952	0.11720	0.12268	0.11876	0.11862	0.11849	0.12050	0.13628
113	T	niveumMJ7699	0.12642	0.11720	0.11952	0.11720	0.12268	0.11876	0.11862	0.11849	0.12050	0.13628
114	T	calcareumBreliso133	0.14676	0.13749	0.13975	0.13749	0.13822	0.13227	0.13224	0.13208	0.13420	0.17060
115	T	calcareumMJ7141	0.14676	0.13749	0.13975	0.13749	0.13822	0.13227	0.13224	0.13208	0.13420	0.17060
116	T	calcareumMJ2010	0.14676	0.13749	0.13975	0.13749	0.13822	0.13227	0.13224	0.13208	0.13420	0.17060
117	T	calcareumMJ8065	0.14676	0.13749	0.13975	0.13749	0.13822	0.13227	0.13224	0.13208	0.13420	0.17060
118	T	calcareumMJ6375	0.14676	0.13749	0.13975	0.13749	0.13822	0.13227	0.13224	0.13208	0.13420	0.17060
119	T	calcareumMJ6965	0.14676	0.13749	0.13975	0.13749	0.13822	0.13227	0.13224	0.13208	0.13420	0.17060
120	T	calcareumMJ6438	0.15055	0.14164	0.14392	0.14164	0.14244	0.13646	0.13643	0.13627	0.13839	0.17453
121	T	calcareumFiny4	0.14676	0.13749	0.13975	0.13749	0.13822	0.13227	0.13224	0.13208	0.13420	0.17060
122	T	subsquamosumMJ6002	0.15892	0.15207	0.15437	0.15207	0.15063	0.14439	0.14445	0.14424	0.14641	0.18249
123	T	subsquamosumMJ9336	0.15701	0.14952	0.15185	0.14952	0.14813	0.14184	0.14192	0.14169	0.14388	0.18669
124	T	subsquamosumMJ4945	0.15879	0.14522	0.14751	0.14522	0.14373	0.13752	0.13759	0.13738	0.13954	0.18471
125	T	subsquamosumAH19024	0.15879	0.14522	0.14751	0.14522	0.14373	0.13752	0.13759	0.13738	0.13954	0.18471

126	T	subsquamosumMJ6563	0.15879	0.14522	0.14751	0.14522	0.14373	0.13752	0.13759	0.13738	0.13954	0.18471
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.15879	0.14735	0.14968	0.14735	0.14597	0.13975	0.13982	0.13960	0.14177	0.18908
128	T	squamosumEL260-06	0.15261	0.12840	0.13058	0.12840	0.13131	0.12711	0.12718	0.12700	0.12910	0.17155
129	T	squamosumMrazek1300	0.15261	0.12840	0.13058	0.12840	0.13131	0.12711	0.12718	0.12700	0.12910	0.17155
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.14699	0.13848	0.13849	0.13848	0.13264	0.12669	0.12663	0.12653	0.12857	0.17059
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.14699	0.13848	0.13849	0.13848	0.13264	0.12669	0.12663	0.12653	0.12857	0.17059
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.15128	0.13132	0.13360	0.13132	0.13892	0.13295	0.13292	0.13276	0.13482	0.16138
133	T	melanocyclusMJ6036	0.15128	0.13132	0.13360	0.13132	0.13892	0.13295	0.13292	0.13276	0.13482	0.16138
134	T	melanocyclusMJ9596	0.15347	0.13376	0.13603	0.13376	0.14140	0.13543	0.13541	0.13524	0.13730	0.16345
135	T	melanocyclusM011215	0.15327	0.13346	0.13574	0.13346	0.14112	0.13513	0.13511	0.13494	0.13700	0.16347
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.15321	0.13336	0.13564	0.13336	0.14101	0.13503	0.13501	0.13484	0.13690	0.16342
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.15327	0.13346	0.13574	0.13346	0.14112	0.13513	0.13511	0.13494	0.13700	0.16347
138	T	melanocyclusMJ8815	0.15128	0.13132	0.13360	0.13132	0.13892	0.13295	0.13292	0.13276	0.13482	0.16138
139	T	melanocyclusMJ090418	0.15128	0.13132	0.13360	0.13132	0.13892	0.13295	0.13292	0.13276	0.13482	0.16138
140	T	domingueziaeHQ667593	0.14045	0.12909	0.13123	0.12909	0.12336	0.11740	0.11745	0.11730	0.11934	0.17170
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.14045	0.12909	0.13123	0.12909	0.12336	0.11740	0.11745	0.11730	0.11934	0.17170
142	T	rufumLectotype1908USA	0.14626	0.12845	0.13061	0.12845	0.12054	0.11473	0.11474	0.11461	0.11661	0.16149

General time-reversible distance matrix (continued)

		71	72	73	74	75	76	77	78	79	80	
71	T	aff. cretaceumMJ3821	-									
72	T	aff. cretaceumMJ6194	0.02386	-								
73	T	aff. cretaceumAH3995	0.02711	0.00313	-							
74	T	aff. cretaceumMJ9304	0.02548	0.00156	0.00472	-						
75	T	sp.5MJ10060	0.18930	0.18451	0.18667	0.18663	-					
76	T	sp.5Bruzek131207	0.18930	0.18451	0.18667	0.18663	0.00000	-				
77	T	simulansBruzek131201	0.14845	0.15269	0.15709	0.15488	0.15845	0.15845	-			
78	T	simulansBruzek140214	0.14845	0.15269	0.15709	0.15488	0.15845	0.15845	0.00000	-		
79	T	simulansMJ040221	0.15277	0.15710	0.16154	0.15931	0.15862	0.15862	0.00832	0.00832	-	
80	T	simulansAH15633	0.15047	0.15478	0.15918	0.15697	0.15632	0.15632	0.00496	0.00496	0.00331	-
81	T	simulansMJ9064	0.15245	0.15675	0.16117	0.15895	0.15834	0.15834	0.00662	0.00662	0.00497	0.00165
82	T	simulansKnudsen01.70m	0.15257	0.15687	0.16127	0.15906	0.15838	0.15838	0.00829	0.00829	0.00330	0.00330
83	T	simulansMJ7865	0.15031	0.15463	0.15903	0.15682	0.15617	0.15617	0.00496	0.00496	0.00166	0.00000
84	T	simulansMrazek1313	0.15047	0.15478	0.15918	0.15697	0.15632	0.15632	0.00496	0.00496	0.00331	0.00000
85	T	simulansMJ3871	0.15483	0.15912	0.16357	0.16133	0.16066	0.16066	0.00998	0.00998	0.00165	0.00496
86	T	simulansMJ3844	0.15682	0.16111	0.16556	0.16332	0.16265	0.16265	0.01164	0.01164	0.00330	0.00662
87	T	simulansMJ4902	0.15475	0.15906	0.16351	0.16128	0.16057	0.16057	0.00998	0.00998	0.00165	0.00496
88	T	simulansMJ5497	0.15682	0.16111	0.16556	0.16332	0.16265	0.16265	0.01164	0.01164	0.00330	0.00662
89	T	aff.excentricumLong9369	0.19495	0.19685	0.19903	0.19912	0.18038	0.18038	0.10718	0.10718	0.10324	0.10528

90	T	brumaleMJ8372	0.14106	0.14527	0.14949	0.14737	0.15372	0.15372	0.06242	0.06242	0.06244	0.06063
91	T	brumaleMJ4597	0.14130	0.14550	0.14972	0.14760	0.15403	0.15403	0.06251	0.06251	0.06254	0.06073
92	T	brumaleMJ7532	0.14106	0.14527	0.14949	0.14737	0.15372	0.15372	0.06242	0.06242	0.06244	0.06063
93	T	brumaleFiny9	0.13917	0.14337	0.14758	0.14547	0.15171	0.15171	0.06251	0.06251	0.06254	0.06073
94	T	brumaleBruzek1131229	0.14106	0.14527	0.14949	0.14737	0.15372	0.15372	0.06242	0.06242	0.06244	0.06063
95	T	brumaleBruzek140112	0.14330	0.14750	0.15177	0.14963	0.15599	0.15599	0.06429	0.06429	0.06431	0.06249
96	T	brumaleO58849	0.14106	0.14527	0.14949	0.14737	0.15372	0.15372	0.06242	0.06242	0.06244	0.06063
97	T	brumaleMJ5785	0.14330	0.14750	0.15177	0.14963	0.15599	0.15599	0.06429	0.06429	0.06431	0.06249
98	T	brumaleMJ6427	0.13901	0.14533	0.14954	0.14742	0.15599	0.15599	0.06060	0.06060	0.06061	0.05882
99	T	sp.17AH13674	0.17294	0.16841	0.17047	0.17058	0.15583	0.15583	0.10052	0.10052	0.10273	0.09858
100	T	sp.18MJ9046	0.14416	0.14792	0.14997	0.15007	0.12823	0.12823	0.07050	0.07050	0.07036	0.07240
101	T	sp.20MJ5015	0.16046	0.16968	0.17206	0.17198	0.14104	0.14104	0.11629	0.11629	0.11424	0.11213
102	T	eckbladii TRH9565	0.16114	0.16074	0.16296	0.16302	0.14431	0.14431	0.12343	0.12343	0.11918	0.12135
103	T	eckbladiiO58850	0.16114	0.16074	0.16296	0.16302	0.14431	0.14431	0.12343	0.12343	0.11918	0.12135
104	T	giovanellaeMJ9059	0.14757	0.15609	0.15825	0.15834	0.12245	0.12245	0.11038	0.11038	0.11048	0.10837
105	T	caespitosum acaule	0.14537	0.15390	0.15606	0.15615	0.12040	0.12040	0.10840	0.10840	0.10850	0.10639
106	T	giovanellaeMJ8706	0.14532	0.15382	0.15596	0.15605	0.12040	0.12040	0.10633	0.10633	0.10641	0.10433
107	T	giovalellaeAH11641	0.14534	0.15385	0.15600	0.15609	0.12040	0.12040	0.10647	0.10647	0.10655	0.10445
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.14957	0.15123	0.15343	0.15348	0.14085	0.14085	0.08718	0.08718	0.08721	0.08528
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.14957	0.15123	0.15343	0.15348	0.14085	0.14085	0.08718	0.08718	0.08721	0.08528
110	T	beccarianumFiny2	0.14526	0.14692	0.14910	0.14915	0.13654	0.13654	0.09118	0.09118	0.09121	0.08927
111	T	sp.19Molia140115-2	0.16223	0.17066	0.17282	0.16843	0.16341	0.16341	0.08734	0.08734	0.09119	0.08936
112	T	niveumMJ7692	0.13186	0.14014	0.14225	0.14229	0.13422	0.13422	0.09906	0.09906	0.10117	0.09911
113	T	niveumMJ7699	0.13186	0.14014	0.14225	0.14229	0.13422	0.13422	0.09906	0.09906	0.10117	0.09911
114	T	calcareumBrelISO133	0.16437	0.16611	0.16831	0.16399	0.16196	0.16196	0.13471	0.13471	0.13919	0.13693
115	T	calcareumMJ7141	0.16437	0.16611	0.16831	0.16399	0.16196	0.16196	0.13471	0.13471	0.13919	0.13693
116	T	calcareumMJ2010	0.16437	0.16611	0.16831	0.16399	0.16196	0.16196	0.13471	0.13471	0.13919	0.13693
117	T	calcareumMJ8065	0.16437	0.16611	0.16831	0.16399	0.16196	0.16196	0.13471	0.13471	0.13919	0.13693
118	T	calcareumMJ6375	0.16437	0.16611	0.16831	0.16399	0.16196	0.16196	0.13471	0.13471	0.13919	0.13693
119	T	calcareumMJ6965	0.16437	0.16611	0.16831	0.16399	0.16196	0.16196	0.13471	0.13471	0.13919	0.13693
120	T	calcareumMJ6438	0.16827	0.17003	0.17223	0.16791	0.16573	0.16573	0.13875	0.13875	0.14325	0.14099
121	T	calcareumFiny4	0.16437	0.16611	0.16831	0.16399	0.16196	0.16196	0.13471	0.13471	0.13919	0.13693
122	T	subsquamosumMJ6002	0.17643	0.18236	0.18443	0.18026	0.17012	0.17012	0.14091	0.14091	0.14518	0.14301
123	T	subsquamosumMJ9336	0.18054	0.18648	0.18858	0.18435	0.16820	0.16820	0.13888	0.13888	0.14316	0.14099
124	T	subsquamosumMJ4945	0.17856	0.18446	0.18657	0.18233	0.16825	0.16825	0.13884	0.13884	0.14312	0.14094
125	T	subsquamosumAH19024	0.17856	0.18446	0.18657	0.18233	0.16825	0.16825	0.13884	0.13884	0.14312	0.14094
126	T	subsquamosumMJ6563	0.17856	0.18446	0.18657	0.18233	0.16825	0.16825	0.13884	0.13884	0.14312	0.14094
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.18282	0.18875	0.19090	0.18659	0.16825	0.16825	0.14093	0.14093	0.14526	0.14304
128	T	squamosumEL260-06	0.16537	0.17120	0.17335	0.16910	0.16734	0.16734	0.13599	0.13599	0.13604	0.13394
129	T	squamosumMrazek1300	0.16537	0.17120	0.17335	0.16910	0.16734	0.16734	0.13599	0.13599	0.13604	0.13394

130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.16458	0.17037	0.17250	0.16829	0.16912	0.16912	0.13192	0.13192	0.13613	0.13406
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.16458	0.17037	0.17250	0.16829	0.16912	0.16912	0.13192	0.13192	0.13613	0.13406
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.16155	0.16368	0.16573	0.16163	0.16152	0.16152	0.13503	0.13503	0.13511	0.13294
133	T	melanocyclusMJ6036	0.16155	0.16368	0.16573	0.16163	0.16152	0.16152	0.13503	0.13503	0.13511	0.13294
134	T	melanocyclusMJ9596	0.16359	0.16574	0.16782	0.16368	0.16369	0.16369	0.13719	0.13719	0.13727	0.13509
135	T	melanocyclusM011215	0.16364	0.16582	0.16787	0.16378	0.16345	0.16345	0.13713	0.13713	0.13719	0.13503
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.16357	0.16573	0.16778	0.16368	0.16348	0.16348	0.13707	0.13707	0.13713	0.13497
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.16364	0.16582	0.16787	0.16378	0.16345	0.16345	0.13713	0.13713	0.13719	0.13503
138	T	melanocyclusMJ8815	0.16155	0.16368	0.16573	0.16163	0.16152	0.16152	0.13503	0.13503	0.13511	0.13294
139	T	melanocyclusMJ090418	0.16155	0.16368	0.16573	0.16163	0.16152	0.16152	0.13503	0.13503	0.13511	0.13294
140	T	domingueziaeHQ667593	0.16981	0.16947	0.17158	0.16739	0.16067	0.16067	0.14374	0.14374	0.14610	0.14389
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.16981	0.16947	0.17158	0.16739	0.16067	0.16067	0.14374	0.14374	0.14610	0.14389
142	T	rufumLectotype1908USA	0.15921	0.15725	0.16149	0.15516	0.16008	0.16008	0.12896	0.12896	0.12905	0.12688

General time-reversible distance matrix (continued)

		81	82	83	84	85	86	87	88	89	90
81	T simulansMJ9064	-									
82	T simulansKnudsen01.70m	0.00496	-								
83	T simulansMJ7865	0.00165	0.00165	-							
84	T simulansMrazek1313	0.00165	0.00330	0.00000	-						
85	T simulansMJ3871	0.00662	0.00496	0.00331	0.00496	-					
86	T simulansMJ3844	0.00828	0.00662	0.00496	0.00662	0.00000	-				
87	T simulansMJ4902	0.00662	0.00496	0.00331	0.00496	0.00000	0.00165	-			
88	T simulansMJ5497	0.00828	0.00662	0.00496	0.00662	0.00000	0.00000	0.00165	-		
89	T aff.excentricumLong9369	0.10717	0.10711	0.10525	0.10528	0.10330	0.10513	0.10325	0.10513	-	
90	T brumaleMJ8372	0.06240	0.06239	0.06059	0.06063	0.06421	0.06597	0.06419	0.06597	0.09005	-
91	T brumaleMJ4597	0.06250	0.06249	0.06069	0.06073	0.06431	0.06607	0.06428	0.06607	0.09021	0.00000
92	T brumaleMJ7532	0.06240	0.06239	0.06059	0.06063	0.06421	0.06597	0.06419	0.06597	0.09005	0.00000
93	T brumaleFiny9	0.06250	0.06249	0.06069	0.06073	0.06431	0.06607	0.06428	0.06607	0.09021	0.00000
94	T brumaleBruzek1131229	0.06240	0.06239	0.06059	0.06063	0.06421	0.06597	0.06419	0.06597	0.09005	0.00000
95	T brumaleBruzek140112	0.06427	0.06425	0.06245	0.06249	0.06609	0.06785	0.06606	0.06785	0.09198	0.00165
96	T brumaleO58849	0.06240	0.06239	0.06059	0.06063	0.06421	0.06597	0.06419	0.06597	0.09005	0.00000
97	T brumaleMJ5785	0.06427	0.06425	0.06245	0.06249	0.06609	0.06785	0.06606	0.06785	0.09198	0.00165
98	T brumaleMJ6427	0.06058	0.06057	0.05878	0.05882	0.06238	0.06414	0.06235	0.06414	0.08811	0.00165
99	T sp.17AH13674	0.10050	0.10252	0.09874	0.09858	0.10463	0.10643	0.10455	0.10643	0.12037	0.09251
100	T sp.18MJ9046	0.07429	0.07236	0.07235	0.07240	0.07044	0.07223	0.07036	0.07223	0.10358	0.08760
101	T sp.20MJ5015	0.11408	0.11218	0.11209	0.11213	0.11442	0.11629	0.11431	0.11629	0.15236	0.12697
102	T eckbladii TRH9565	0.12329	0.12146	0.12134	0.12135	0.11933	0.12123	0.11924	0.12123	0.15461	0.12936
103	T eckbladiiO58850	0.12329	0.12146	0.12134	0.12135	0.11933	0.12123	0.11924	0.12123	0.15461	0.12936

104	T	giovanellaeMJ9059	0.11029	0.10851	0.10838	0.10837	0.11067	0.11254	0.11057	0.11254	0.13955	0.11911
105	T	caespitosum acaule	0.10831	0.10652	0.10641	0.10639	0.10868	0.11055	0.10859	0.11055	0.13746	0.11708
106	T	giovanellaeMJ8706	0.10624	0.10444	0.10433	0.10433	0.10658	0.10844	0.10649	0.10844	0.13525	0.11493
107	T	giovalellaeAH11641	0.10636	0.10457	0.10446	0.10445	0.10672	0.10859	0.10663	0.10859	0.13542	0.11510
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.08720	0.08514	0.08517	0.08528	0.08729	0.08907	0.08725	0.08907	0.12078	0.08228
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.08720	0.08514	0.08517	0.08528	0.08729	0.08907	0.08725	0.08907	0.12078	0.08228
110	T	beccarianumFiny2	0.09121	0.08910	0.08916	0.08927	0.09128	0.09307	0.09123	0.09307	0.12501	0.08624
111	T	sp.19Molia140115-2	0.09120	0.09109	0.08927	0.08936	0.08943	0.09123	0.08935	0.09123	0.13250	0.09342
112	T	niveumMJ7692	0.10103	0.09922	0.09912	0.09911	0.10134	0.10317	0.10123	0.10317	0.13531	0.10295
113	T	niveumMJ7699	0.10103	0.09922	0.09912	0.09911	0.10134	0.10317	0.10123	0.10317	0.13531	0.10295
114	T	calcareumBrelisO133	0.13888	0.13910	0.13687	0.13693	0.14129	0.14330	0.14118	0.14330	0.17080	0.13053
115	T	calcareumMJ7141	0.13888	0.13910	0.13687	0.13693	0.14129	0.14330	0.14118	0.14330	0.17080	0.13053
116	T	calcareumMJ2010	0.13888	0.13910	0.13687	0.13693	0.14129	0.14330	0.14118	0.14330	0.17080	0.13053
117	T	calcareumMJ8065	0.13888	0.13910	0.13687	0.13693	0.14129	0.14330	0.14118	0.14330	0.17080	0.13053
118	T	calcareumMJ6375	0.13888	0.13910	0.13687	0.13693	0.14129	0.14330	0.14118	0.14330	0.17080	0.13053
119	T	calcareumMJ6965	0.13888	0.13910	0.13687	0.13693	0.14129	0.14330	0.14118	0.14330	0.17080	0.13053
120	T	calcareumMJ6438	0.14296	0.14315	0.14091	0.14099	0.14534	0.14736	0.14524	0.14736	0.17511	0.13461
121	T	calcareumFiny4	0.13888	0.13910	0.13687	0.13693	0.14129	0.14330	0.14118	0.14330	0.17080	0.13053
122	T	subsquamosumMJ6002	0.14496	0.14520	0.14292	0.14301	0.14729	0.14931	0.14716	0.14931	0.17966	0.14103
123	T	subsquamosumMJ9336	0.14293	0.14315	0.14089	0.14099	0.14526	0.14726	0.14513	0.14726	0.17748	0.13901
124	T	subsquamosumMJ4945	0.14288	0.14313	0.14085	0.14094	0.14523	0.14724	0.14509	0.14724	0.17742	0.13896
125	T	subsquamosumAH19024	0.14288	0.14313	0.14085	0.14094	0.14523	0.14724	0.14509	0.14724	0.17742	0.13896
126	T	subsquamosumMJ6563	0.14288	0.14313	0.14085	0.14094	0.14523	0.14724	0.14509	0.14724	0.17742	0.13896
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.14501	0.14523	0.14295	0.14304	0.14737	0.14938	0.14723	0.14938	0.17967	0.14111
128	T	squamosumEL260-06	0.13589	0.13604	0.13383	0.13394	0.13812	0.14012	0.13801	0.14012	0.15922	0.13207
129	T	squamosumMrazek1300	0.13589	0.13604	0.13383	0.13394	0.13812	0.14012	0.13801	0.14012	0.15922	0.13207
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.13595	0.13614	0.13394	0.13406	0.13818	0.14020	0.13810	0.14020	0.16995	0.13206
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.13595	0.13614	0.13394	0.13406	0.13818	0.14020	0.13810	0.14020	0.16995	0.13206
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.13488	0.13499	0.13283	0.13294	0.13714	0.13910	0.13705	0.13910	0.15597	0.13108
133	T	melanocyclusMJ6036	0.13488	0.13499	0.13283	0.13294	0.13714	0.13910	0.13705	0.13910	0.15597	0.13108
134	T	melanocyclusMJ9596	0.13704	0.13714	0.13498	0.13509	0.13931	0.14127	0.13922	0.14127	0.15810	0.13320
135	T	melanocyclusM011215	0.13698	0.13708	0.13492	0.13503	0.13923	0.14119	0.13913	0.14119	0.15820	0.12904
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.13692	0.13701	0.13486	0.13497	0.13917	0.14113	0.13907	0.14113	0.15808	0.13313
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.13698	0.13708	0.13492	0.13503	0.13923	0.14119	0.13913	0.14119	0.15820	0.12904
138	T	melanocyclusMJ8815	0.13488	0.13499	0.13283	0.13294	0.13714	0.13910	0.13705	0.13910	0.15597	0.13108
139	T	melanocyclusMJ090418	0.13488	0.13499	0.13283	0.13294	0.13714	0.13910	0.13705	0.13910	0.15597	0.13108
140	T	domingueziaeHQ667593	0.14582	0.14597	0.14377	0.14389	0.14814	0.15011	0.14804	0.15011	0.17357	0.14355
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.14582	0.14597	0.14377	0.14389	0.14814	0.15011	0.14804	0.15011	0.17357	0.14355
142	T	rufumLectotype1908USA	0.12880	0.12896	0.12682	0.12688	0.13101	0.13298	0.13093	0.13298	0.16424	0.13082

General time-reversible distance matrix (continued)

	91	92	93	94	95	96	97	98	99	100
91 T brumaleMJ4597	-									
92 T brumaleMJ7532	0.00000	-								
93 T brumaleFiny9	0.00000	0.00000	-							
94 T brumaleBruzek1131229	0.00000	0.00000	0.00000	-						
95 T brumaleBruzek140112	0.00000	0.00165	0.00165	0.00165	-					
96 T brumaleO58849	0.00000	0.00000	0.00000	0.00000	0.00165	-				
97 T brumaleMJ5785	0.00165	0.00165	0.00165	0.00165	0.00331	0.00165	-			
98 T brumaleMJ6427	0.00165	0.00165	0.00165	0.00165	0.00331	0.00165	0.00331	-		
99 T sp.17AH13674	0.09267	0.09251	0.09267	0.09251	0.09450	0.09251	0.09450	0.09450	-	
100 T sp.18MJ9046	0.08772	0.08760	0.08772	0.08760	0.08957	0.08760	0.08957	0.08564	0.08203	-
101 T sp.20MJ5015	0.12493	0.12697	0.12721	0.12697	0.12478	0.12697	0.12923	0.12478	0.11434	0.10394
102 T eckbladii TRH9565	0.12959	0.12936	0.12959	0.12936	0.13155	0.12936	0.13155	0.12719	0.11066	0.10875
103 T eckbladiiO58850	0.12959	0.12936	0.12959	0.12936	0.13155	0.12936	0.13155	0.12719	0.11066	0.10875
104 T giovanellaeMJ9059	0.11935	0.11911	0.11708	0.11911	0.12128	0.11911	0.12128	0.11697	0.10024	0.09280
105 T caespitosum acaule	0.11731	0.11708	0.11504	0.11708	0.11924	0.11708	0.11924	0.11493	0.09826	0.09081
106 T giovanellaeMJ8706	0.11515	0.11493	0.11291	0.11493	0.11708	0.11493	0.11708	0.11280	0.09834	0.08878
107 T giovalellaeAH11641	0.11532	0.11510	0.11307	0.11510	0.11726	0.11510	0.11726	0.11296	0.09823	0.08891
108 T beccarianumBruzek140115-1	0.08238	0.08228	0.08238	0.08228	0.08432	0.08228	0.08432	0.08025	0.08640	0.06929
109 T beccarianumBruzek140115-2	0.08238	0.08228	0.08238	0.08228	0.08432	0.08228	0.08432	0.08025	0.08640	0.06929
110 T beccarianumFiny2	0.08635	0.08624	0.08635	0.08624	0.08830	0.08624	0.08830	0.08420	0.08639	0.06921
111 T sp.19Molia140115-2	0.09158	0.09342	0.09350	0.09342	0.09147	0.09342	0.09538	0.09147	0.09793	0.07127
112 T niveumMJ7692	0.10310	0.10295	0.10101	0.10295	0.10502	0.10295	0.10502	0.10091	0.11759	0.10103
113 T niveumMJ7699	0.10310	0.10295	0.10101	0.10295	0.10502	0.10295	0.10502	0.10091	0.11759	0.10103
114 T calcareumBrelisO133	0.13074	0.13053	0.13074	0.13053	0.13268	0.13053	0.12845	0.12845	0.13709	0.12117
115 T calcareumMJ7141	0.13074	0.13053	0.13074	0.13053	0.13268	0.13053	0.12845	0.12845	0.13709	0.12117
116 T calcareumMJ2010	0.13074	0.13053	0.13074	0.13053	0.13268	0.13053	0.12845	0.12845	0.13709	0.12117
117 T calcareumMJ8065	0.13074	0.13053	0.13074	0.13053	0.13268	0.13053	0.12845	0.12845	0.13709	0.12117
118 T calcareumMJ6375	0.13074	0.13053	0.13074	0.13053	0.13268	0.13053	0.12845	0.12845	0.13709	0.12117
119 T calcareumMJ6965	0.13074	0.13053	0.13074	0.13053	0.13268	0.13053	0.12845	0.12845	0.13709	0.12117
120 T calcareumMJ6438	0.13483	0.13461	0.13483	0.13461	0.13677	0.13461	0.13252	0.13252	0.14106	0.12524
121 T calcareumFiny4	0.13074	0.13053	0.13074	0.13053	0.13268	0.13053	0.12845	0.12845	0.13709	0.12117
122 T subsquamosumMJ6002	0.14128	0.14103	0.14128	0.14103	0.14315	0.14103	0.14315	0.13895	0.16588	0.13964
123 T subsquamosumMJ9336	0.13925	0.13901	0.13925	0.13901	0.14114	0.13901	0.14114	0.13693	0.16376	0.13749
124 T subsquamosumMJ4945	0.13920	0.13896	0.13920	0.13896	0.14108	0.13896	0.14108	0.13689	0.16385	0.13749
125 T subsquamosumAH19024	0.13920	0.13896	0.13920	0.13896	0.14108	0.13896	0.14108	0.13689	0.16385	0.13749
126 T subsquamosumMJ6563	0.13920	0.13896	0.13920	0.13896	0.14108	0.13896	0.14108	0.13689	0.16385	0.13749
127 T subsquamosumMJ9305Sp	0.14136	0.14111	0.14136	0.14111	0.14327	0.14111	0.14327	0.13903	0.16385	0.13965

128	T	squamosumEL260-06	0.13231	0.13207	0.13231	0.13207	0.13418	0.13207	0.13418	0.13002	0.14878	0.11411
129	T	squamosumMrazek1300	0.13231	0.13207	0.13231	0.13207	0.13418	0.13207	0.13418	0.13002	0.14878	0.11411
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.13224	0.13206	0.13224	0.13206	0.13414	0.13206	0.13414	0.12998	0.14645	0.12026
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.13224	0.13206	0.13224	0.13206	0.13414	0.13206	0.13414	0.12998	0.14645	0.12026
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.13132	0.13108	0.13132	0.13108	0.13323	0.13108	0.13323	0.12902	0.15143	0.11302
133	T	melanocyclusMJ6036	0.13132	0.13108	0.13132	0.13108	0.13323	0.13108	0.13323	0.12902	0.15143	0.11302
134	T	melanocyclusMJ9596	0.13346	0.13320	0.13346	0.13320	0.13537	0.13320	0.13537	0.13113	0.15359	0.11519
135	T	melanocyclusM011215	0.12928	0.12904	0.12928	0.12904	0.13118	0.12904	0.13118	0.12699	0.15349	0.11513
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.13337	0.13313	0.13337	0.13313	0.13528	0.13313	0.13528	0.13106	0.15344	0.11501
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.12928	0.12904	0.12928	0.12904	0.13118	0.12904	0.13118	0.12699	0.15349	0.11513
138	T	melanocyclusMJ8815	0.13132	0.13108	0.13132	0.13108	0.13323	0.13108	0.13323	0.12902	0.15143	0.11302
139	T	melanocyclusMJ090418	0.13132	0.13108	0.13132	0.13108	0.13323	0.13108	0.13323	0.12902	0.15143	0.11302
140	T	domingueziaeHQ667593	0.14385	0.14355	0.14385	0.14355	0.14576	0.14355	0.14576	0.14134	0.15150	0.12984
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.14385	0.14355	0.14385	0.14355	0.14576	0.14355	0.14576	0.14134	0.15150	0.12984
142	T	rufumLectotype1908USA	0.13107	0.13082	0.13107	0.13082	0.13299	0.13082	0.13299	0.12869	0.13089	0.11875

General time-reversible distance matrix (continued)

		101	102	103	104	105	106	107	108	109	110	
101	T	sp.20MJ5015	-									
102	T	eckbladii TRH9565	0.07831	-								
103	T	eckbladiiO58850	0.07831	0.00000	-							
104	T	giovanellaeMJ9059	0.07571	0.04660	0.04660	-						
105	T	caespitosum acaule	0.07381	0.04477	0.04477	0.00173	-					
106	T	giovanellaeMJ8706	0.07180	0.04669	0.04669	0.00345	0.00173	-				
107	T	giovalellaeAH11641	0.07191	0.04481	0.04481	0.00173	0.00000	0.00000	-			
108	T	beccarianumBruzek140115-1	0.10712	0.11769	0.11769	0.10592	0.10397	0.10179	0.10202	-		
109	T	beccarianumBruzek140115-2	0.10712	0.11769	0.11769	0.10592	0.10397	0.10179	0.10202	0.00000	-	
110	T	beccarianumFiny2	0.10695	0.11985	0.11985	0.10571	0.10374	0.10158	0.10180	0.00343	0.00343	-
111	T	sp.19Molia140115-2	0.09626	0.11596	0.11596	0.09933	0.09736	0.09530	0.09549	0.06945	0.06945	0.06939
112	T	niveumMJ7692	0.08025	0.08356	0.08356	0.08356	0.08156	0.07958	0.07968	0.10015	0.10015	0.10426
113	T	niveumMJ7699	0.08025	0.08356	0.08356	0.08356	0.08156	0.07958	0.07968	0.10015	0.10015	0.10426
114	T	calcareumBrelISO133	0.14194	0.12643	0.12643	0.13321	0.13109	0.13339	0.13129	0.11900	0.11900	0.12337
115	T	calcareumMJ7141	0.14194	0.12643	0.12643	0.13321	0.13109	0.13339	0.13129	0.11900	0.11900	0.12337
116	T	calcareumMJ2010	0.14194	0.12643	0.12643	0.13321	0.13109	0.13339	0.13129	0.11900	0.11900	0.12337
117	T	calcareumMJ8065	0.14194	0.12643	0.12643	0.13321	0.13109	0.13339	0.13129	0.11900	0.11900	0.12337
118	T	calcareumMJ6375	0.14194	0.12643	0.12643	0.13321	0.13109	0.13339	0.13129	0.11900	0.11900	0.12337
119	T	calcareumMJ6965	0.14194	0.12643	0.12643	0.13321	0.13109	0.13339	0.13129	0.11900	0.11900	0.12337
120	T	calcareumMJ6438	0.14615	0.13057	0.13057	0.13733	0.13520	0.13752	0.13541	0.12306	0.12306	0.12744
121	T	calcareumFiny4	0.14194	0.12643	0.12643	0.13321	0.13109	0.13339	0.13129	0.11900	0.11900	0.12337

126	T	subsquamosumMJ6563	0.14477	0.14218	0.14218	0.05552	0.05552	0.05552	0.05552	0.05552	0.05552	0.05885
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.14477	0.14433	0.14433	0.05897	0.05897	0.05897	0.05897	0.05897	0.05897	0.06232
128	T	squamosumEL260-06	0.13579	0.13341	0.13341	0.05711	0.05711	0.05711	0.05711	0.05711	0.05711	0.06047
129	T	squamosumMrizek1300	0.13579	0.13341	0.13341	0.05711	0.05711	0.05711	0.05711	0.05711	0.05711	0.06047
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.13780	0.12688	0.12688	0.04534	0.04534	0.04534	0.04534	0.04534	0.04534	0.04865
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.13780	0.12688	0.12688	0.04534	0.04534	0.04534	0.04534	0.04534	0.04534	0.04865
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.13035	0.12182	0.12182	0.05220	0.05220	0.05220	0.05220	0.05220	0.05220	0.05554
133	T	melanocyclusMJ6036	0.13035	0.12182	0.12182	0.05220	0.05220	0.05220	0.05220	0.05220	0.05220	0.05554
134	T	melanocyclusMJ9596	0.13245	0.12407	0.12407	0.05394	0.05394	0.05394	0.05394	0.05394	0.05394	0.05729
135	T	melanocyclusM011215	0.13242	0.12401	0.12401	0.05389	0.05389	0.05389	0.05389	0.05389	0.05389	0.05724
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.13234	0.12389	0.12389	0.05388	0.05388	0.05388	0.05388	0.05388	0.05388	0.05723
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.13242	0.12401	0.12401	0.05389	0.05389	0.05389	0.05389	0.05389	0.05389	0.05724
138	T	melanocyclusMJ8815	0.13035	0.12182	0.12182	0.05220	0.05220	0.05220	0.05220	0.05220	0.05220	0.05554
139	T	melanocyclusMJ090418	0.13035	0.12182	0.12182	0.05220	0.05220	0.05220	0.05220	0.05220	0.05220	0.05554
140	T	domingueziaeHQ667593	0.14273	0.14085	0.14085	0.06838	0.06838	0.06838	0.06838	0.06838	0.06838	0.07173
141	T	domingueziaeHQ667593HQ667590	0.14273	0.14085	0.14085	0.06838	0.06838	0.06838	0.06838	0.06838	0.06838	0.07173
142	T	rufumLectotype1908USA	0.12840	0.12548	0.12548	0.06683	0.06683	0.06683	0.06683	0.06683	0.06683	0.07025

General time-reversible distance matrix (continued)

		121	122	123	124	125	126	127	128	129	130	
121	T	calcareumFiny4	-									
122	T	subsquamosumMJ6002	0.05901	-								
123	T	subsquamosumMJ9336	0.05728	0.00469	-							
124	T	subsquamosumMJ4945	0.05552	0.00470	0.00312	-						
125	T	subsquamosumAH19024	0.05552	0.00470	0.00312	0.00000	-					
126	T	subsquamosumMJ6563	0.05552	0.00470	0.00312	0.00000	0.00000	-				
127	T	subsquamosumMJ9305Sp	0.05897	0.00787	0.00626	0.00313	0.00313	0.00313	-			
128	T	squamosumEL260-06	0.05711	0.04228	0.04394	0.04065	0.04065	0.04065	0.04413	-		
129	T	squamosumMrizek1300	0.05711	0.04228	0.04394	0.04065	0.04065	0.04065	0.04413	0.00000	-	
130	T	sp. HQ667595 HQ667598	0.04534	0.05869	0.05869	0.05865	0.05865	0.05865	0.06211	0.06047	0.06047	-
131	T	sp. HQ667596 HQ667599	0.04534	0.05869	0.05869	0.05865	0.05865	0.05865	0.06211	0.06047	0.06047	0.00000
132	T	melanocyclusKnudsen00.314	0.05220	0.05550	0.05723	0.05386	0.05386	0.05386	0.05734	0.04683	0.04683	0.05386
133	T	melanocyclusMJ6036	0.05220	0.05550	0.05723	0.05386	0.05386	0.05386	0.05734	0.04683	0.04683	0.05386
134	T	melanocyclusMJ9596	0.05394	0.05725	0.05898	0.05561	0.05561	0.05561	0.05911	0.04854	0.04854	0.05561
135	T	melanocyclusM011215	0.05389	0.05547	0.05719	0.05383	0.05383	0.05383	0.05731	0.04851	0.04851	0.05557
136	T	melanocyclusBohlin050529	0.05388	0.05718	0.05892	0.05553	0.05553	0.05553	0.05901	0.04850	0.04850	0.05555
137	T	melanocyclusSAH08-247	0.05389	0.05547	0.05719	0.05383	0.05383	0.05383	0.05731	0.04851	0.04851	0.05557
138	T	melanocyclusMJ8815	0.05220	0.05550	0.05723	0.05386	0.05386	0.05386	0.05734	0.04683	0.04683	0.05386
139	T	melanocyclusMJ090418	0.05220	0.05550	0.05723	0.05386	0.05386	0.05386	0.05734	0.04683	0.04683	0.05386

13322T striatumFritz2010-2 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACATCCGTCATTTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13283T striatumAH15543 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACATCCGTCATTTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13346T fimbriatumMJ8773 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
13349T fimbriatumMånsson991010 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
13344T fimbriatumMJ7332 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
13348T fimbriatumMJ060330Bl TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
13351T fimbriatumMJ7025 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
14038T fimbriatumMJ7926 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
14042T fimbriatumFiny8 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
14049T fimbriatumMJ7372 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
14052T fimbriatumNJ7351 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
13352T campestreKnudsen00190Russ TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
13350T campestreKnudsen0171Russi TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
14055T sp.4Finy12 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATATTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
15047T winterhoffiATLAS SOJ15 69 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
14242T winterhoffiZFM74 2 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
14037T winterhoffiMJ7761 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
4075Tul winterhoffiMJ2379 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
14047T sp.3MJ4935 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCACCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
14048T sp.1MJ7762 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
14036T sp.2MJ8710 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13347T cf fimbriatumMJ8701Spain TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13314T cyclophorumRLowen99Spain TTGAATAAACTTGACGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACACTTGTATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13278T cyclophorumAH16885 TTGAATAAACTTGACGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACACTTGTATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13284T cyclophorumAH19564 TTGAATAAACTTGACGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACACTTGTATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13174T cyclophorumMJ8862 TTGAATAAACTTGACGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACACTTGTATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13169T obesumMJ8695 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACATCTGTCATTTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13177T obesumMJ8707 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACATCTGTCATTTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13280T obesumAH20901 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACATCTGTCATTTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13275T lloydiiAH31155 TTGAATAGACCTGATGGGTTTGTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13319T Lloydii Lahti201210 TTGAATAGACCTGATGGGTTTGTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
9120T fulvellumKabat970428 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGAAGCGTATGCACGCCTTTCATCTTTATCTATCCACCTGTGCATCTTTTGTAGT
13323T grandisporumMJ6633 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACACCTGTCATATTTATC-ATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
14040T grandisporumMJ8907 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATATTTATC-ATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
14041T grandisporumMJ8793 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATATTTATC-ATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
14045T grandisporumFiny10 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATATTTATC-ATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
14068T grandisporumBruzek131208 TTGAATAAACTTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATATTTATC-ATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13330T leiosporumKnudsen99 337Ru TTGAATAAACTTGGTCAG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACACCTGTCATCTTTATCTCATCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
13281T cfpseudopulchellumAH11603 TTGAATAAACTTGGTGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TCGGAGCATGTGCACGCCTATCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
16080T pseudopulchellumAH11605Ty TTGAATAAACTTGGTGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TCGGAGCATGTGCACGCCTATCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT

14742T pannonicumMJ990617a TTGAATAAACTTGGTGGG--TTGTTGCTGGCTTT--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
14744T pannonicumMJ8715 TTGAATAAACTTGGTGGG--TTGTTGCTGGCTTT--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
14756T pannonicumMJ7764 TTGAATAAACTTGGTGGG--TTGTTGCTGGCTTT--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
14050T pannonicumMJ7803 TTGAATAAACTTGGTGGG--TTGTTGCTGGCTTT--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTCTGTAGT
16079T submembranaceumAH15132Ty TTGAATAAACTGACGGG--TTGTCGCTGGCTCCTAACGGAGTATGTGCACACTTGTGCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13170T sp.15MJ9295 TTGAATAAACTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTG--TAAAGCATTGTCACGCCTGTCATCTTTATCCGTCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13312T pseudopulchellumMJ9296Spa TTGAATAAACTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTG--TAAAGCATTGTCACGCCTGTCATCTTTATCCGTCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
14743T sp.15MJ660617b TTGAATAAACTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTG--TAAAGCATTGTCACGCCTGTCATCTTTATCCGTCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
14753T sp.10MJ3813 TTGAATAAACTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
13334T sp.10MJ6198 TTGAATAAACTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
13315T caespitosumMJ881114Spain TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTTTCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
13258T sp.12AH15040 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTTTCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
15049T sp.13Long11161 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTATCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
14755T sp.9MJ3787 TTGAATAAACTTATGAG--TTGTTGCTGGCTCT--TAGGAGCATGTGCACGCCTTGTGCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
13342T cf kotlabaeMJ4966Hungary TTGAATAAACTTATGAG--TTGTTGCTGGCTCT--TAGGAGCATGTGCACGCCTTGTGCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
13343T cf kotlabaeMJ4976Hungary TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTTTCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
14043T sp.7Finyl TTGAATAAACTTATAGG--TTGTTGCTGGCTCT--TAGGAGCATGTGCACACTTGTGCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCAATGTAGT
14747T sp.8MJ3830 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTCT--TAGGAGCATGTGCACACTTGTGCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
14754T sp.8MJ6081 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTCT--TAGGAGCATGTGCACACTTGTGCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
13337T cf.kotlabaeMJ7795Hungary TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTCT--TAGGAGCATGTGCACACTTGTGCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
14748T kotlabaeBoertmann79074 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTCT--TAGGAGCATGTGCACGCCTTGTGCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
13336T kotlabaeMJ5597 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTCT--TAGGAGCATGTGCACGCCTTGTGCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
13338T kotlabaeMJ9585 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTCT--TAGGAGCATGTGCACGCCTTGTGCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
13340T kotlabaeMJ7187 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTCT--TAGGAGCATGTGCACGCCTTGTGCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
14073T kotlabaePavell140118 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTCT--TAGGAGCATGTGCACGCCTTGTGCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCTTATGTAGT
13316T obseumKnudsen01 07Russia ATGAATAAACTTATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13318T aff. cretaceumMJ3821 ATGAATAAACTTATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13317T aff. cretaceumMJ6194 ATGAATAAACTTATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--AAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13274T aff. cretaceumAH3995 ATGAATAAACTTATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--AAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13176T aff. cretaceumMJ9304 ATGAATAAACTTATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--AAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
15185T sp.5MJ10060 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTT--CAGGAGCATATGCACGCCTGTTATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
14071T sp.5Bruzek131207 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTT--CAGGAGCATATGCACGCCTGTTATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
14075T cf beccarianumBruzen13120 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--GTAGAAGTATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
14076T cf beccarianumBruzen14021 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--GTAGAAGTATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
14749T simulansMJ040221 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--GTAGAAGTATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13276T simulansAH15633 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--GTAGAAGTATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13332T simulansMJ9064 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--GTAGAAGTATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13335T moraveciiKnudsen01 70Russ TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--GTAGAAGTATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
13331T simulansMJ7865 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--GTAGAAGTATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT
14244T simulansMrazek1313 TTGAATAAACTTATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--GTAGAAGTATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCTTTTGTAGT

13328T simulansMJ3871 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC-GTAGAAGTATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
13329T simulansMJ3844 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC-GTAGAAGTATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
14751T simulansMJ4902 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC-GTAGAAGTATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
14752T simulansMJ5497 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC-GTAGAAGTATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
15048T aff.excentricumLong9369 TTGAATAAACCTGATAGG--TTCGTGCTGGTTCTCTGGGCACATGCACACGCCTGTCATCTTTATCTATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
14750T brumaleMJ8372 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC-CGGGAAGTATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
14745T brumaleMJ4597 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC-CGGGAAGTATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
14746T brumaleMJ7532 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC-CGGGAAGTATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
14044T brumaleFiny9 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC-CGGGAAGTATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
14074T brumaleBruzek1131229 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC-CGGGAAGTATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
14072T brumaleBruzek140112 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC-CGGGAAGTATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
9118T brumaleO58849 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC-CGGGAAGTATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
4080T brumaleMJ5785 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC-CGGGAAGTATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
13327T brumaleMJ6427 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC-CGGGAAGTATGTGCACACCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
13282T sp.17AH13674 TTGAATAAACCTGATCGG--TTGTTGCTGGCTTC--CAGGAGCATGTGCACGCCTATCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
13175T sp.18MJ9046 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTATCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
13333T sp.20MJ5015 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTTATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
9117T eckbladii TRH9565 TTGAATAAAC-TGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTTATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
9119T ekbladiiSivertsen930717TRH TTGAATAAAC-TGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTTATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
13171T giovanellaeMJ9059 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTATCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
717Tul caespitosum acauleNeotype TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTATCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
13313T giovanellaeMJ8706 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTATCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
13279T giovalellaeAH11641 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTATCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
14069T beccarianumBruzek140115-1 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
14070T beccarianumBruzek140115-2 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
14046T beccarianumFiny2 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
14054T cfbeccarianumMolia2014Cyp TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGTAAGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
10022T niveumMJ7692 TTGAGTAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
10023T niveumMJ7699 TTGAGTAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
13320T calcareumBrelisO133 TTGAATAAACCTGATAGG--CTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
9121T calcareumMJ7141 TTGAATAAACCTGATAGG--CTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
13173T calcareumMJ2010 TTGAATAAACCTGATAGG--CTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
9122T calcareumMJ8065 TTGAATAAACCTGATAGG--CTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
4076T calcareumMJ6375 TTGAATAAACCTGATAGG--CTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
5064Tul aff squamosumMJ6965Sodem TTGAATAAACCTGATAGG--CTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
5065T calcareumMJ6438 TTGAATCAACCTGATAGG--CTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
14053T calcareumFiny4 TTGAATAAACCTGATAGG--CTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACCCTTTGTAGT
5069T aff squamosumMJ6002UngSvag TTGAACAAACCTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
13311T subsquamosumMJ9336 TTGAACAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
4087T subsquamosumMJ4945 TTGAACAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT

5062T subsquamosumAH19024 TTGAACAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
5066T subsquamosumMJ6563 TTGAACAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
13309T subsquamosumMJ9305Sp TTGAACAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
9124T squamosumEL260-06 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
4073T squamosumMrazek1300 DQ4157 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
Tulostoma sp HQ667595 HQ667598Ar TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTATCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
Tulostoma sp HQ667596 HQ667599Ar TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTATCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
13310T melanocyclusKnudsenC64727 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
4084T melanocyclusMJ6036 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
13321T melanocyclusMJ9596France TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
4077T melanocyclusM011215 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
9125T melanocyclusMJ AKB05052901 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
9126T melanocyclusSAH08-247 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
9127T melanocyclusMJ8815 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
9123T melanocyclusMJ090418 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
T domingueziaeHQ667593 TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTTGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
T domingueziaeHQ667593 HQ667597 TTGAATAAACCTGATAAG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT
13191T rufumLectotype1908USA TTGAATAAACCTGATGGG--TTGTCGCTGGCTTC--TAGGAGCATGTGCACGCCTGTCATCTTTATCCATCCACCTGTGCACACTTTGTAGT

Input data matrix (continued):

Taxon	9	0	1	2	3	4	5	6	7	8	8		
13345T subfuscumMJ7472Slov	C	-	TTGGAT	--	TAATGA	-	GCGCGT	GTTC	-----	-----	-----	A	
15360T punctatumMJ10058	C	-	TTGGAT	--	TAATGA	-	GCGCGT	GTTC	-----	-----	-----	A	
13353T pulchellumFritz2010-1	C	TTTGGAG	-	GTAATAA	-	GCGTGAATCT	---	ATCGAGGT	CCTCTGGT	-----	CCTCGGAAAGAGGT	-----	GTTTGCCATATGGC
13277T pulchellumAH12967	C	TTTGGAG	-	GTAATAA	-	GCGTGAATCT	---	ATCGAGGT	CCTCTGGT	-----	CCTCGGAAAGAGGT	-----	GTTTGCCATATGGC
13322T striatumFritz2010-2	C	TTTGGAG	-	ATAATGA	-	GCGTGAATCT	---	ATCGAGGT	CTCC	-----	TCGGAAAGAGGT	-----	GTTTGCCATATGGC
13283T striatumAH15543	C	TTTGGAG	-	ATAATGA	-	GCGTGAATCT	---	ATCGAGGT	CTCC	-----	TCGGAAAGAGGT	-----	GTTTGCTGTATGGC
13346T fimbriatumMJ8773	C	-	TTGGAG	-	TAAATGA	-	GCGTGAAACT	--	TGTCGAGGTAA	-----	ACTCGGAAAGAGG	-----	TCTGCC
13349T fimbriatumMånsson991010	C	-	TTGGAG	-	TAAATGA	-	ACGTGAAACT	--	TGTCGGGGTAAACCAATTCATTTGGT	-----	CCTCGGAAGGAGG	-----	TCTGCCATGCGAA-A
13344T fimbriatumMJ7332	C	-	TTGGAG	-	TAAATGA	-	ACGTGAAACT	--	TGTCGGGGTAAACCAATTCATTTGGT	-----	CCTCGGAAGGAGG	-----	CCTGCCATGCGAA-A
13348T fimbriatumMJ060330Bl	C	-	TTGGAG	-	TAAATGA	-	ACGTGAAACT	--	TGTCGGGGTAAACCAATTCATTTGGT	-----	CCTCGGAAGGAGG	-----	CCTGCCATGCGAA-A
13351T fimbriatumMJ7025	C	-	TTGGAG	-	TAAATGA	-	ACGTGAAACT	--	TGTCGGGGTAAACCAATTCATTTGGT	-----	CCTCGGAAGGAGG	-----	CCTGCCATGCGAA-A
14038T fimbriatumMJ7926	C	-	TTGGAG	-	TAAATGA	-	ACGTGAAACT	--	TGTCGGGGTAAACCAATTCATTTGGT	-----	CCTCGGAAGGAGG	-----	CCTGCCATGCGAA-A
14042T fimbriatumFiny8	C	-	TTGGAG	-	TAAATGA	-	ACGTGAAACT	--	TGTCGGGGTAAACCAATTCATTTGGT	-----	CCTCGGAAGGAGG	-----	CCTGCCATGCGAA-A
14049T fimbriatumMJ7372	C	-	TTGGAG	-	TAAATGA	-	ACGTGAAACT	--	TGTCGGGGTAAACCAATTCATTTGGT	-----	CCTCGGAAGGAGG	-----	CCTGCCATGCGAA-A
14052T fimbriatumNJ7351	C	-	TTGGAG	-	TAAATGA	-	ACGTGAAACT	--	TGTCGGGGTAAACCAATTCATTTGGT	-----	CCTCGGAAGGAGG	-----	CCTGCCATGCGAA-A

13352T campestreKnudsen00190Russ C-TTGGAG-TTAATGA-ACGTGAAACT--TGTCGGGGTAAACCAATTCATTGGT--CCTCGGAAAGGAGG-----CCTGCCATGCGAA-A
13350T campestreKnudsen0171Russi C-TTGGAG-TTAATGA-GCGTGAAACT--TGTCGGGGTAAACCAATTCATTGGT--CCTCGGAAAGGAGG-----CCTGCTATGCGAA-A
14055T sp.4Finy12 C-TTGGAG--TAATGA-GTGTGAAACT--TATCGGGGAACGACTTCATTGACGTTTCCTCGGAAAGTGGG----CTTGCCACGCAAGTGCC--
15047T winterhoffiATLAS SOJ15 69 C-TTGGAG-GTAATGA-GCGTGAAACT--CGTCGGGGTAAACCAATTTATTGGT--CCTCGGAAAGAGG-----CCTGCCACACGAA-A
14242T winterhoffizFM74 2 C-TTGGAG-GTAATGA-GCGTGAAACT--CGTCGGGGTAAACCAATTTATTGGT--CCTCGGAAAGAGG-----CCTGCCACACGAA-A
14037T winterhoffiMJ7761 C-TTGGAG-GTAATGA-GCGTGAAACT--CGTCGGGGTAAACCAATTTATTGGT--CCTCGGAAAGAGG-----CCTGCCACACGAA-A
4075Tul winterhoffiMJ2379 C-TTGGAG-GTAATGA-GCGTGAAACT--CGTCGGGGTAAACCAATTTATTGGT--CCTCGGAAAGAGG-----CCTGCCACACGAA-A
14047T sp.3MJ4935 C-TTGGAG-ATAATGA-GCGTGAAACT--TGTCGGGGTAAACCAATTCATTGGT--CCTCGGAAAGAGG-----CTTGCCACACGAA-A
14048T sp.1MJ7762 C-TTGGAG--TTATGA-GCGTGAAACC--GTCGAGGGATAAACCAATC-----CTTCGGAGAATAGG-----TTTGCTGCGCGAA-A
14036T sp.2MJ8710 C-TTGGAG-GTAATGA-GCGTGAACAT--TTCGAAGGATATCTTATCC-----TTCGGAGAATAGG-----TCTGCTATGCGAA-A
13347T cf fimbriatumMJ8701Spain C-TTGGAG-GTAATGA-GCGTGAACAT--TTCGAAGGATATCTTATCC-----TTCGGAGAATAGG-----TCTGCTATGCGAA-A
13314T cyclophorumRLowen99Spain CTTTAGAG--TAATGA-GCGTGAAACA---GTCGGGGAATCTAATT-----CTTCGGAGAATAGG-----TCTGCTACACGAA-A
13278T cyclophorumAH16885 CTTTAGAG--TAATGA-GCGTGAAACA---GTCGGGGAATCTAATT-----CTTCGGAGAATAGG-----TCTGCTACACGAA-A
13284T cyclophorumAH19564 CTTTAGAG--TAATGA-GCGTGAAACA---GTCGGGGAATCTAATT-----CTTCGGAGAATAGG-----TCTGCTACACGAA-A
13174T cyclophorumMJ8862 CTTTAGAG--TAATGA-GCGTGAAACA---GTCGGGGAATCTAATT-----CTTCGGAGAATAGG-----TCTGCTACACGAA-A
13169T obesumMJ8695 C-TTGGAG--TAATGA-GCATGAAACT---ATCGGGGACCAACTTGGT-----TCTCGGAGAATAGG-----TCTGCTACACGAA-A
13177T obesumMJ8707 C-TTGGAG--TAATGA-GCATGAAACT---ATCGGGGACCAACTTGGT-----TCTCGGAGAATAGG-----TCTGCTACACGAA-A
13280T obesumAH20901 C-TTGGAG--TAATGA-GCATGAAACT---ATCGGGGACCAACTTGGT-----TCTCGGAGAATAGG-----TCTGCTACACGAA-A
13275T lloydiiAH31155 C-TTAGAG-GTAATGA-GCGTGCAAAAT---TTCGAGGAATGCT-----CCTCGGAGAAAAAAGGGGGTCTTGCCACACCTGCA
13319T Lloydii Lahti201210 C-TTAGAG-GTAATGA-GCGTGCAAAAT---TTCGAGGAATGCT-----CCTCGGAGAAAAAAGGGGGTCTTGCCACACCTGCA
9120T fulvellumKabat970428 C-TTAGAG-GTGACGA-GCGTAAAAC---ATCGAGGAATCT-----TTCCTCGGAAAAAGGGG---GTCGTTGCCATGCGCA-A
13323T grandisporumMJ6633 C-TTAGAG-GTAATGA-GCGTGAAACT--TGTCGAGGATAACCAATTAATTGGA--CCTCGGAAAAGGAA-----TCTTGCCACGCGAA-A
14040T grandisporumMJ8907 C-TTAGAG-GTAATGA-GCGTGAAATT--TGTCGAGGATAACCAATTCATTGGA--CCTCGGAAAAGGAA-----TCTGCTACGCGAA-A
14041T grandisporumMJ8793 C-TTAGAG-GTAATGA-GCGTGAAACT--TGTCGAGGATAACCAATTCATTGGA--CCTCGGAAAAGGAA-----TCTTGCCACGCGAA-A
14045T grandisporumFiny10 C-TTAGAG-GTAATGA-GCGTGAAATT--TGTCGAGGATAACCAATTCATTGGA--CCTCGGAAAAGGAA-----TCTTGCTACGCGAA-A
14068T grandisporumBruzek131208 C-TTAGAG-GTAATGA-GCGTGAAATT--TGTCGAGGATAACCAATTCATTGGA--CCTCGGAAAAGGAA-----TCTTGCTACGCGAA-A
13330T leiosporumKnudsen99 337Ru C-TTGGGG-GTAATGA-ACGTGGAAC-----CGAGGGAAAACCAATTTATTGGTCTCGGAAAAGATGA---GGTATTGCTATACAC-A
13281T cfpseudopulchellumAH11603 T-TTGGTA-GGAATGA-GCGTGCAACT--TCTCGAGGGATTA-----CCTCAGAGAATGGGA---GGCCTGCCACACGCA-T
16080T pseudopulchellumAH11605Ty T-TTGGTA-GGAATGA-GCGTGCAACT--TCTCGAGGGATTA-----CCTCAGAGAATGGGA---GGCCTGCCACACGCA-T
14742T pannonicumMJ990617a T-TTGGAA-GGAATGA-GCGTGCAGCT--TCTCGAGGGACAA-----CCTCGGAGTATAGG-----GCTTGCCACACGAG-A
14744T pannonicumMJ8715 T-TTGGAA-GGAATGA-GCGTGCAGCT--TCTCGAGGGACAA-----CCTCGGAGTATAGG-----GCTTGCCACACGAG-A
14756T pannonicumMJ7764 T-TTGGAA-GGAATGA-GCGTGCAGCT--TCTCGAGGGACAA-----CCTCGGAGTATAGG-----GCTTGCCACACGAG-A
14050T pannonicumMJ7803 T-TTGGAA-GGAATGA-GCGTGCAGCT--TCTCGAGGGACAA-----CCTCGGAGTATAGG-----GCTTGCCACACGAG-A
16079T submembranaceumAH15132Ty C-TTGGAG-GAAATAA-GCAGGAAAATG-TCGAGGGAATACCAATTCGTTGGTTC-CCTCGGAAAATGAGG-----CCTGCCACGCGAG-A
13170T sp.15MJ9295 C-TTGGAG-GATATGA-GCGTAAGGCTG-TCTCGAGGAAAAGACCAAT-----CCTCGGAAAAGAGG-----TCTGCCACACGAG-A
13312T pseudopulchellumMJ9296Spa C-TTGGAG-GATATGA-GCGTAAGGCTG-TCTCGAGGAAAAGACCAAT-----CCTCGGAAAAGAGG-----TCTGCCACACGAG-A
14743T sp.15MJ660617b C-TTGGAG-GATATGA-GCGTAGGCTG-TCTCGAGGAAAAGACCAAT-----CCTCGGAAAAGAGG-----TCTGCCAC-----
14753T sp.10MJ3813 CTTTGGAG-TTAATGA-GTGCGAAAACATAATCGAGGATTCC-----TCGGAAAAGAGGC-----CTTACCGTGC GCG-A
13334T sp.10MJ6198 CTTTGGAG-GTAACGA-GTGCACGACAGAAATCGAGGTTTCC-----TCGGAAAAGAGGC-----CATAACCGTGC GCG-A
13315T caespitosumMJ881114Spain CTCTGGAG-GTAATGA-GTGCGAGAACATAATCGAGGATTCC-----TCGGAGAGAGGC-----CTTACCATGC GCG-A

13258T	sp.12AH15040	CTCTGGAG-GTAATGA-GTGCAGAACATAATCGAGGATTCC-----TCGGAGAGAGGC-----CTTACCATGCGCG-A
15049T	sp.13Long11161	CTTTGGAG-GTAATGA-GTGCAGAAATCTTAATCGAGGATCAAT-----CCTCGGAGAGAGGC-----CTTACCATGCGCG-A
14755T	sp.9MJ3787	CTTTGGAG-TTAACGAAGCGTGAAACY--AATCGAGGATTCC-----CTCGGAAAAGAGG-----TTTGCTGCGCGTG-A
13342T	cf kotlabaeMJ4966Hungary	CTTTGGAG-TTAACGAAGCGTGAAACT--AATCGAGGATTCC-----CTCGGAAAAGAGG-----TTTGCTGCGCGTG-A
13343T	cf kotlabaeMJ4976Hungary	CTTTGGAG-TTAACGAAGCGTGAAACC--AATCGAGGATTCC-----CTCGGAAAAGAGG-----TTTGCTGCGCGTG-A
14043T	sp.7Finyl	CTTTGGAG-GTGATAA-GCGTGAAGCT---ATCGAGGAATAACG-----CCTCGGAAGTGGG-----TCTGCTGCGTG-A
14747T	sp.8MJ3830	CTTTTGGAGGTAACGA-GCGTGAA-----
14754T	sp.8MJ6081	CTTTTGGAGGTAACGA-GCGTGAA-----
13337T	cf kotlabaeMJ7795Hungary	CTTTTGGAGGTAACGA-GCGTGAA-----
14748T	kotlabaeBoertmann79074	CTTTTGGAG-GTAACGA-GTGTGAA-----
13336T	kotlabaeMJ5597	CTTTTGGAG-GTAACGA-GTGTGAA-----
13338T	kotlabaeMJ9585	CTTTTGGAG-GTAACGA-GTGTGAA-----
13340T	kotlabaeMJ7187	CTTTTGGAG-GTAACGA-GTGTGAA-----
14073T	kotlabaePavel140118	CTTTTGGAG-GTAACGA-GTGTGAA-----
13316T	obseumKnudsen01 07Russia	T-TTGGAA-GGAATGAAGCGTGAAATC---ATCGAGGTGTACTACTA-----CCTCGGAAGTAGGA-----CCTGCCACACAGC--
13318T	aff. cretaceumMJ3821	T-TTGGAA-GGAATGAAGCGTGAAATC---ATCGAGGTGTACTACTA-----CCTCGGAAGTAGGA-----CCTGCCACACAGC--
13317T	aff. cretaceumMJ6194	T-TTGGAA-GGAATGAAGCGTGAAATC---ATCGAGGTAT-CACTA-----CCTCGGAAGTAGGA-----CCTGCCACACTGC--
13274T	aff. cretaceumAH3995	T-TTGGAA-GGAATGAAGCGTGAAATC---ATCGAGGTAT-CACTA-----CCTCGGAAGTAGGA-----CCTGCCACACTGC--
13176T	aff. cretaceumMJ9304	T-TTGGAA-GGAATGAAGCGTGAAATC---ATCGAGGTAT-CACTA-----CCTCGGAAGTAGGA-----CCTGCCACACTGC--
15185T	sp.5MJ10060	CTCGGAAGTGAATGA-GCGCGAAAAC--TGTCAGGAAACCAATTTATTGG---CCCCCGGTTAATAAG-----CCTGTCATGCGAGGA
14071T	sp.5Bruzek131207	CTCGGAAGTGAATGA-GCGCGAAAAC--TGTCAGGAAACCAATTTATTGG---CCCCCGGTTAATAAG-----CCTGTCATGCGAGGA
14075T	cf beccarianumBruzen13120	C-TTGGAG-GTAACGA-GTGCAGAGCT--TCTCGGGGTATCACT-----
14076T	cf beccarianumBruzen14021	C-TTGGAG-GTAACGA-GTGCAGAGCT--TCTCGGGGTATCACT-----
14749T	simulansMJ040221	C-TTGGAG-GTAACGA-GCGCGAAGCT--TCTCGGGGTATCATT-----
13276T	simulansAH15633	C-TTGGAG-GTAACGA-GCGCGAAGCT--TCTCGGGGTATCACT-----
13332T	simulansMJ9064	C-TTGGAG-GTAACGA-GCGCGAAGCT--TCTCGGGGTATCACT-----
13335T	moraveciiKnudsen01 70Russ	C-TTGGAG-GTAACGA-GCGCGAAGCT--TCTCGGAGTATCATT-----
13331T	simulansMJ7865	C-TTGGAG-GTAACGA-GCGCGAAGCT--TCTCGGGGTATCAYT-----
14244T	simulansMrazek1313	C-TTGGAG-GTAACGA-GCGCGAAGCT--TCTCGGGGTATCACT-----
13328T	simulansMJ3871	C-TTGGAG-GTAACGA-GCGCGAAGCT--TCTCGGGTATCATT-----
13329T	simulansMJ3844	C-TTGGAG-GTAACGA-GCGCGAAGCT--TCTCGGGTATCATT-----
14751T	simulansMJ4902	C-TTGGAG-GTAACGA-GCGCGAAGCT--TCTCGGGTATCATT-----
14752T	simulansMJ5497	C-TTGGAG-GTAACGA-GCGCGAAGCT--TCTCGGGTATCATT-----
15048T	aff.excentricumLong9369	C-TGAGAGTATAGTGT-GCGCGAAGCT--TCTCGGGAATCAC-----
14750T	brumaleMJ8372	C-TTGGAG-ATAATGA-GCGCAAAGCG--TCTTGGGGATCACACT-----
14745T	brumaleMJ4597	C-TTGGAG-ATAATGA-GCGCAAAGCG--TCTTGGGGATCACACT-----
14746T	brumaleMJ7532	C-TTGGAG-ATAATGA-GCGCAAAGCG--TCTTGGGGATCACACT-----
14044T	brumaleFinyl	C-TTGGAG-ATAATGA-GCGCAAAGCG--TCTTGGGGATCACACT-----
14074T	brumaleBruzek1131229	C-TTGGAG-ATAATGA-GCGCAAAGCG--TCTTGGGGATCACACT-----
14072T	brumaleBruzek140112	C-TTGGAG-ATAATGA-GCGCAAAGCG--TCTTGGGGATCACACT-----

9118T	brumaleO58849	C-TTGGAG-ATAATGA-GCGCAAAGCG--TCTTGGGGATCACACT-----
4080T	brumaleMJ5785	C-TTGGAG-ATAATGA-GCGCAAAGCG--TCTTGGGGATCACACT-----
13327T	brumaleMJ6427	C-TTGGAG-ATAATGA-GCGCAAAGCG--TCTTGGGGATCACACT-----
13282T	sp.17AH13674	C-TTGGAG-GGAATGA-GCGTGATGCT---GTCAGGGATCGACC-----
13175T	sp.18MJ9046	C-TTGGAG-GTAATAA-GCGCGAAGCT-----
13333T	sp.20MJ5015	C-TCGGGG-GTGATGA-GCGTGATAAT-----
9117T	eckbladii TRH9565	C-TTGGAG-GTGATGA-GCGTGATACT-----
9119T	ekbladiiSivertsen930717TRH	C-TTGGAG-GTGATGA-GCGTGATACT-----
13171T	giovanellaeMJ9059	CTTTGGAG-GTAACGA-GCGTGAAACT-----
717Tul	caespitosum acauleNeotype	CTTTGGAG-GTAACGA-GCGTGAAACT-----
13313T	giovanellaeMJ8706	CTTTGGAG-GTAACGA-GCGTGAAACT-----
13279T	giovalellaeAH11641	CTTTGGAG-GTAACGA-GCGTGAAACT-----
14069T	beccarianumBruzek140115-1	CTTTGGAG-GTAATGA-GCGTGAAGTT-----
14070T	beccarianumBruzek140115-2	CTTTGGAG-GTAATGA-GCGTGAAGTT-----
14046T	beccarianumFiny2	CTTTGGAG-GTAATGA-GCGTGAAGTT-----
14054T	cfbeccarianumMolia2014Cyp	C-TTGGAG-GTAACGA-GTGTGAAGCTGTCGACGGGTCGACC-----
10022T	niveumMJ7692	C-TTGGAA-GTGATGA-GCGTGAAATTA-----
10023T	niveumMJ7699	C-TTGGAA-GTGATGA-GCGTGAAATTA-----
13320T	calcareumBrelisO133	C-TTGGAG--TAATGA-GTGTA AAAACC--TATCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGATGGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
9121T	calcareumMJ7141	C-TTGGAG--TAATGA-GTGTA AAAACC--TATCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGATGGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
13173T	calcareumMJ2010	C-TTGGAG--TAATGA-GTGTA AAAACC--TATCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGATGGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
9122T	calcareumMJ8065	C-TTGGAG--TAATGA-GTGTA AAAACC--TATCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGATGGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
4076T	calcareumMJ6375	C-TTGGAG--TAATGA-GTGTA AAAACC--TATCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGATGGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
5064Tul	aff squamosumMJ6965Sodem	C-TTGGAG--TAATGA-GTGTA AAAACC--TATCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGATGGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
5065T	calcareumMJ6438	C-TTGGAG--TAATGA-GTGTA AAAACC--TATCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGATGGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
14053T	calcareumFiny4	C-TTGGAG--TAATGA-GTGTA AAAACC--TATCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGATGGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
5069T	aff squamosumMJ6002UngSvag	C-TTGGAG--TAGTGA-GTGTAACACA----TCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGACAGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
13311T	subsquamosumMJ9336	C-TTGGAG--TAGTGA-GTGTAACACA----TCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGACAGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
4087T	subsquamosumMJ4945	C-TTGGAG--TAGTGA-GTGTAACACA----TCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGACAGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
5062T	subsquamosumAH19024	C-TTGGAG--TAGTGA-GTGTAACACA----TCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGACAGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
5066T	subsquamosumMJ6563	C-TTGGAG--TAGTGA-GTGTAACACA----TCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGACAGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
13309T	subsquamosumMJ9305Sp	C-TTGGAG--TAGTGA-GTGTAACACA----TCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGACAGAGG-----CCTGCCATGCGAT-A
9124T	squamosumEL260-06	C-TTCGAG--TAATAA-GCGTAACACA--TATCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGACAGAGG-----CTTGCCATGCGAT-A
4073T	squamosumMrizek1300 DQ4157	C-TTCGAG--TAATAA-GCGTAACACA--TATCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGACAGAGG-----CTTGCCATGCGAT-A
Tulostoma sp	HQ667595 HQ667598Ar	C-TTGGAG--TAATGA-GTGTAACACA--TATCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGATAGAGGT-----CTTGCTATGCGAT-A
Tulostoma sp	HQ667596 HQ667599Ar	C-TTGGAG--TAATGA-GTGTAACACA--TATCGAGGAA-CAACTTTGGT-----CCTCGGATAGAGGT-----CTTGCTATGCGAT-A
13310T	melanocyclusKnudsenC64727	C-TTGGAG--TAATGA-GCGTATAACA--TATCGAGGGACCAACTTTGGT-----CCTCGGACAGAGG-----CCTGCCATGCAAT-A
4084T	melanocyclusMJ6036	C-TTGGAG--TAATGA-GCGTATAACA--TATCGAGGGACCAACTTTGGT-----CCTCGGACAGAGG-----CCTGCCATGCAAT-A
13321T	melanocyclusMJ9596France	C-TTGGAG--TAATGA-GCGTATAACA--TATCGAGGGACCAACTTTGGT-----CCTCGGACAGAGG-----CCTGCCATGCAAT-A
4077T	melanocyclusM011215	C-TTGGAG--TAATGA-GCGTATAACA--TATCGAGGGACCAACTTTGGT-----CCTCGGACAGAGG-----CCTGCCATGCAAT-A

13314T cyclophorumRLowen99Spain -----GTGTTGGCTAACCTTGATC---TCGCGCG-AGTTC----TCTAAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TGAAATGTTACAGA
13278T cyclophorumAH16885 -----GTGTTGGCTAACCTTGATC---TCGCGCG-AGTTC----TCTAAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TGAAATGTTATAGA
13284T cyclophorumAH19564 -----GTGTTGGCTAACCTTGATC---TCGCGCG-AGTTC----TCTAAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TGAAATGTTACAGA
13174T cyclophorumMJ8862 -----GTGTTGGCTAACCTTGATC---TCGCGCG-AGTTC----TCTAAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TGAAATGTTATAGA
13169T obesumMJ8695 -----GTGTTGGCTCACCTTGATC---TCGTGCG-AAGTTC-TCTTAAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCATA-TAGAATGTATTAGA
13177T obesumMJ8707 -----GTGTTGGCTCACCTTGATC---TCGTGCG-AAGTTC-TCTTAAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCATA-TAGAATGTATTAGA
13280T obesumAH20901 -----GTGTTGGCTCACCTTGATC---TCGTGCG-AAGTTC-TCTTAAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCATA-TAGAATGTATTAGA
13275T lloydiiAH31155 TGTGTGTGTGACTGACCTTGATC---CTCGCGTG-AATTTC--CTCTAGG---TCTATGTTTTTC--ATATACTACATTAACCTGTTTCAGA
13319T Lloydii Lahti201210 TGTGTGTGTGACTGACCTTGATC---CTCGCGTG-AATTTC--CTCTAGG---TCTATGTTTTTC--ATATACTACATTAACCTGTTTCAGA
9120T fulvellumKabat970428 -----GTGTGGCTGACCTGATC-----TCGCGTG-AATTTC--TTCTAAG---ACTATGTCTTTC--ATATAACACG-TATAATGTCTTTGG
13323T grandisporumMJ6633 -----GTGTGGCTGTTCTAGATGC---TCTCGTG-AATTCC---TCCAAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACA-TAGAATGTCTCAGA
14040T grandisporumMJ8907 -----GTGTGGCTGTTCTAGATGC---TCTCGTG-AATTCC---TCCAAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACA-TACAATGTCTCAGA
14041T grandisporumMJ8793 -----GTGTGGCTGTTCTAGATGC---TCTCGTG-AATTCC---TCCAAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACA-TAGAATGTCTCAGA
14045T grandisporumFinyl0 -----GTGTGGCTGTTCTAGATGC---TCTCGTG-AATTCC---TCCAAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACA-TACAATGTCTCAGA
14068T grandisporumBruzek131208 -----GTGTGGCTGTTCTAGATGC---TCTCGTG-AATTCC---TCCAAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACA-TACAATGTCTCAGA
13330T leiosporumKnudsen99 337Ru -----GTATGGCTGACCTTGATC---TCGCGTG-AATTTC--TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACTACA---AAATGTC--AGA
13281T cfpseudopulchellumAH11603 G---TGTGTGACTGACCTTGATTGC--CTGCGCA-AGTTC---TCCAAC---TCTATGTCTTTC--ATATGCCACG-TAGAATGTATTAGA
16080T pseudopulchellumAH11605Ty G---TGTGTGACTGACCTTGATTGC--CTGCGCA-AGTTC---TCCAAC---TCTATGTCTTTC--ATATGCCACG-TAGAATGTATTAGA
14742T panninumMJ990617a -----GTGTGACTGACCTTGATTGC---TTGCGCG-AGTTC---TCCAAC---TCTATGTCTTTCATATATACCACG-TTAAATGTATCAGA
14744T pannonicumMJ8715 -----GTGTGACTGACCTTGATTGC---TTGCGCG-AGTTC---TCCAAC---TCTATGTCTTTCATATATACCACG-TTAAATGTATCAGA
14756T pannonicumMJ7764 -----GTGTGACTGACCTTGATTGC---TTGCGCG-AGTTC---TCCAAC---TCTATGTCTTTCATATATACCACG-TTAAATGTATCAGA
14050T pannonicumMJ7803 -----GTGTGACTGACCTTGATTGC---TTGCGCG-AGTTC---TCCAAC---TCTATGTCTTTCATATATACCACG-TTAAATGTATCAGA
16079T submembranaceumAH15132Ty -----GCATGGCTGACCTTGAAAGT---TCGCGCA-AGTTC---TCCGAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAAAACACTTAGA
13170T sp.15MJ9295 -----GTATGGCTGACCTTGATGC---CAGCGCA-AGTTC---TCTAGG---TCTATGTACTTT-CATATACTACA-TCGTATGTCTCAGA
13312T pseudopulchellumMJ9296Spa -----GTATGGCTGACCTTGATGC---CAGCGCA-AGTTC---TCTAGG---TCTATGTACTTT-CATATACTACA-TCGTATGTCTCAGA
14743T sp.15MJ660617b -----TGGCTGACCTTGATGC---CAGCGCA-AGTTC---TCTAGG---TCTATGTACTTT-CATATACTACA-TAGTATGTCTCAGA
14753T sp.10MJ3813 -----GTGTGGTTGGTCTTGATGC---TCGCGCG-AGTTC---TTCAAAG---TCTATGTCTTTC--ATACACCACG-CAGAATGTCTTAGA
13334T sp.10MJ6198 T---TGTGTGGTTGGCCTTGATC---T---CGCG-AGTTC---TTCAAAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-CAGAATGTCTTAGA
13315T caespitosumMJ881114Spain G---TGTGTGGTTGGCCTTGATC---T---CGTG-CATTC---TTCAGAG---CCTATGTCTTTC--ATATACCACA-AAGAATGTCTTAGA
13258T sp.12AH15040 -----GTGTGGTTGGCTTTGATC---T---CGTG-CATTC---TTCAGAG---CCTATGTCTTTC--ATATACCACA-AAGAATGTCTTAGA
15049T sp.13Long11161 -----GTGTGGTTGGCTTTGGTGC---TCGCGCG-TGTTCT---TTCAAAGTCTCTATGTCTTTCATATATACTACA-TGGAATGTCTTAGA
14755T sp.9MJ3787 -----GTGCGGCTGACCTTGATC---TCGCGCG-AGTTC---TCTCAAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTCTTAGA
13342T cf kotlabaeMJ4966Hungary -----GTGCGGCTGACCTTGATC---TCGCGCG-AGTTC---TCTCAAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTCTTAGA
13343T cf kotlabaeMJ4976Hungary -----GTGCGGCTGACCTTGATC---TCGCGCG-AGTTC---TCTCAAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTCTTAGA
14043T sp.7Finyl -----GCGTGGCTGACCTTGTTGC---TCGCGCG-AGTTC---TCCAAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TAGAATGTCTTAGA
14747T sp.8MJ3830 -----TAATGCT-TTCTCGCG-AGTTC---TCCAAG---TCTATGTTTTTC--ATACACCACA-TAGAATGTCTTTGA
14754T sp.8MJ6081 -----TAATGCT-TTTTCGCG-AGTTC---TCCAAG---TCTATGTTTTTC--ATACACCACA-TAGAATGTCTTTGA
13337T cf.kotlabaeMJ7795Hungary -----TAATGCT-TTCTCGCG-AGTTC---TCCAAG---TCTATGTTTTTC--ATACACCACA-TAGAATGTCTTTGA
14748T kotlabaeBoertmann79074 -----TAATTC---TCGCACG-AGTTTCTCTCCAAG---TCTATGTTTTTC--ATACACCACG-TAGAATGTCTTTGA
13336T kotlabaeMJ5597 -----TAATAC---TCGCACG-AGTTTCTCTCCAAG---TCTATGTTTTTC--ATACACCACG-TAGAATGTCTTTGA

13338T kotlabaeMJ9585 -----TAATAC---TCGCACG-AGTTTCTCTCCCAAG---TCTATGTTTTTC--ATACACCACG-TAGAATGTCCTTTGA
13340T kotlabaeMJ7187 -----TAATAC---TCGCACG-AGTTTCTCTCCCAAG---TCTATGTTTTTC--ATACACCACG-TAGAATGTCCTTTGA
14073T kotlabaePavell140118 -----TAATAC---TCGCACG-AGTTTCTCTCCCAAG---TCTATGTTTTTC--ATACACCACG-TAGAATGTCCTTTGA
13316T obseumKnudsen01_07Russia ---CCGTGTGACTGGACCTTAT-----TCGCGACAAGTTTC---TCCAAT---TCTATGTCTTCC--ATATACCACG-TAGAATGTCATTGA
13318T aff. cretaceumMJ3821 ---CCGTGTGACTGGACCTTAT-----TCGCGACAAGTTTC---TCCAAT---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTCATTGA
13317T aff. cretaceumMJ6194 ---ACGTGTGACTGGACCTTAT-----TCGCGAC-AGTTTC---TCCAAT---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTCATTGA
13274T aff. cretaceumAH3995 ---ACGTGTGACTGGACCTTAT-----TCGCGAC-AGTTTC---TCCAAT---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTCATTGA
13176T aff. cretaceumMJ9304 ---ACGTGTGACTGGACCTTAT-----TCGCGAC-AGTTTC---TCCAAT---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTCATTGA
15185T sp.5MJ10060 -----GCATGGCTGACTTTGATAT---TCGCGTG-AATTTTC---ACCGAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TAGAATGTTTCAGA
14071T sp.5Bruzek131207 -----GCATGGCTGACTTTGATAT---TCGCGTG-AATTTTC---ACCGAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TAGAATGTTTCAGA
14075T cf beccarianumBruzen13120 -----CCTTGATGCCAGTAGTGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTAACAGA
14076T cf beccarianumBruzen14021 -----CCTTGATGCCAGTAGTGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTAACAGA
14749T simulansMJ040221 -----CCTTGATGCCAGTAGTGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTAACAGA
13276T simulansAH15633 -----CCTTGATGCCAGTAGTGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTAACAGA
13332T simulansMJ9064 -----CCTTGATGCCAGTAGTGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTAACAGA
13335T moraveciiKnudsen01_70Russ -----CCTTGATGCCAGTAGTGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTAACAGA
13331T simulansMJ7865 -----CCTTGATGCCAGTAGTGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTAACAGA
14244T simulansMrazek1313 -----CCTTGATGCCAGTAGTGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTAACAGA
13328T simulansMJ3871 -----CCTTGATGCCAGTAGTGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTAACAGA
13329T simulansMJ3844 -----CCTTGATGCCAGTAGTGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTAACAGA
14751T simulansMJ4902 -----CCTTGATGCCAGTAGTGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTAACAGA
14752T simulansMJ5497 -----CCTTGATGCCAGTAGTGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTAACAGA
15048T aff.excentricumLong9369 -----CCTTGATGCTAGTAGTGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TAGAATGTATTAGA
14750T brumaleMJ8372 -----CCTTGATGT---TAGTGCA-AGTTTC---TCTTGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TCGAATGTAATAGA
14745T brumaleMJ4597 -----CCTTGATGT---TAGTGCA-AGTTTC---TCTTGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TCGAATGTAATAGA
14746T brumaleMJ7532 -----CCTTGATGT---TAGTGCA-AGTTTC---TCTTGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TCGAATGTAATAGA
14044T brumaleFiny9 -----CCTTGATGT---TAGTGCA-AGTTTC---TCTTGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TCGAATGTAATAGA
14074T brumaleBruzek1131229 -----CCTTGATGT---TAGTGCA-AGTTTC---TCTTGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TCGAATGTAATAGA
14072T brumaleBruzek140112 -----CCTTGATGT---TAGTGCA-AGTTTC---TCTTGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TCGAATGTAATAGA
9118T brumaleO58849 -----CCTTGATGT---TAGTGCA-AGTTTC---TCTTGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TCGAATGTAATAGA
4080T brumaleMJ5785 -----CCTTGATGT---TAGTGCA-AGTTTC---TCTTGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TCGAATGTAATAGA
13327T brumaleMJ6427 -----CCTTGATGT---TAGTGCA-AGTTTC---TCTTGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TCGAATGTAATAGA
13282T sp.17AH13674 -----ACTCGGCTGACCTTGATGC---TGGCGG-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTATTAGA
13175T sp.18MJ9046 -----GATGC---TAGCGTG-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTATTAGA
13333T sp.20MJ5015 -----GTCGCGCG-AGTTTC---TCTGGG---CCTATGTCTTTC--ATATACCA-A-TAGAATGTATCAGA
9117T eckbladii TRH9565 -----GTTGCGCG-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACA-TAGCATGTATCTTG
9119T ekbladiiSivertsen930717TRH -----GTTGCGCG-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACA-TAGCATGTATCTTG
13171T giovanellaeMJ9059 -----TGTCGCGCG-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TAGAATGTATCTAG
717Tul caespitosum acauleNeotype -----TGTCGCGCG-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TAGAATGTATCTAG
13313T giovanellaeMJ8706 -----TGTCGCGCG-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TAGAATGTATCTAG

```

13279T giovalellaeAH11641 -----TGTCGCGCG-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TAGAATGTATCTAG
14069T beccarianumBruzek140115-1 -----TGATTGC---TAGCGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCATG-TAGAATGTATTAGA
14070T beccarianumBruzek140115-2 -----TGATTGC---TAGCGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCATG-TAGAATGTATTAGA
14046T beccarianumFiny2 -----TGATTGC---TAGCGCA-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCATG-TAGAATGTATTAGA
14054T cfbeccarianumMolia2014Cyp -----ACTTGGTTAACGTTGATGGT-AGAGCGCG-AGTTTC---TCTGGG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACG-TAGAATGTATTAGA
10022T niveumMJ7692 -----GTAGCGCG-AGTTTC---TCTAGG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACA-TACAATGTATCAGA
10023T niveumMJ7699 -----GTAGCGCG-AGTTTC---TCTAGG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACA-TACAATGTATCAGA
13320T calcareumBrelisO133 -----GTGTGGCTGACCTTATTAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACG-CAAAATGTAATAGA
9121T calcareumMJ7141 -----GTGTGGCTGACCTTATTAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACG-CAAAATGTAATAGA
13173T calcareumMJ2010 -----GTGTGGCTGACCTTATTAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACG-CAAAATGTAATAGA
9122T calcareumMJ8065 -----GTGTGGCTGACCTTATTAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACG-CAAAATGTAATAGA
4076T calcareumMJ6375 -----GTGTGGCTGACCTTATTAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACG-CAAAATGTAATAGA
5064Tul aff squamosumMJ6965Sodem -----GTGTGGCTGACCTTATTAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACG-CAAAATGTAATAGA
5065T calcareumMJ6438 -----GTGTGGCTGACCTTATTAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACG-CAAAATGTAATAGA
14053T calcareumFiny4 -----GTGTGGCTGACCTTATTAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACG-CAAAATGTAATAGA
5069T aff squamosumMJ6002UngSvag -----GTGTGGCTGACCTTACTAC---TTGCGCA-AACTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACAATGAATTGTAATAGA
13311T subsquamosumMJ9336 -----GTGTGGCTGACCTTACTAC---TTGCGCA-AACTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACAATGAATTGTAATAGA
4087T subsquamosumMJ4945 -----GTGTGGCTGACCTTAAATAC---TTGCGCA-AACTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACAATGAATTGTAATAGA
5062T subsquamosumAH19024 -----GTGTGGCTGACCTTAAATAC---TTGCGCA-AACTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACAATGAATTGTAATAGA
5066T subsquamosumMJ6563 -----GTGTGGCTGACCTTAAATAC---TTGCGCA-AACTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACAATGAATTGTAATAGA
13309T subsquamosumMJ9305Sp -----GCGTGGCTGACCTTAAATAC---TTGCGCA-AACTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCACAATGAATTGTAATAGA
9124T squamosumEL260-06 -----GTGTGGCTGACCTTAAATCC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTACGTCTTTC--ATATACCACA-CAAAATGTAATAGA
4073T squamosumMrzek1300 DQ4157 -----GTGTGGCTGACCTTAAATCC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTACGTCTTTC--ATATACCACA-CAAAATGTAATAGA
Tulostoma sp HQ667595 HQ667598Ar -----GTGTGGCTGACCTTACTAC---TTGCACA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTATTTTC--ATATACCACA-TAAAATGTAATAAGA
Tulostoma sp HQ667596 HQ667599Ar -----GTGTGGCTGACCTTACTAC---TTGCACA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTATTTTC--ATATACCACA-TAAAATGTAATAAGA
13310T melanocyclusKnudsenC64727 -----GTGTGGCTTTCCTTAAATAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TAAAATGTAATAGA
4084T melanocyclusMJ6036 -----GTGTGGCTTTCCTTAAATAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TAAAATGTAATAGA
13321T melanocyclusMJ9596France -----GTGTGGCTTTCCTTAAATAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TAAAATGTAATAGA
4077T melanocyclusM011215 -----GTGTGGCTTTCCTTAAATAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TCAAATGTAATAGA
9125T melanocyclusMJ AKB05052901 -----GTGTGGCTTTCCTTAAATAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTCTTTC--ATATACAACA-TAAAATGTAATAGA
9126T melanocyclusSAH08-247 -----GTGTGGCTTTCCTTAAATAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TCAAATGTAATAGA
9127T melanocyclusMJ8815 -----GTGTGGCTTTCCTTAAATAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TAAAATGTAATAGA
9123T melanocyclusMJ090418 -----GTGTGGCTTTCCTTAAATAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTCTTTC--ATATACCACA-TAAAATGTAATAGA
T domingueziaeHQ667593 A----GTATGGCTTACCTTAAATAC---TTGCGCA-AGTTC---TCCGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCATG-TAAAATGTATCAGA
T domingueziaeHQ667593 HQ667597 A----GTATGGCTTACCTTAAATAC---TTGCGCA-AGTTC---TCCGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCATG-TAAAATGTATCAGA
13191T rufumLectotype1908USA -----TGGCTTACCTTAAATAC---TTGCGCA-AGTTC---TCTGAG---TCTATGTTTTTC--ATATACCATG-TAAAATGTATCAGA

```

Input data matrix (continued):

Taxon	7	8	9	0	1	2	3	4	5	6	6
	7890123456789012345678901234567890123456789012345678901234567890123456789012345678										
13345T subfuscumMJ7472Slov	ATGT-TGTTATTGGGTCTTAGTACCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
15360T punctatumMJ10058	ATGT-TGTTATTGGGTCTTAGTACCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13353T pulchellumFritz2010-1	ATGT-ATTCATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACAT-ATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13277T pulchellumAH12967	ATGT-ATTCATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACAT-ATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13322T striatumFritz2010-2	ATGT-TATCATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACAT-ATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13283T striatumAH15543	ATGT-TATCATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACAT-ATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13346T fimbriatumMJ8773	ATGT-TTTCATTAGGTCTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13349T fimbriatumMånsson991010	ATGT-AATCATTAGGTCTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13344T fimbriatumMJ7332	ATGT-AATCATTAGGTCTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13348T fimbriatumMJ060330Bl	ATGT-AATCATTAGGTCTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13351T fimbriatumMJ7025	ATGT-AATCATTAGGTCTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
14038T fimbriatumMJ7926	ATGT-AATCATTAGGTCTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
14042T fimbriatumFiny8	ATGT-AATCATTAGGTCTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
14049T fimbriatumMJ7372	ATGT-AATCATTAGGTCTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
14052T fimbriatumNJ7351	ATGT-AATCATTAGGTCTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13352T campestreKnudsen00190Russ	ATGT-AATCATTAGGTCTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13350T campestreKnudsen0171Russi	ATGT-ATTCATTAGGTCTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
14055T sp.4Finy12	GTGT-ATTCGTCGGGCCTTAGTGCCTATA--TAATACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
15047T winterhoffiATLAS SOJ15 69	ATGA-TTTTATTAGGACTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
14242T winterhoffiZFM74 2	ATGA-TTTTATTAGGACTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
14037T winterhoffiMJ7761	ATGA-TTTTATTAGGACTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
4075Tul winterhoffiMJ2379	ATGA-TTTTATTAGGACTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
14047T sp.3MJ4935	ATGT-TATCATTAGGTCTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
14048T sp.1MJ7762	ATGT-TGTCATTAGGTCTATGTACCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
14036T sp.2MJ8710	ATGT-TTTCATTAGGTCTTAGTACCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13347T cf fimbriatumMJ8701Spain	ATGT-TTTCATTAGGTCTTAGTACCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13314T cyclophorumRLowen99Spain	ATGT-TGTCATTAGGACTTAGTGCCTATA--GAACATAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13278T cyclophorumAH16885	ATGT-TGTCATTAGGACTTAGTGCCTATA--GAACATAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13284T cyclophorumAH19564	ATGT-TGTCATTAGGACTTAGTGCCTATA--GAACATAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13174T cyclophorumMJ8862	ATGT-TGTCATTAGGACTTAGTGCCTATA--GAACATAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13169T obesumMJ8695	ATGTTTTTTCATTAGGACTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13177T obesumMJ8707	ATGTTTTTTCATTAGGACTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13280T obesumAH20901	ATGTTTTTTCATTAGGACTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13275T lloydiiAH31155	ATGT-TTTTATTGGGTCTTAGCACCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13319T Lloydii Lahti201210	ATGT-TTTTATTGGGTCTTAGCACCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
9120T fulvellumKabat970428	AATG-TATCATTAGGACTTAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										
13323T grandisporumMJ6633	ATGT-TTTCATTAGGCTCTGTGCCTATA--ATATACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG										

14040T grandisporumMJ8907 ATGT-TTTCA-TTAGGCTCTGTGCCTATA--ATATACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14041T grandisporumMJ8793 ATGT-TTTCATTTAGGCTCTGTGCCTATA--ATATACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14045T grandisporumFiny10 ATGT-TTTCA-TTAGGCTCTGTGCCTATA--ATATACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14068T grandisporumBruzek131208 ATGT-TTTCA-TTAGGCTCTGTGCCTATA--ATATACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13330T leiosporumKnudsen99 337Ru ATGA-TTTATTTATGGCTTAAAGGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13281T cfpseudopulchellumAH11603 ATGT-TATCATTTAGGTCTCTGTACCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
16080T pseudopulchellumAH11605Ty ATGT-TATCATTTAGGTCTCTGTACCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14742T pannonicumMJ990617a ATGT-TATCATTTAGGTCTCTGTACCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14744T pannonicumMJ8715 ATGT-TATCATTTAGGTCTCTGTACCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14756T pannonicumMJ7764 ATGT-TATCATTTAGGTCTCTGTACCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14050T pannonicumMJ7803 ATGT-TATCATTTAGGTCTCTGTACCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
16079T submembranaceumAH15132Ty ATGTATTTT-CTAGGCCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13170T sp.15MJ9295 ATGT-ATTCATTTAGGCCCTAGTGCCTGTA----ACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13312T pseudopulchellumMJ9296Spa ATGT-ATTCATTTAGGCCCTAGTGCCTGTA----ACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14743T sp.15MJ660617b ATGA-ATTCATTTAGGCCCTAGTGCCTGTA----ACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14753T sp.10MJ3813 ATGTATTTTTCATTTAGGCTCATAGTGCCTATA--TAATACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13334T sp.10MJ6198 ATGTATTTTTCATTTAGGCTGCAATGCCTATA--TAATACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13315T caespitosumMJ881114Spain ATGTATTTTTCATTTAGGCTGCAATGCCTATA--TAATACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13258T sp.12AH15040 ATGTATTTTTCATTTAGGCTGCAATGCCTATA--TAATACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
15049T sp.13Long11161 ATGTATTTTTCATTTAGGCCCGCAGTGCCTATA--TAATAAAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14755T sp.9MJ3787 ATGTATTTTTCATTTAGGCCCTCAGTGCCTATA--TAAAACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13342T cf kotlabaeMJ4966Hungary ATGTATTTTTCATTTAGGCCCTCAGTGCCTATA--TAAAACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13343T cf kotlabaeMJ4976Hungary ATGTATTTTTCATTTAGGCCCTCAGTGCCTATA--TAAAACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14043T sp.7Finy1 ATGTATTTTTCATTTAGGCCCTCAGTGCCTATA--TAAAACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14747T sp.8MJ3830 ATGTATTTTTCATTTAGGCCCTCAGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14754T sp.8MJ6081 ATGTATTTTTCATTTAGGCCCTCAGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13337T cf.kotlabaeMJ7795Hungary ATGTATTTTTCATTTAGGCCCTCAGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14748T kotlabaeBoertmann79074 ATGTATTTTTCATTTAGGCCCTCAGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13336T kotlabaeMJ5597 ATGTATTTTTCATTTAGGCCCTCAGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13338T kotlabaeMJ9585 ATGTATTTTTCATTTAGGCCCTCAGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCARCG
13340T kotlabaeMJ7187 ATGTATTTTTCATTTAGGCCCTCAGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14073T kotlabaePavell140118 ATGTATTTTTCATTTAGGCCCTCAGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13316T obseumKnudsen01 07Russia ATGT-TTTCATTTAGGTCTCAGTACCTATA--AAATATAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13318T aff. cretaceumMJ3821 ATGT-TTTCATTTAGGTCTCAGTACCTATA--AAATATAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13317T aff. cretaceumMJ6194 ATGT-TTTTATTTAGGTCTCAGTACCTATA--AAATATAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13274T aff. cretaceumAH3995 ATGT-TTTTATTTAGGTCTCAGTACCTATA--AAATATAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13176T aff. cretaceumMJ9304 ATGT-TTTTATTTAGGTCTCAGTACCTATA--AAATATAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
15185T sp.5MJ10060 ATGT-TACTATTTAGGCCCTAGTGCCTATG--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14071T sp.5Bruzek131207 ATGT-TACTATTTAGGCCCTAGTGCCTATG--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14075T cf beccarianumBruzen13120 AAGT-TTTTATTTAGGCCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG

14076T cf beccarianumBruzen14021 AAGT-TTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14749T simulansMJ040221 AAGT-CTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13276T simulansAH15633 AAGT-CTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13332T simulansMJ9064 AAGT-CTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13335T moraveciiKnudsen01 70Russ AAGT-CTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13331T simulansMJ7865 AAGT-CTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14244T simulansMrazek1313 AAGT-CTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13328T simulansMJ3871 AAGT-CTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13329T simulansMJ3844 AAGT-CTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14751T simulansMJ4902 AAGT-CTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14752T simulansMJ5497 AAGT-CTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
15048T aff.excentricumLong9369 AAGC-TTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14750T brumaleMJ8372 AAGT-TTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14745T brumaleMJ4597 AAGT-TTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14746T brumaleMJ7532 AAGT-TTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14044T brumaleFiny9 AAGT-TTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14074T brumaleBruzek1131229 AAGT-TTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14072T brumaleBruzek140112 AAGT-TTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
9118T brumaleO58849 AAGT-TTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
4080T brumaleMJ5785 AAGT-TTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13327T brumaleMJ6427 AAGT-TTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--AAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13282T sp.17AH13674 AAGT-TTTTATTGGGTCTCAGTACCTATA--AAACGCAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13175T sp.18MJ9046 AAGT-TTTTATTGGGCCTCAGTGCCTATA--TAACACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13333T sp.20MJ5015 ACGT--TTCATTGGGCCTCTATGTCTATA--TAAACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
9117T eckbladii TRH9565 AACG-TTTCATTGGGCCTATGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
9119T ekbladiiSivertsen930717TRH AACG-TTTCATTGGGCCTATGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13171T giovanellaeMJ9059 AACG-TTTCATTGGGCCTATGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
717Tul caespitosum acauleNeotype AACG-TTTCATTGGGCCTATGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13313T giovanellaeMJ8706 AACG-TTTCATTGGGCCTATGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13279T giovalellaeAH11641 AACG-TTTCATTGGGCCTATGTGCCTATA--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14069T beccarianumBruzek140115-1 AAGT-TTTTATTGGGCCTTAGTGCCTATA--TAATACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14070T beccarianumBruzek140115-2 AAGT-TTTTATTGGGCCTTAGTGCCTATA--TAATACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14046T beccarianumFiny2 AAGT-TTTTATTAGGCCTTAGTGCCTATA--TAATACAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
14054T cfbeccarianumMolia2014Cyp ACGA-TTTTATTGGACCTCAGTGTCTATA--AAATGTAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
10022T niveumMJ7692 ACGT--TTCATTGGGCCTCTGTGCCTATC--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
10023T niveumMJ7699 ACGT--TTCATTGGGCCTCTGTGCCTATC--AAACACTATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13320T calcareumBrelisO133 ATGT-TTTTATTGGGCCTTAGTGCCTATA--AAATGAAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
9121T calcareumMJ7141 ATGT-TTTTATTGGGCCTTAGTGCCTATA--AAATGAAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
13173T calcareumMJ2010 ATGT-TTTTATTGGGCCTTAGTGCCTATA--AAATGAAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG
9122T calcareumMJ8065 ATGT-TTTTATTGGGCCTTAGTGCCTATA--AAATGAAATACAACCTTTAGCAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCG

13344T	fimbriatumMJ7332	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13348T	fimbriatumMJ060330Bl	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13351T	fimbriatumMJ7025	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14038T	fimbriatumMJ7926	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14042T	fimbriatumFiny8	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14049T	fimbriatumMJ7372	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14052T	fimbriatumNJ7351	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13352T	campestreKnudsen00190Russ	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13350T	campestreKnudsen0171Russi	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14055T	sp.4Finy12	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
15047T	winterhoffiATLAS SOJ15 69	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14242T	winterhoffiZFM74 2	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14037T	winterhoffiMJ7761	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
4075Tul	winterhoffiMJ2379	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14047T	sp.3MJ4935	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14048T	sp.1MJ7762	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14036T	sp.2MJ8710	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13347T	cf fimbriatumMJ8701Spain	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13314T	cyclophorumRLowen99Spain	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13278T	cyclophorumAH16885	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13284T	cyclophorumAH19564	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13174T	cyclophorumMJ8862	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13169T	obesumMJ8695	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13177T	obesumMJ8707	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13280T	obesumAH20901	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13275T	lloydiiAH31155	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13319T	Lloydii Lahti201210	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
9120T	fulvellumKabat970428	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13323T	grandisporumMJ6633	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14040T	grandisporumMJ8907	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14041T	grandisporumMJ8793	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14045T	grandisporumFiny10	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14068T	grandisporumBruzek131208	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13330T	leiosporumKnudsen99 337Ru	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13281T	cfpseudopulchellumAH11603	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
16080T	pseudopulchellumAH11605Ty	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14742T	pannicumMJ990617a	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14744T	pannicumMJ8715	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14756T	pannicumMJ7764	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14050T	pannicumMJ7803	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT

16079T	submembranaceumAH15132Ty	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13170T	sp.15MJ9295	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13312T	pseudopulchellumMJ9296Spa	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14743T	sp.15MJ660617b	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14753T	sp.10MJ3813	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13334T	sp.10MJ6198	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13315T	caespitosumMJ881114Spain	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13258T	sp.12AH15040	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
15049T	sp.13Long11161	AAATGTGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14755T	sp.9MJ3787	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13342T	cf kotlabaeMJ4966Hungary	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13343T	cf kotlabaeMJ4976Hungary	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14043T	sp.7Finyl	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14747T	sp.8MJ3830	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14754T	sp.8MJ6081	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13337T	cf kotlabaeMJ7795Hungary	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14748T	kotlabaeBoertmann79074	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGGATCATCGGATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13336T	kotlabaeMJ5597	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13338T	kotlabaeMJ9585	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13340T	kotlabaeMJ7187	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14073T	kotlabaePavell140118	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13316T	obseumKnudsen01 07Russia	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13318T	aff. cretaceumMJ3821	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13317T	aff. cretaceumMJ6194	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13274T	aff. cretaceumAH3995	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13176T	aff. cretaceumMJ9304	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
15185T	sp.5MJ10060	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14071T	sp.5Bruzek131207	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14075T	cf beccarianumBruzen13120	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14076T	cf beccarianumBruzen14021	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14749T	simulansMJ040221	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13276T	simulansAH15633	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13332T	simulansMJ9064	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13335T	moraveciiKnudsen01 70Russ	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13331T	simulansMJ7865	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14244T	simulansMrazek1313	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13328T	simulansMJ3871	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
13329T	simulansMJ3844	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14751T	simulansMJ4902	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT
14752T	simulansMJ5497	AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATCCGAGGAGCATGCCT

15048T aff.excentricumLong9369 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14750T brumaleMJ8372 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14745T brumaleMJ4597 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14746T brumaleMJ7532 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14044T brumaleFiny9 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14074T brumaleBruzek1131229 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14072T brumaleBruzek140112 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
9118T brumaleO58849 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
4080T brumaleMJ5785 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13327T brumaleMJ6427 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13282T sp.17AH13674 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13175T sp.18MJ9046 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13333T sp.20MJ5015 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
9117T eckbladii TRH9565 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
9119T ekbladiiSivertsen930717TRH AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13171T giovanellaeMJ9059 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
717Tul caespitosum acauleNeotype AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13313T giovanellaeMJ8706 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13279T giovalellaeAH11641 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14069T beccarianumBruzek140115-1 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14070T beccarianumBruzek140115-2 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14046T beccarianumFiny2 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14054T cfbeccarianumMolia2014Cyp AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
10022T niveumMJ7692 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
10023T niveumMJ7699 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13320T calcareumBrelisO133 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
9121T calcareumMJ7141 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13173T calcareumMJ2010 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
9122T calcareumMJ8065 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
4076T calcareumMJ6375 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
5064Tul aff squamosumMJ6965Sodem AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
5065T calcareumMJ6438 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
14053T calcareumFiny4 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
5069T aff squamosumMJ6002UngSvag AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13311T subsquamosumMJ9336 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
4087T subsquamosumMJ4945 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
5062T subsquamosumAH19024 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
5066T subsquamosumMJ6563 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13309T subsquamosumMJ9305Sp AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
9124T squamosumEL260-06 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT

4073T squamosumMrzek1300 DQ4157 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
Tulostoma sp HQ667595 HQ667598Ar AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
Tulostoma sp HQ667596 HQ667599Ar AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13310T melanocyclusKnudsenC64727 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
4084T melanocyclusMJ6036 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13321T melanocyclusMJ9596France AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
4077T melanocyclusM011215 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
9125T melanocyclusMJ AKB05052901 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
9126T melanocyclusSAH08-247 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
9127T melanocyclusMJ8815 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
9123T melanocyclusMJ090418 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
T domingueziaeHQ667593 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
T domingueziaeHQ667597 AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT
13191T rufumLectotype1908USA AAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCTCCTTGGTATTCGAGGAGCATGCCT

Input data matrix (continued):

Taxon	4				5				5			
	6	7	8	9	0	1	2	3	4	5	6	7
13345T subfuscumMJ7472Slov	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
15360T punctatumMJ10058	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
13353T pulchellumFritz2010-1	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
13277T pulchellumAH12967	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
13322T striatumFritz2010-2	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
13283T striatumAH15543	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
13346T fimbriatumMJ8773	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
13349T fimbriatumMånsson991010	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
13344T fimbriatumMJ7332	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
13348T fimbriatumMJ060330Bl	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
13351T fimbriatumMJ7025	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
14038T fimbriatumMJ7926	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
14042T fimbriatumFiny8	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
14049T fimbriatumMJ7372	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
14052T fimbriatumNJ7351	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
13352T campestreKnudsen00190Russ	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
13350T campestreKnudsen0171Russi	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
14055T sp.4Finy12	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2
15047T winterhoffiATLAS SOJ15 69	1	2	3	4	5	6	7	8	9	0	1	2

14242T winterhoffizFM74 2 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CTAG-CTTTT-GTAGCT-GG--TTTGGGGCTTGGATGT--GGGGGA-----TTGCGGGC
14037T winterhoffiMJ7761 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CTAG-CTTTT-GTAGCT-GG--TTTGGGGCTTGGATGT--GGGGGA-----TTGCGGGC
4075Tul winterhoffiMJ2379 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CTAG-CTTTT-GTAGCT-GG--TTTGGGGCTTGGATGT--GGGGGA-----TTGCGGGC
14047T sp.3MJ4935 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCA-CCAG-CTTTT-GTGGCT-GG--CTTGGGGCTTGGATGT--GGGGGA-----TTGCGGGC
14048T sp.1MJ7762 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCA-ACAG-CTTTT-GTGGCT-GGTTTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATTAA--TGTTGCGGGC
14036T sp.2MJ8710 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCA-CCAG-CTTTT-GTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATTCA--TCTTGCGGGC
13347T cf fimbriatumMJ8701Spain GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCA-CCAG-CTTTT-GTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATTCA--TCTTGCGGGC
13314T cyclophorumRLowen99Spain GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTTT-GTAGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGTTTA---TCTTGCCGGC
13278T cyclophorumAH16885 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTTT-GTAGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGTTTA---TCTTGCCGGC
13284T cyclophorumAH19564 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTTT-GTAGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGTTTA---TCTTGCCGGC
13174T cyclophorumMJ8862 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTTT-GTAGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATAT--GGGGGTTTA---TCTTGCCGGC
13169T obesumMJ8695 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTTTGTAGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAATGA--TTTTGCGGGT
13177T obesumMJ8707 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTTTGTAGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAATGA--TTTTGCGGGT
13280T obesumAH20901 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTTTGTAGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAATGA--TTTTGCGGGT
13275T lloydiiAH31155 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACTCCT-CCAGTTTGTATGGACT-GGC-TTGGTGG-TTGGATGT--GGGGGTTTA---ATCTGCGGGT
13319T lloydii Lahti201210 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACTCCT-CCAGTTTGTATGGACT-GGC-TTGGTGG-TTGGATGT--GGGGGTTTA---ATCTGCGGGT
9120T fulvellumKabat970428 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAGTTTGTATGGACT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGTTTA---ATCTGCGGGC
13323T grandisporumMJ6633 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTGTGTAGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATATGTGGGGGAATC---ATCTGCGGGC
14040T grandisporumMJ8907 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTGTGTAGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGTGTGGGGGAATC---ATCTGCGGGC
14041T grandisporumMJ8793 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTGTGTAGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGTGTGGGGGAATC---ATCTGCGGGC
14045T grandisporumFinyl0 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTGTGTAGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGTGTGGGGGAATC---ATCTGCGGGC
14068T grandisporumBruzek131208 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTGTGTAGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGTGTGGGGGAATC---ATCTGCGGGC
13330T leiosporumKnudsen99 337Ru GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCTCCAG-CTTGTATTAGCT-GGT-TCGGTGGCTTGGATGT--GGGGGTTTC---ATTTGCTGGC
13281T cfpseudopulchellumAH11603 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCGG-TTTTCTTAAGCT-GGC-TAGGTGGTTTGGATGTG-GGGGAATTC---ATATGCGGGC
16080T pseudopulchellumAH11605Ty GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCGG-TTTTCTTAAGCT-GGC-TAGGTGGTTTGGATGTG-GGGGAATTC---ATATGCGGGC
14742T panninumMJ990617a GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-TTTTC-TTGACT-GGC-TTGGTGG-TTGGATAT--GGGGGAATT---ATCTGCGGGC
14744T pannonicumMJ8715 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-TTTTC-TTGACT-GGC-TTGGTGG-TTGGATAT--GGGGGAATT---ATCTGCGGGC
14756T pannonicumMJ7764 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-TTTTC-TTGACT-GGC-TTGGTGG-TTGGATAT--GGGGGAATT---ATCTGCGGGC
14050T pannonicumMJ7803 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-TTTTC-TTGACT-GGC-TTGGTGG-TTGGATAT--GGGGGAATT---ATCTGCGGGC
16079T submembranaceumAH15132Ty GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCTCCAGCTTTTGTCTGGT-----GTGGCGGTTTGGACGT--GGGGGATTG---ATCTGCGGGC
13170T sp.15MJ9295 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCTCCAG-CTTTGTCTGGCT-----TTGGTGGCTTGGACGTG-GGTGGATTG-----CGGGC
13312T pseudopulchellumMJ9296Spa GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCTCCAG-CTTTGTCTGGCT-----TTGGTGGCTTGGACGTG-GGTGGATTG-----CGGGC
14743T sp.15MJ660617b GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCTCCAG-CTTTGTCTGGCT-----TTGGTGGCTTGGACGTG-GGTGGATTG-----CGGGC
14753T sp.10MJ3813 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTTT-GTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGTG-GGGGGATTG---ATTTGCGGGC
13334T sp.10MJ6198 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTTT-TTGGCT-GGC-TTGGCGGCTTGGACGT--GGGGGATTG---ATTTGCGGGC
13315T caespitosumMJ881114Spain GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCGG-CTTTT-GTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATTG---ATTTGCGGGC
13258T sp.12AH15040 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-CTTTT-GTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATTG---ATTTGCGGGC
15049T sp.13Long11161 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCGG-CTTTT-GTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGTGGGGGGGATTGT--TTTTGCGGGC
14755T sp.9MJ3787 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAGTTCTTTTGTGACT-GGT-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATTG---ATATGCGGGC
13342T cf kotlabaeMJ4966Hungary GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAGTTTTTTTGTGACT-GGT-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATTG---ATATGCGGGC

13343T cf kotlabaeMJ4976Hungary GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAGTTTTTTTTGTGACT-GGT-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATTG---ATATGCGGGC
14043T sp.7Finyl GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-TTTTTT-GTGACT-GGC-TTGGTGGCTTGGAYGT--GGGGGATTG-----CGGGC
14747T sp.8MJ3830 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-TCTTTTGTGACT-GGT-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATTG--ATATGCGGGC
14754T sp.8MJ6081 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-TCTTTTGTGACT-GGT-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATTG--ATATGCGGGC
13337T cf.kotlabaeMJ7795Hungary GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-TCTTTTGTGACT-GGT-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATTG--ATATGCGGGC
14748T kotlabaeBoertmann79074 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCA-CCAG-TCTTTTGTGATT-GGT-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATATA--ATATGCGGGC
13336T kotlabaeMJ5597 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCA-CCAG-TCTTTTGTGATT-GGT-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATATA--ATATGCGGGC
13338T kotlabaeMJ9585 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCA-CCAG-TCTTTTGTGATT-GGT-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATATA--ATATGCGGGC
13340T kotlabaeMJ7187 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCA-CCAG-TCTTTTGTGATT-GGT-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATATA--ATATGCGGGC
14073T kotlabaePavell140118 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCA-CCAG-TCTTTTGTGATT-GGT-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATATA--ATATGCGGGC
13316T obseumKnudsen01 07Russia GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-TTGTG-TTGACT-GGT-TAGGTGGCTTGGATGTG-GGGGGATTAA----CTGCGGGC
13318T aff. cretaceumMJ3821 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-TTGTG-TTGACT-GGT-TAGGTGGCTTGGATGTG-GGGGGATTAA----CTGCGGGC
13317T aff. cretaceumMJ6194 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-ACAG-TTATT-TTGACT-GGT-TAGGTGGCTTGGATGTG-GGGGGATTAA----CTGCGGGC
13274T aff. cretaceumAH3995 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-ACAG-TTATT-TTGACT-GGT-TAGGTGGCTTGGATGTG-GGGGGATTAA----CTGCGGGC
13176T aff. cretaceumMJ9304 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-ACAG-TTATT-TTGACT-GGT-TAGGTGGCTTGGATGTG-GGGGGATTAA----CTGCGGGC
15185T sp.5MJ10060 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-TTGTG-TTGACT-GGT-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGTCT-----TGCGGGC
14071T sp.5Bruzek131207 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAACCCCT-CCAG-TTTTTTCTAGCT-GGC-TTGGGGGCTTGGATGT--GGGGGTCT-----TGCGGGC
14075T cf beccarianumBruzen13120 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACCTG-TTTGTTATGAACTGGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
14076T cf beccarianumBruzen14021 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACCTG-TTTGTTATGAACTGGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
14749T simulansMJ040221 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACCTG-TTTGTTATGAACTGGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
13276T simulansAH15633 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACCTG-TTTGTTATGAACTGGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
13332T simulansMJ9064 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACCTG-TTTGTTATGAACTGGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
13335T moraveciiKnudsen01 70Russ GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACCTG-TTTGTTATGAACTGGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
13331T simulansMJ7865 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACCTG-TTTGTTATGAACTGGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
14244T simulansMrazek1313 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACCTG-TTTGTTATGAACTGGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
13328T simulansMJ3871 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACCTG-TTTGTTATGAACTGGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
13329T simulansMJ3844 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACCTA-TTTGTTATGAACTGGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
14751T simulansMJ4902 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACCTG-TTTGTTATGAACTGGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
14752T simulansMJ5497 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACCTA-TTTGTTATGAACTGGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
15048T aff.excentricumLong9369 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACCAG-TTTGTTGTGACT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTTTT---GTTTGCGGGC
14750T brumaleMJ8372 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACTAG-TTTTTTGTGACT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
14745T brumaleMJ4597 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACTAG-TTTTTTGTGACT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
14746T brumaleMJ7532 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACTAG-TTTTTTGTGACT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
14044T brumaleFiny9 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACTAG-TTTTTTGTGACT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
14074T brumaleBruzek1131229 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACTAG-TTTTTTGTGACT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
14072T brumaleBruzek140112 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACTAG-TTTTTTGTGACT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
9118T brumaleO58849 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACTAG-TTTTTTGTGACT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
4080T brumaleMJ5785 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACTAG-TTTTTTGTGACT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
13327T brumaleMJ6427 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACTAG-TTTTTTGTGACT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTATT---GTTTGCGGGC
13282T sp.17AH13674 GTTTGAGTGTCAATTAATTCTCAATCCCCACTAG-TTTTTTGTGACT-AGCTTTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTTTT---GATTGCGGGC

13175T	sp.18MJ9046	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCGCCACCAG-TTTGT-ATAGCT-GGC-TTGGTTGATTGGATGT--GGGGGTTTA---CTTTGCGGGC
13333T	sp.20MJ5015	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCCCCCTCAG-CTTTT-GCGGTT-GGT-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTTTA---TTCTGCGGGT
9117T	eckbladii TRH9565	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCCCCCTCAG-CTCTTTGTGGTT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTTTA---TCCTGCGGGC
9119T	ekbladiiSivertsen930717TRH	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCCCCCTCAG-CTCTTTGTGGTT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTTTA---TCCTGCGGGC
13171T	giovanellaeMJ9059	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCCCCCTCAG-CTTTTGTGGTT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTTTA---TCGTGCGGGC
717T	Tul caespitosum acauleNeotype	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCCCCCTCAG-CTTTTGTGGTT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTTTA---TCGTGCGGGC
13313T	giovanellaeMJ8706	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCCCCCTCAG-CTTTTGTGGTT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTTTA---TTGTGCGGGC
13279T	giovalellaeAH11641	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCCCCCTCAG-CTTTTGTGGTT-GGC-TTGGTGGATTGGATGT--GGGGGTTTA---TYGTGCGGGC
14069T	beccarianumBruzek140115-1	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCTCCACTGG-TTTTT-GTGACT-GGC-TTGGTTGATTGGATGT--GGGGGTTTA---TTTTGCGGGC
14070T	beccarianumBruzek140115-2	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCTCCACTGG-TTTTT-GTGACT-GGC-TTGGTTGATTGGATGT--GGGGGTTTA---TTTTGCGGGC
14046T	beccarianumFiny2	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCTCCACTGG-TTTTT-GTGACT-GGC-TTGGTTGATTGGATGT--GGGGGTTTA---TTTTGCGGGC
14054T	cfbeccarianumMolia2014Cyp	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCTCCACTGG-TTTT--GTGACT-GGC-TTGGTTGATTGGATAT--GGGGGTTTA---TTTTGCGGGC
10022T	niveumMJ7692	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCCCCCTCAG-CTTTT-GTGGTT-GGT-TAGGTGGATTGGATGT--GGGGGTTTATACTTGTGCGGGC
10023T	niveumMJ7699	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAATCCCCCTCAG-CTTTT-GTGGTT-GGT-TAGGTGGATTGGATGT--GGGGGTTTATACTTGTGCGGGC
13320T	calcareumBrelisO133	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CTAG-CTTTTGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
9121T	calcareumMJ7141	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CTAG-CTTTTGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TTTTGCGGGC
13173T	calcareumMJ2010	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CTAG-CTTTTGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
9122T	calcareumMJ8065	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CTAG-CTTTTGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
4076T	calcareumMJ6375	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CTAG-CTTTTGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
5064T	Tul aff squamosumMJ6965Sodem	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CTAG-CTTTTGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
5065T	calcareumMJ6438	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CTAG-CTTTTGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
14053T	calcareumFiny4	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CTAG-CTTTTGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
5069T	aff squamosumMJ6002UngSvag	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCA-CCAG-CTGTTTTTGGCT-GGCTTTGGTGGCTTGGACGT--GGGGGATGT---TTTTGCGGGC
13311T	subsquamosumMJ9336	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCA-CCAG-CTGTTTTTGGCT-GGCTTTGGTGGCTTGGACGT--GGGGGATGT---TTTTGCGGGC
4087T	subsquamosumMJ4945	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCA-CCAG-CTGTTTTTGGCT-GGCTTTGGTGGCTTGGACGT--GGGGGATGT---TTTTGCGGGC
5062T	subsquamosumAH19024	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCA-CCAG-CTGTTTTTGGCT-GGCTTTGGTGGCTTGGACGT--GGGGGATGT---TTTTGCGGGC
5066T	subsquamosumMJ6563	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCA-CCAG-CTGTTTTTGGCT-GGCTTTGGTGGCTTGGACGT--GGGGGATGT---TTTTGCGGGC
13309T	subsquamosumMJ9305Sp	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCA-CCAG-CTGTTTTTGGCT-GGCTTTGGTGGCTTGGACGT--GGGGGATGT---TTTTGCGGGC
9124T	squamosumEL260-06	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCA-CCAG-CCGTTTTTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATG----TTTTGCGGGC
4073T	squamosumMrazek1300 DQ4157	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCA-CCAG-CCGTTTTTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATG----TTTTGCGGGC
Tulostoma sp HQ667595 HQ667598Ar		GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CTAG-CTTTTCGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATTGA---TTTTGCGGGC
Tulostoma sp HQ667596 HQ667599Ar		GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CTAG-CTTTTCGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGATTGA---TTTTGCGGGC
13310T	melanocyclumKnudsenC64727	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CCAG-CTTTTCGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
4084T	melanocyclumMJ6036	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CCAG-CTTTTCGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
13321T	melanocyclumMJ9596France	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CCAG-CTTTTCGCGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
4077T	melanocyclumM011215	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CCAG-CTTTTCGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
9125T	melanocyclumMJ AKB05052901	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CCAG-CTTTTCGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
9126T	melanocyclumSAH08-247	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CCAG-CTTTTCGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
9127T	melanocyclumMJ8815	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CCAG-CTTTTCGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC
9123T	melanocyclumMJ090418	GTTTGAGTGTCAATTAATCTCAACCCCT-CCAG-CTTTTCGTGGCT-GGC-TTGGTGGCTTGGATGT--GGGGGAT----TCTTGC GGCC

13169T *obesum*MJ8695 CTCTCTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGATCTGTTTGGCG-AACCGTC-
13177T *obesum*MJ8707 CTCTCTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGATCTGTTTGGCG-AACCGTC-
13280T *obesum*AH20901 CTCTCTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGATCTGTTTGGCG-AACCGTC-
13275T *lloydii*AH31155 CTCTTTTC-AGAGGTCGGCTCCCCTCAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-AACTGTC-
13319T *Lloydii* Lahti201210 CTCTTTTC-AGAGGTCGGCTCCCCTCAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-AACTGTC-
9120T *fulvellum*Kabat970428 CTTTTTCA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGCTTGGCG-AACTGTT-
13323T *grandisporum*MJ6633 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-GAATGTT-
14040T *grandisporum*MJ8907 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-GAATGTT-
14041T *grandisporum*MJ8793 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-GAATGTT-
14045T *grandisporum*Finy10 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-GAATGTT-
14068T *grandisporum*Bruzek131208 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-GAATGTT-
13330T *leiosporum*Knudsen99 337Ru CTCCAAA---AGGTCAGCTCCCCTAAAATGTATTAGCGGAACCGTTTGGCG-GACTGTC-
13281T *cfpseudopulchellum*AH11603 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-TACTGTC-
16080T *pseudopulchellum*AH11605Ty CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-TACTGTC-
14742T *pannicum*MJ990617a CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-TACTGTC-
14744T *pannicum*MJ8715 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-TACTGTC-
14756T *pannicum*MJ7764 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-TACTGTC-
14050T *pannicum*MJ7803 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-TACTGTC-
16079T *submembranaceum*AH15132Ty CCTCTCTA-GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGTGAAGTGTGGCG-GATTGTC-
13170T *sp.15*MJ9295 TCTTTTCA--GAGGTCGGCTCACCTGAAATGCATTAGTAGAACCCTTGGCG-GACTGCCA-
13312T *pseudopulchellum*MJ9296Spa TCTTTTCA--GAGGTCGGCTCACCTGAAATGCATTAGTAGAACCCTTGGCG-GACTGCCA-
14743T *sp.15*MJ660617b TCTTTTCA--GAGGTCGGCTCACCTGAAATGCATTAGTAGAACCCTTGGCG-GACTGCCA-
14753T *sp.10*MJ3813 CTCTTCA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCGA-
13334T *sp.10*MJ6198 TTCTTCA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCGA-
13315T *caespitosum*MJ881114Spain C-CTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTTAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCGA-
13258T *sp.12*AH15040 C-CTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCGA-
15049T *sp.13*Long11161 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTTAAATGCATTAGTGAACCGTTTGGCGA-
14755T *sp.9*MJ3787 CTCTTTTC-AGAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCGA-
13342T *cf kotlabae*MJ4966Hungary CTCTTTTC-AGAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCGA-
13343T *cf kotlabae*MJ4976Hungary CTCTTTTC-AGAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCGA-
14043T *sp.7*Finy1 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCTCTGAAATGCATTAGCGGAGCCGCTTGGCG-
14747T *sp.8*MJ3830 CTCTTCT--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-
14754T *sp.8*MJ6081 CTCTTCT--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGTATTAGCGGAACCGTTTGGCG-
13337T *cf.kotlabae*MJ7795Hungary CTCTTCT--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-
14748T *kotlabae*Boertmann79074 CTCTTCT--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-
13336T *kotlabae*MJ5597 CTCTTCT--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-
13338T *kotlabae*MJ9585 CTCTTCT--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-
13340T *kotlabae*MJ7187 CTCTTCT--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-
14073T *kotlabae*Pavell140118 CTCTTCT--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCG-
13316T *obseum*Knudsen01 07Russia CTCTCTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGGCGA-

13318T aff. cretaceumMJ3821 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAACTATCTATGCCAA-AGGAC
13317T aff. cretaceumMJ6194 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTAAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAACTATCTATGCCAA-AGGAC
13274T aff. cretaceumAH3995 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTAAAATGTATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAACTATCTATGCCAA-AGGAC
13176T aff. cretaceumMJ9304 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTAAAATGCATTAGTGGAAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAACTATCTATGCCAA-AGGAC
15185T sp.5MJ10060 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAACTATCTATACC-A-AAGAC
14071T sp.5Bruzek131207 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAACTATCTATACC-A-AAGAC
14075T cf beccarianumBruzen13120 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
14076T cf beccarianumBruzen14021 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
14749T simulansMJ040221 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
13276T simulansAH15633 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
13332T simulansMJ9064 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATGTACGCC-A-AAGAC
13335T moraveciiKnudsen01 70Russ CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
13331T simulansMJ7865 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
14244T simulansMrazek1313 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
13328T simulansMJ3871 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
13329T simulansMJ3844 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
14751T simulansMJ4902 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
14752T simulansMJ5497 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
15048T aff.excentricumLong9369 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
14750T brumaleMJ8372 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTAAAAAGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-ACGAC
14745T brumaleMJ4597 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTAAAAAGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-ACGAC
14746T brumaleMJ7532 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTAAAAAGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-ACGAC
14044T brumaleFiny9 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTAAAAAGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTAYGCC-A-ACGAC
14074T brumaleBruzek1131229 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTAAAAAGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-ACGAC
14072T brumaleBruzek140112 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTAAAAAGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-ACGAC
9118T brumaleO58849 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTAAAAAGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-ACGAC
4080T brumaleMJ5785 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTAAAAAGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-ACGAC
13327T brumaleMJ6427 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTAAAAAGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-ACGAC
13282T sp.17AH13674 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCAGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-TAGAC
13175T sp.18MJ9046 CTCTTCA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-G-AAGAC
13333T sp.20MJ5015 CTCTTAA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
9117T eckbladii TRH9565 CTCTGAA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCAGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
9119T ekbladiiSivertsen930717TRH CTCTGAA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCAGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
13171T giovaneliaeMJ9059 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTATGCC-A-AAGAC
717Tul caespitosum acauleNeotype CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTATGCC-A-AAGAC
13313T giovaneliaeMJ8706 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTATGCC-A-AAGAC
13279T giovaneliaeAH11641 CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAATGCATTAGCGGAACCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTATGCC-A-AAGAC
14069T beccarianumBruzek140115-1 CTCTTCA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAT
14070T beccarianumBruzek140115-2 CTCTTCA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAT
14046T beccarianumFiny2 CTCTTCA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGACCCGTTTGC GGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAT

14054T cfbecarianumMolia2014Cyp CTCTTCA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-GACCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTACGCC-A-AAGAC
10022T niveumMJ7692 CTCTAAA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGAACCGTTTGCGGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTATGCC-A-AAGAC
10023T niveumMJ7699 CTCTAAA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGCGGAACCGTTTGCGGAACCCGTC-ACTGGTGTGATAAATTATCTATGCC-A-AAGAC
13320T calcareumBreliso133 CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTAGAACTGTTTGCGG-AACTGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
9121T calcareumMJ7141 CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTAGAACTGTTTGCGG-AACTGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
13173T calcareumMJ2010 CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTAGAACTGTTTGCGG-AACTGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
9122T calcareumMJ8065 CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTAGAACTGTTTGCGG-AACTGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
4076T calcareumMJ6375 CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTAGAACTGTTTGCGG-AACTGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
5064Tul aff squamosumMJ6965Sodem CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTAGAACTGTTTGCGG-AACTGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
5065T calcareumMJ6438 CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTAGAACTGTTTGCGG-AACTGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
14053T calcareumFiny4 CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTAGAACTGTTTGCGG-AACTGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
5069T aff squamosumMJ6002UngSvag CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAGCCGTTTGCGG-GACCGTTCACAGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
13311T subsquamosumMJ9336 CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAGCCGTTTGCGG-GACCGTTCACAGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
4087T subsquamosumMJ4945 CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAGCCGTTTGCGG-GACCGTTCACAGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
5062T subsquamosumAH19024 CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAGCCGTTTGCGG-GACCGTTCACAGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
5066T subsquamosumMJ6563 CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAGCCGTTTGCGG-GACCGTTCACAGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
13309T subsquamosumMJ9305Sp CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAGCCGTTTGCGG-GACCGTTCACAGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
9124T squamosumEL260-06 CTCTTCA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-GACCGTTCACTGGTGTGATAAATTATCACCACC-G-AAGAC
4073T squamosumMrazek1300 DQ4157 CTCTTCA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-GACCGTTCACTGGTGTGATAAATTATCACCACC-G-AAGAC
Tulostoma sp HQ667595 HQ667598Ar CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-ACCTGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
Tulostoma sp HQ667596 HQ667599Ar CTCTTTA--GAGGTCAGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-ACCTGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
13310T melanocyclusKnudsenC64727 CTC-TAA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-GACCGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
4084T melanocyclusMJ6036 CTC-TAA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-GACCGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
13321T melanocyclusMJ9596France CTC-TAA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-GACCGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
4077T melanocyclusM011215 CTC-TAA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-GACCGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
9125T melanocyclusMJ AKB05052901 CTC-TAA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-GACCGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
9126T melanocyclusSAH08-247 CTC-TAA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-GACCGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
9127T melanocyclusMJ8815 CTC-TAA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-GACCGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
9123T melanocyclusMJ090418 CTC-TAA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-GACCGTTCACTGGTGTGATAAATTATCATCACC-G-AAGAC
T domingueziaeHQ667593 CTYTTTTA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-GACCGTTCACTGGTGTGATAAATTATCACCACC-G-AAGAC
T domingueziaeHQ667593 HQ667597 CTYTTTTA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-GACCGTTCACTGGTGTGATAAATTATCACCACC-G-AAGAC
13191T rufumLectotype1908USA CTCTTTA--GAGGTCGGCTCCCCTGAAAAGCATTAGTGGAAACCGTTTGCGG-AAACCGTTCACTGGTGTGATAAATTATCACCACC-G-AAGAC

Input data matrix (continued):

Taxon	6	7
13345T subfuscumMJ7472Slov	AACCGCTCTCTGG--TAATCTGCTTCTAATTGTCC---TTTACTTGGACAACAATA--TCTGAATG	

15360T	punctatumMJ10058	AACCGCTCTCTGG--TAATTCTGCTTCTAATTGTCC---TTTACTTGGACAACAATA--TCTGAATG
13353T	pulchellumFritz2010-1	AACTGCTCTCTGA--TAGTCTGCTTCTAACCGTCC--ATTTA-TTAGACAACATTAT-TATGAACA
13277T	pulchellumAH12967	AACTGCTCTCTGA--TAGTCTGCTTCTAACCGTCC--ATTTA-TTGGACAACATTAT-TATGAACA
13322T	striatumFritz2010-2	AACTGCTCTCTGA--TAGTCTGCTTCTAACAGTCC--TGTTA-TGGGACAACATTAC-TATGAACA
13283T	striatumAH15543	AGCTGCTCTCTGA--TAGTCTGCTTCTAACAGTCC--TGCTA-TGGGACAACAATAC-TATGAACA
13346T	fimbriatumMJ8773	AACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGTTGGACAATAAATA--TATTAATG
13349T	fimbriatumMånsson991010	GACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGTGGGACAACAATA--TATTAATG
13344T	fimbriatumMJ7332	GACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGTGGGACAACAATA--TATTAATG
13348T	fimbriatumMJ060330Bl	GACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGTGGGACAACAATA--TATTAATG
13351T	fimbriatumMJ7025	GACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGTGGGACAACAATA--TATTAATG
14038T	fimbriatumMJ7926	GACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGTGGGACAACAATA--TATTAATG
14042T	fimbriatumFiny8	GACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGTGGGACAACAATA--TATTAATG
14049T	fimbriatumMJ7372	GACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGTGGGACAACAATA--TATTAATG
14052T	fimbriatumNJ7351	GACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGTGGGACAACAATA--TATTAATG
13352T	campestreKnudsen00190Russ	GACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGTGGGACAACAATA--TATTAATG
13350T	campestreKnudsen0171Russi	GACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGTGGGACAACAATA--TATTAATG
14055T	sp.4Finy12	AACTGCTCTCTG---TAGTCTGCTTCTAACTGTCC--TTATCATTGGACAATGATA--TATGAATA
15047T	winterhoffiATLAS SOJ15 69	AACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGT-GGACAATATTA--TATTAATG
14242T	winterhoffizFM74 2	AACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGT-GGACAATATTA--TATTAATG
14037T	winterhoffiMJ7761	AACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGT-GGACAATATTA--TATTAATG
4075T	Tul winterhoffiMJ2379	AACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACTGTCC--TCATTGT-GGACAATATTA--TATTAATG
14047T	sp.3MJ4935	AACTGCTCTCTGG--CAATTCTGCTTCTAACCGTCC--TCATTGT-GGACAATATTA--TATTAATG
14048T	sp.1MJ7762	TACTGCTCTCTAT--TAGTTCAGCTTCTAATTGTCC--TTACTCATGGACAACACTAGTA-TTTGAATG
14036T	sp.2MJ8710	TACTGCTCTCTAT--TTGTTCTGCTACTAATTGTCC--TTC---ATGGACAACAAGTA-TTTGAATG
13347T	cf fimbriatumMJ8701Spain	TACTGCTCTCTAT--TTGTTCTGCTACTAATTGTCC--TTC---ATGGACAACAAGTA-TTTGAATG
13314T	cyclophorumRLowen99Spain	ACCTGCTCTCTAA--TGAT-CTGCTCATAATTGTCC--TTC---ATGGACAACATA--TCTGAATG
13278T	cyclophorumAH16885	ACCTGCTCTCTAA--TGAT-CTGCTCATAATTGTCC--TTC---ATGGACAACATA--TCTGAATG
13284T	cyclophorumAH19564	ACCTGCTCTCTAA--TGAT-CTGCTCATAATTGTCC--TTC---ATGGACAACATA--TCTGAATG
13174T	cyclophorumMJ8862	ACCTGCTCTCTAA--TGAT-CTGCTCATAATTGTCC--TTC---ATGGACAACATA--TCTGAATG
13169T	obesumMJ8695	GACCGCTCTCTAG--TAGCTCTGCTTCTAACAGTCCCTGTTTCTCATGGACCATAAATA--TCTGAATG
13177T	obesumMJ8707	GACCGCTCTCTAG--TAGCTCTGCTTCTAACAGTCCCTGTTTCTCATGGACCATAAATA--TCTGAATG
13280T	obesumAH20901	GACCGCTCTCTAG--TAGCTCTGCTTCTAACAGTCCCTGTTTCTCATGGACCATAAATA--TCTGAATG
13275T	lloydiiAH31155	CACTGCTCTCTGG--TAATTCTGCTTCTAACTGTCC--CTCCATTGGACAATAAATA--ATTGAATG
13319T	Lloydii Lahti201210	CACTGCTCTCTGG--TAATTCTGCTTCTAACTGTCC--CTCCATTGGACAATAAATA--ATTGAATG
9120T	fulvellumKabat970428	AGCTGCTCTCTGG--TAATTCTGCTTCAACTGTCC-----TTATTGGACAATATATT-TTTGAATG
13323T	grandisporumMJ6633	AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC--TTTCACTTGGACAACAATAT-TTTGAATT
14040T	grandisporumMJ8907	AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC--TTTCACTTGGACAACAATAT-TTTGAATT
14041T	grandisporumMJ8793	AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC--TTTCACTTGGACAACAATAT-TTTGAATT
14045T	grandisporumFiny10	AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC--TTTCACTTGGACAACAATAT-TTTGAATT
14068T	grandisporumBruzek131208	AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC--TTTCACTTGGACAACAATAT-TTTGAATT

13330T leiosporumKnudsen99 337Ru TGCTGCTCTCTGG--TATTTCTGCTTCTAATTGTCT-----TCTTAGACAACAATA--TATTAAT
13281T cfpseudopulchellumAH11603 GTCTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCAAATTTGTCC--CTCTGCTTGGACAACGAATGATTCAAATG
16080T pseudopulchellumAH11605Ty GTCTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCAAATTTGTCC--CTCTGCTTGGACAACGAATGATTCAAATG
14742T pannonicumMJ990617a GTCTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCAAATCGTCC--CTTTGCTTGGACAACGAATTATTCAATTT
14744T pannonicumMJ8715 GTCTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCAAATCGTCC--CTTTGCTTGGACAAYGAATTATTCAATTT
14756T pannonicumMJ7764 GTCTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCAAATCGTCC--CTTTGCTTGGACAACGAATTATTCAATTT
14050T pannonicumMJ7803 GTCTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCAAATCGTCC--CTTTGCTTGGACAATGAATTATTCAATTT
16079T submembranaceumAH15132Ty GACCGCTCTCTG---TAGTCCGCTTCTAACTGTCC--TTTATCCGGGACAACAATAT--ATGATTA
13170T sp.15MJ9295 ACCTGCTCTCCTT-AGTGTCTGCTTCTAACTGTCC--TTTAAATCGGACAACAATAA-CATGAATG
13312T pseudopulchellumMJ9296Spa ACCTGCTCTCCTT-AGTGTCTGCTTCTAACTGTCC--TTTAAATCGGACAACAATAA-CATGAATG
14743T sp.15MJ660617b ACCTGCTCTCCTT-AG--TTCTGCTTCTAACTGTCC--TTTATCTCGGACAACAATAA-CATGAATG
14753T sp.10MJ3813 AACTGCTCTCTGG--TCATTCTGCTTCTAATTGTCC--GTCC--TTGGACAACGATA--TTTGAATG
13334T sp.10MJ6198 AACTGCTCTCTGG--TCATTCTGCTTCTAATTGTCC--GTTC--TTGGACAACGATA--TTTGAATG
13315T caespitosumMJ881114Spain AACTGCTCTCTGG--TCATTCTGCTTCCAATTGTCC--ATCT--TTGGACAACATG--TTTGAATG
13258T sp.12AH15040 AACTGCTCTCTGG--TCATTCTGCTTCTAATTGTCC--ATCT--TTGGACAACATG--TTTGAATG
15049T sp.13Long11161 AACTGCTCTCTGG--T-ATTCTGCTTCTAATTGTCC--ATCA--TTGGACAATGATG--TTTGAATG
14755T sp.9MJ3787 AACTGCTCTCTGG--TACTTCTGCTTCAAATTTGTCC--ACC---TTGGACAACCATA--TTTGAATG
13342T cf kotlabaeMJ4966Hungary AACTGCTCTCTGG--TACTTCTGCTTCAAATTTGTCC--ACC---TTGGACAACCATA--TTTGAATG
13343T cf kotlabaeMJ4976Hungary AACTGCTCTCTGG--TACTTCTGCTTCAAATTTGTCC--ACC---TTGGACAACCATA--TTTGAATG
14043T sp.7Finyl AACTGCTCTCTGG--TACTTCTGCTTCTAACTGTCC--GTC---TTGGACAACAATA--CTTGAATG
14747T sp.8MJ3830 AACTGCTCTCTGG--TACTTCTGCTTCCAATTGTCCC--ACC---TTGGACAACATAT--TTTGAATG
14754T sp.8MJ6081 AACTGCTCTCTGG--TACTTCTGCTTCCAATTGTCCC--ACC---TTGGACAACATAT--TTTGAATG
13337T cf.kotlabaeMJ7795Hungary AACTGCTCTCTGG--TACTTCTGCTTCCAATTGTCCC--ACC---TTGGACAACATAT--TTTGAATG
14748T kotlabaeBoertmann79074 AACTGCTCTCTGG--TTACTTCTGCTTCTAATTGTCC--GTC---TTGGACAACGATA--TTCGAATG
13336T kotlabaeMJ5597 AACTGCTCTCTGG--TTACTTCTGCTTCTAATTGTCC--ATC---TTGGACAACGATA--TTCGAATG
13338T kotlabaeMJ9585 AACTGCTCTCTGG--TTACTTCTGCTTCTAATTGTCC--GTC---TTGGACAACGATA--TTCGAATG
13340T kotlabaeMJ7187 AACTGCTCTCTGG--TTACTTCTGCTTCTAATTGTCC--GTC---TTGGACAACGATA--TTCGAATG
14073T kotlabaePavell140118 AACTGCTCTCTGG--TTACTTCTGCTTCTAATTGTCC--GTC---TTGGACAACGATA--TTCGAATG
13316T obseumKnudsen01 07Russia ATCTGCTCTCCGG--TAGTCTGCTTCTAATTGTCC--TTCACGATGGAC-AATGTAT-ATTTATTA
13318T aff. cretaceumMJ3821 ATCTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC--TTCACGATGGAC-AACGTAT-ATTTATTA
13317T aff. cretaceumMJ6194 CTCTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATTGTCC--TTCATAATGGACAACGTAT-ATTTATTA
13274T aff. cretaceumAH3995 CTCTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATTGTCC--TTCATAATGGACAACGTAT-ATTTATTA
13176T aff. cretaceumMJ9304 CTCTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATTGTCC--TTCATAATGGACAACGTAT-ATTTATTA
15185T sp.5MJ10060 ATCTGCTTTCTGG--TAGTCTGCTTCCAATAGTCC--TTTCTCTTGGACAACAATA--TCTGAATG
14071T sp.5Bruzek131207 ATCTGCTTTCTGG--TAGTCTGCTTCCAATAGTCC--TTTCTCTTGGACAACAATA--TCTGAATG
14075T cf beccarianumBruzen13120 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTAGTTGGACAATCAATA-ATTGAATG
14076T cf beccarianumBruzen14021 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTAGTTGGACAATCAATA-ATTGAATG
14749T simulansMJ040221 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTAGTTGGACAATCAATA-ATTGAATG
13276T simulansAH15633 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTAGTTGGACAATCAATA-ATTGAATG
13332T simulansMJ9064 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTAGTTGGACAATCAATA-ATTGAATG

13335T moraveciiKnudsen01 70Russ AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTAGTTGGACAATCAATA-TTTGAATG
13331T simulansMJ7865 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTAGTTGGACAATCAATA-TTTGAATG
14244T simulansMrazek1313 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTAGTTGGACAATCAATA-TTTGAATG
13328T simulansMJ3871 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTAGTTGGACAATCAATA-TTTGAATG
13329T simulansMJ3844 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTAGTTGGACAATCAATA-TTTGAATG
14751T simulansMJ4902 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTAGTTGGACAATCAATA-TTTGAATG
14752T simulansMJ5497 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTAGTTGGACAATCAATA-TTTGAATG
15048T aff.excentricumLong9369 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTACTTGGACAATGATATATCTGAATG
14750T brumaleMJ8372 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAACCCTCC---TTTACTTGGACAATCATATATTTGAATG
14745T brumaleMJ4597 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAACCCTCC---TTTACTTGGACAATCATATATTTGAATG
14746T brumaleMJ7532 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAACCCTCC---TTTACTTGGACAATCATATATTTGAATG
14044T brumaleFiny9 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAACCCTCC---TTTACTTGGACAATCATATATTTGAATG
14074T brumaleBruzek1131229 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAACCCTCC---TTTACTTGGACAATCATATATTTGAATG
14072T brumaleBruzek140112 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAACCCTCC---TTTACTTGGACAATCATATATTTGAATG
9118T brumaleO58849 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAACCCTCC---TTTACTTGGACAATCATATATTTGAATG
4080T brumaleMJ5785 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAACCCTCC---TTTACTTGGACAATCATATATTTGAATG
13327T brumaleMJ6427 AACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAACCCTCC---TTTACTTGGACAATCATATATTTGAATG
13282T sp.17AH13674 GACCGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATGTGCC--CCTTACTCGGACAATGATACATCTGAATG
13175T sp.18MJ9046 GACTGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTACTTGGACAATGATGATATTGAACG
13333T sp.20MJ5015 AACCGCTCTCAGA--TAGTACTGCTCCTAATCGTCC---TTTACTTGGACAATATA---TTTGAATG
9117T eckbladii TRH9565 CACCGCTCTCAAA--TAGTACTGCTTCTAATGTGCC---TTTAATTGGACAACATTA--TTTGAACG
9119T ekbladiiSivertsen930717TRH CACCGCTCTCAAA--TAGTACTGCTTCTAATGTGCC---TTTAATTGGACAACATTA--TTTGAACG
13171T giovaneliaeMJ9059 AACCGCTCTCAGA--TAGTACTGCTCCTAATCGTCC---TTTAATTGGACAACGATA--TCTGAACG
717Tul caespitosum acauleNeotype AACCGCTCTCAGA--TAGTACTGCTCCTAATCGTCC---TTTAATTGGACAACGATA--TCTGAACG
13313T giovaneliaeMJ8706 AACCGCTCTCAGA--TAGTACTGCTCCTAATCGTCC---TTTAATTGGACAACGATA--TCTGAACG
13279T giovaneliaeAH11641 AACCGCTCTCAGA--TAGTACTGCTCCTAATCGTCC---TTTAATTGGACAACGATA--TCTGAACG
14069T beccarianumBruzek140115-1 AACTGCTTTCTGG--TAGTCTGCTTCCAACGTGCC---TTTGACTTGGACAATGATA--TTTGAATG
14070T beccarianumBruzek140115-2 AACTGCTTTCTGG--TAGTCTGCTTCCAACGTGCC---TTTGACTTGGACAATGATA--TTTGAATG
14046T beccarianumFiny2 AACTGCTTTCTGG--TAGTCTGCTTCCAACGTGCC---TTTGACTTGGACAATGATA--TTTGAATG
14054T cfbeccarianumMolia2014Cyp AACCGCTCTCTGG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TTTACTTGGACAATA----TTTGAATG
10022T niveumMJ7692 GACTGCTCTCA----TAGTTCAGCTTCTAATCGTCC---TTTCACTTGGACAATAATATAACTGAATG
10023T niveumMJ7699 GACTGCTCTCA----TAGTTCAGCTTCTAATCGTCC---TTTCACTTGGACAATAATATAACTGAATG
13320T calcareumBrelisO133 AGCCGCTCTCATG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TATTTTCATGGACAATAATG--TTTGAATG
9121T calcareumMJ7141 AGCCGCTCTCATG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TATTTTCATGGACAATAATG--TTTGAATG
13173T calcareumMJ2010 AGCCGCTCTCATG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TATTTTCATGGACAATAATG--TTTGAATG
9122T calcareumMJ8065 AGCCGCTCTCATG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TATTTTCATGGACAATAATG--TTTGAATG
4076T calcareumMJ6375 AGCCGCTCTCATG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TATTTTCATGGACAATAATG--TTTGAATG
5064Tul aff squamosumMJ6965Sodem AGCCGCTCTCATG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TATTTTCATGGACAATAATG--TTTGAATG
5065T calcareumMJ6438 AGCCGCTCTCATG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TATTTTCATGGACAATAATG--TTTGAATG
14053T calcareumFiny4 AGCCGCTCTCATG--TAGTCTGCTTCTAATCGTCC---TATTTTCATGGACAATAATG--TTTGAATG

5069T	aff squamosumMJ6002UngSvag	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTTGCATGGACAACAATA--TTTGAATG
13311T	subsquamosumMJ9336	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTTGCATGGACAACAATA--TTTGAATG
4087T	subsquamosumMJ4945	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTTGCATGGACAACAATA--TTTGAATG
5062T	subsquamosumAH19024	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTTGCATGGACAACAATA--TTTGAATG
5066T	subsquamosumMJ6563	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTTGCATGGACAACAATA--TTTGAATG
13309T	subsquamosumMJ9305Sp	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTTGCATGGACAACAATA--TTTGAATG
9124T	squamosumEL260-06	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTTGCATGGACAATGATA--TTTGAATG
4073T	squamosumMrazek1300 DQ4157	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTTGCATGGACAATGATA--TTTGAATG
Tulostoma sp	HQ667595 HQ667598Ar	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTTCTATGGACAACATTG--TTTGAATG
Tulostoma sp	HQ667596 HQ667599Ar	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTTCTATGGACAACATTG--TTTGAATG
13310T	melanocyclusKnudsenC64727	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTCCCATGGACAATAATG--TTTGAATG
4084T	melanocyclusMJ6036	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTCCCATGGACAATAATG--TTTGAATG
13321T	melanocyclusMJ9596France	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTCCCATGGACAATAATG--TTTGAATG
4077T	melanocyclusM011215	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTCCCATGGACAATAATG--TTTGAATG
9125T	melanocyclusMJ AKB05052901	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTCCCATGGACAATAATG--TTTGAATG
9126T	melanocyclusSAH08-247	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTCCCATGGACAATAATG--TTTGAATG
9127T	melanocyclusMJ8815	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTCCCATGGACAATAATG--TTTGAATG
9123T	melanocyclusMJ090418	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTCCCATGGACAATAATG--TTTGAATG
T	domingueziaeHQ667593	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTTGTATGGACAACAATA--CTTGAATG
T	domingueziaeHQ667593 HQ667597	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTTGTATGGACAACAATA--CTTGAATG
13191T	rufumLectotype1908USA	AACCGCTCTCATG--TAGTTCCTGCTTCTAATCGTCC--TTTTGCATGGACAACCRTA--TTTGAATA

paup> Log stop;